Модель "Распространение эпидемии"

Швец С. 2021, 18 March

Цель работы

Цель работы

Изучить простейшую модель эпидемии и построить 2 графика распространения болезни

Задачи

- 1. Рассмотреть простейшую модель эпидемии: с условием того, что число заболевших не превысит критическое значение и с условием того, что число заболевших превышает критическое значение
- 2. Построить модели 2-х случаев распространения болезни

Выполнение лабораторной

работы

Формулировка задачи

Вариант 7

На одном острове вспыхнула эпидемия. Известно, что из всех проживающих на острове (N=20000) в момент начала эпидемии (t=0) число заболевших людей (являющихся распространителями инфекции) I(0)=99, А число здоровых людей с иммунитетом к болезни R(0)=5. Таким образом, число людей восприимчивых к болезни, но пока здоровых, в начальный момент времени S(0)=N-I(0)-R(0).

Постройте графики изменения числа особей в каждой из трех групп.

Случаи

Рассмотрите, как будет протекать эпидемия в случае:

- 1. Если $I(0) \leq I^*$
- 2. Если $I(0) > I^*$

Решение: Коэффиценты и начальные значения

Коэффиценты:

а = 0.01 //Коэффициент заболеваемости

b = 0.02 //Коэффициент выздоровления

Начальные значения:

 $N=20000\,/\!/{
m O}$ бщая численность популяции

 $I(0) = 99\,/\!/\!$ Количество инфицированных особей в начальный момент времени

R(0) = 5 //Число здоровых людей с иммунитетом к болезни

Решение: Коэффиценты и начальные значения

```
a = 0.01;
b = 0.02;
N = 20000;
I0 = 99;
R0 = 5;
S0 = N - I0 - R0;
```

Решение: СДУ №1

```
function inf1(dx,x,p,t)
    dx[1] = 0
    dx[2] = -b*x[2]
    dx[3] = b*x[2]
end
x0 = \Gamma S0, I0, R07
tspan = (0, 90)
prob1 = ODEProblem(inf1, x0, tspan)
sol1 = solve(prob1, timeseries steps = 0.01);
```

Решение: СДУ №2

```
function inf2(dx,x,p,t)
   dx[1] = -a*x[1]
   dx[2] = a*x[1] - b*x[2]
   dx[3] = b*x[2]
end
x0 = [S0, I0, R0]
tspan = (0, 1000)
prob2 = ODEProblem(inf2, x0, tspan)
 sol2 = solve(prob2, timeseries steps = 0.01);
```

Решение: вывод графиков

Выводим график для 1-го случая:

```
plot(sol, label = ["S(t)-восприимчивые \ \kappa \ болезни \ особи" \ "I(t) - title = "Модель заражения I(0)<=I*", \\ titlefontsize = 10)
```

Решение: вывод графиков

Выводим график изменения числености заболевших для 2-го случая:

```
plot(sol2, label = ["S(t)-восприимчивые к болезни особей" "I(t) title = "Модель заражения I(0)>I*", titlefontsize = 10)
```

Решение: Модель заражения №1

Случай №1, когда I(0)<=I*(рис. 1)

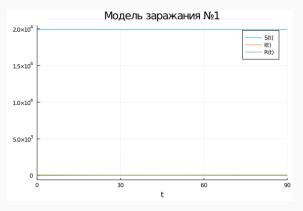


Figure 1: Модель заражения №1

Решение: Модель заражения №1

Увеличенный график(рис. 2):

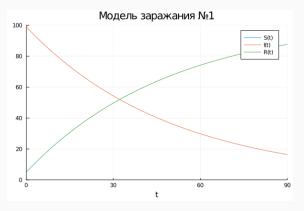


Figure 2: Модель заражения I(0) <= I*(Увеличенный график)

Решение: Модель заражения №2

Случай №2, когда І(0)>І*(рис. 3)

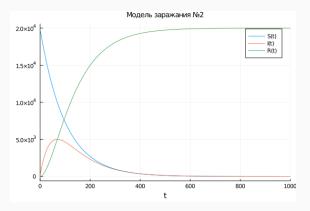


Figure 3: Модель заражения №2

Выводы

Выводы

Мы изучили простейшую модель эпидемии и построили модели 2-х случаев распространения болезни