Gunnhild syr sammen filer

Ny branch i git hub: «specimen-type-merge»

1. gi corema-dump-filer nye navn
2. src\utils\stitchFiles.js – jeg kjører denne i konsollen med «node stitchFiles.js», så lages ny fil som leses i setCollection() i fileread.js
3. hovedfil leses, legger alle data i objekter i array…
4. lager array med organism uuid’er?
5. items: én property med array med alle item-uuid’er, og så en property med array for hvert datafelt om itemene. placeholders der det ikke er data, hva som hører til hvilket item kommer fram av rekkefølgen. gjør arrayene om til string med data separert med komma
6. for alle dumpfiler: les fil, gå gjennom alle obj fra hovedfil, hvis i dumpfil, legg til relevant info som properties, gjør .. om til tekst…
7. I object.js: for hvert item, legg til rad for hver property (legg items i en array som objekter)

Dokumentasjon stitchFiles.js

stithcFiles.js inneholder følgende funksjoner:

**readDumpFile(filename, callback)**

Beskrivelse: leser en corema- eller musitdumpfil og gjør om innholdet til JSON

Input: filename – Tekststreng, navn på dumpfila som skal leses

Output: callback-funksjon – sender JSON objektet til funksjonen som kaller denne

**readline.createInterface({}).on(line, function ()).on(close, function()**

Beskrivelse:

Leser en hoved-dumpfil og gjør om innholdet til JSON som så legges i en array med objekter, ett objekt for hvert individ.

Kaller readDumpFile() som leser andre dumpfiler og gjør om til JSON,

og legger disse dataene til objektene i den første arrayen.

Filer i dumpen

* fra corema

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Filnavn i dump** | **Brukes i koden 2.7.20** | **Skal hete** | **Inneholder** |
| occurrence.txt | x | birds\_occurrence.txt | Hoveddata for alle items |
| amplification.txt | x | birds\_amplification.txt | referanse til genetiske sekvenser |
| materialsample.txt | x | birds\_materialsample.txt | Item-type, konsentrasjon (på DNA-ekstrakt) og enhet for konsentrasjon |
| multimedia.txt | ? | birds\_multimedia.txt | bildeinformasjon |
| permit.txt |  |  | tilhørende tillatelser; type, status og forklaring |
| preparation.txt | X | birds\_preparation.txt | informasjon om ekstrahert DNA; type (f.eks. “gDNA”), ekstraksjonsmetode, utøver og dato |
| preservation.txt | X | birds\_preservation.txt | hvordan item’et er oppbevart (f.eks. etanol, tørt, queens buffer) |
| resourcerelationship.txt |  | birds\_resourcerelationship.txt | relasjon mellom item’er og voucher i trad. samling, bold process id o.a. |

Eirik:

navn på ny stitched file

fileread.js:

når i prod:

ta bort «\_short» på occ-filer