

RELATÓRIO DE TRABALHO II:
Diagrama de Voronoi

Aluno: Gustavo Coelho

1. Objetivo

O objetivo deste relatório é descrever as abordagens usadas na implementação de um Diagrama de Voronoi para um dado conjunto de pontos. Para a construção do diagrama, usaremos o método baseado no Algoritmo Incremental.

Primeiro será feita uma breve descrição teórica do método e seus passos para a construção de cada célula. Em seguida, demonstraremos os resultados de sua implementação.

2. Método

Como já mencionado, o método escolhido é baseado no Algoritmo Incremental de Voronoi. O método inicia a execução escolhendo os dois primeiros pontos do conjunto de pontos e criando o diagrama inicial. Diagramas com apenas dois pontos são triviais, sendo apenas necessário traçar a bissetora. Para a definição da bissetora, usaremos coordenadas homogêneas, ou seja, definimos a reta bissetora através de dois pontos “infinitos” de coordenadas $(x, y, 0)$. Para a definição desses pontos, primeiro consideramos o ponto M , localizado no centro da distância entre os dois pontos. Ou seja:

$$M = \left(\frac{P_{0x} + P_{1x}}{2}, \frac{P_{0y} + P_{1y}}{2} \right)$$

Em seguida, definimos o vetor \vec{V}_1 como $P_0 - M$, ou seja:

$$\vec{V}_1 = (P_{0x} - M_x, P_{0y} - M_y)$$

Definimos então o vetor \vec{V}_2 que será usado efetivamente na construção da bissetora e é perpendicular a \vec{V}_1 , ou seja, $\vec{V}_1 \cdot \vec{V}_2 = 0$. Portanto, temos:

$$\vec{V}_1 \cdot \vec{V}_2 = V_{1x}V_{2x} + V_{1y}V_{2y} = 0$$

Desenvolvendo a equação, temos:

$$V_{2y} = -\frac{V_{1x}V_{2x}}{V_{1y}}$$

Ou seja:

$$\vec{V}_2 = \left(t, -\frac{V_{1x}t}{V_{1y}} \right)$$

Os pontos que formam a bissetora serão formados a partir de M, deslocados através de \vec{V}_2 , nas duas possíveis direções, ou seja, considerando o valor de t positivo e negativo. Portanto, temos:

$$Bissetora_{(p_0, p_1)} = \left(\left(M_x + t, M_y - \frac{V_{1x}t}{V_{1y}} \right), \left(M_x - t, M_y + \frac{V_{1x}t}{V_{1y}} \right) \right)$$

Para efeitos práticos, consideramos o valor de t suficientemente alto para que seja detectável por outras retas distantes. Usando o valor de t = 1000 e considerando coordenadas homogêneas, temos:

$$Bissetora_{(p_0, p_1)} = \left(\left(M_x + 1000, M_y - \frac{1000V_{1x}}{V_{1y}}, 0 \right), \left(M_x - 1000, M_y + \frac{1000V_{1x}}{V_{1y}}, 0 \right) \right)$$

O resultado pode ser visto na figura abaixo:

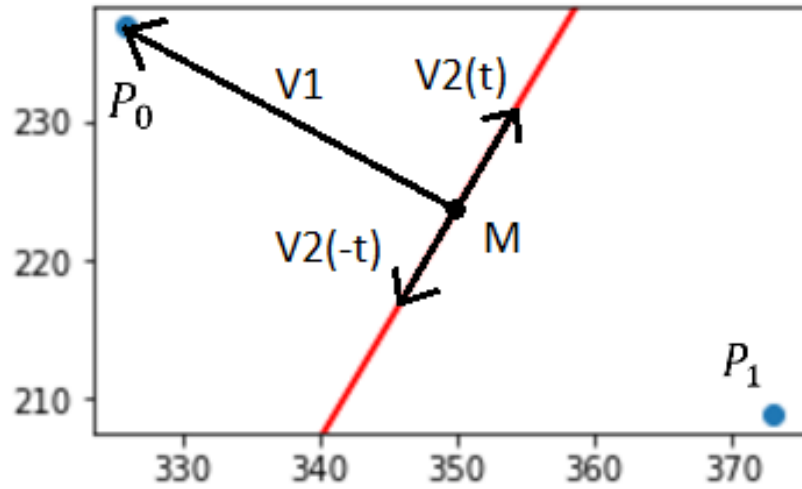


Figura 1: Definição da bissetora de dois pontos

É importante notar que para casos em que P_0 e P_1 formam uma linha horizontal, V_{1y} será nulo, o que resultará em uma coordenada y de V_2 igual a infinito. Nestes casos, consideramos $V_2 = [0,1]$. O custo em tempo de execução para esta operação será constante ($O_{(1)}$).

Com o diagrama inicial definido, em seguida adicionamos um terceiro ponto, e identificamos em qual célula ele se encontra. Para isso, buscamos o ponto com menor distância entre os existentes no diagrama e retornamos sua célula como o resultado da busca. Essa operação terá um custo de tempo de execução potencialmente $O_{(n)}$.

Com a definição da célula de chegada do novo ponto, definimos a bissetora deste ponto em relação ao ponto da célula em que ele se encontra. O cálculo é similar ao caso anterior, porém, neste caso, ao definir os valores de t , precisamos definir se há intersecção entre a nova bissetora e alguma reta, semirreta ou segmento de reta existente no diagrama. Para os dois sentidos da bissetora, se houver intersecção, a reta deve ser interrompida neste ponto. Caso contrário, estende-se o ponto para o infinito, ou seja, atribuindo à t um valor suficientemente grande e definindo a terceira coordenada como zero.

Para definir o ponto de intersecção entre a nova bissetora e as arestas da célula, consideramos que para cara aresta formada pelo ponto A e B, podemos definir sua formula (desconsiderando por hora seus limites de x e y) como:

$$r = A + sV_3, \text{ onde } V_3 = B - A$$

Da mesma forma, podemos descrever a equação da bissetora:

$$r = M + tV_2$$

A intersecção das retas se dará onde suas coordenadas se coincidirem, ou seja:

$$A_x + sV_{3x} = M_x + tV_{2x}$$

$$A_y + sV_{3y} = M_y + tV_{2y}$$

Desta forma, temos um sistema de duas equações e duas incógnitas:

$$sV_{3x} - tV_{2x} = M_x - A_x$$

$$sV_{3y} - tV_{2y} = M_y - A_y$$

Usando a regra de Cramer, temos:

$$D = \begin{bmatrix} V_{3x} & -V_{2x} \\ V_{3y} & -V_{2y} \end{bmatrix} = V_{3x}V_{2y} + V_{3y}V_{2x}$$

$$D_s = \begin{bmatrix} M_x - A_x & -V_{2x} \\ M_y - A_y & -V_{2y} \end{bmatrix} = -(M_x - A_x)V_{2y} + (M_y - A_y)V_{2x}$$

$$D_t = \begin{bmatrix} V_{3x} & M_x - A_x \\ V_{3y} & M_y - A_y \end{bmatrix} = (M_y - A_y)V_{3x} - (M_x - A_x)V_{3y}$$

$$s = \frac{D_s}{D}, \quad t = \frac{D_t}{D}$$

Caso D seja nulo, podemos dizer que não há intersecção. Caso contrário, definimos inicialmente a intersecção apenas substituindo os valores encontrados de t ou s em uma das retas.

Com o ponto de intersecção encontrado, ainda precisamos verificar se ela ocorre nos limites da aresta. Caso contrário, desconsideramos a intersecção.

Após realizar este procedimento para todas as arestas, podemos garantir que para qualquer célula, a nova bissetriz terá ao menos uma intersecção, e no máximo duas. No primeiro caso, estendemos a bissetora, definindo uma semirreta. No segundo caso, definimos um segmento de reta delimitado pelos dois pontos encontrados.

Após a definição da primeira aresta da nova célula, repetimos o mesmo procedimento para as células vizinhas, sempre tomando como base o novo ponto adicionado, conforme abaixo:

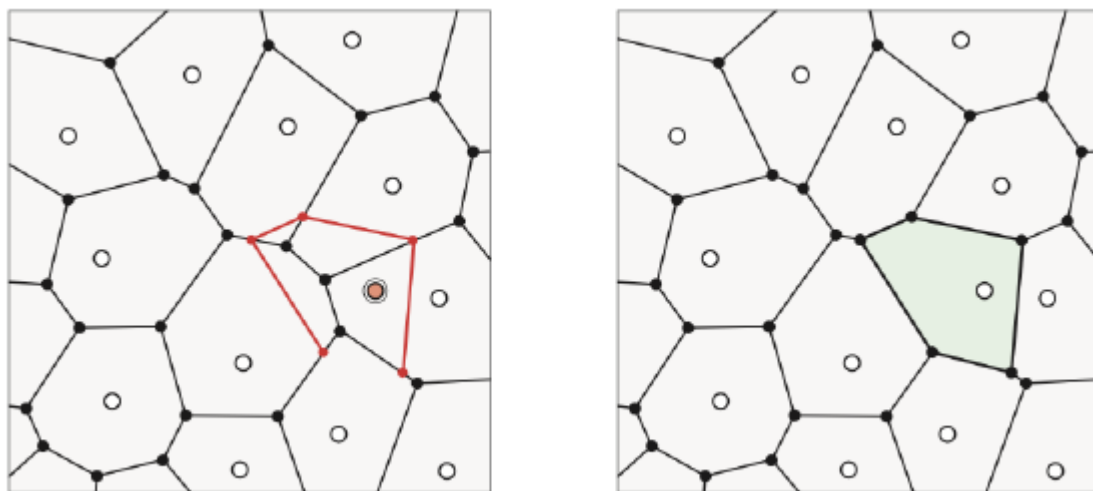


Figura 2: Processo de definição das arestas de uma nova célula.

Ao final do processo, precisamos ainda revisitar todas as células visitadas e refazer suas arestas que foram “cortadas” pela nova célula, ou seja, se algum dos pontos da nova aresta é colinear aos pontos de uma dada aresta. Caso positivo, eliminamos o ponto desta aresta que se situa mais próximo do novo ponto do que do ponto original da

célula, e o substituímos pelo ponto colinear. Caso não haja colinearidade com nenhum ponto da nova aresta, realizamos o mesmo teste de proximidade. Caso sejam mais próximos da nova aresta, simplesmente o excluimos, e caso contrário, mantemos a aresta intacta.

Para definir a colinearidade entre um ponto da aresta adicionada e a aresta original, basta verificar se o triângulo formado por estes três pontos possui área nula, ou seja:

$$Area = \begin{vmatrix} A_x & A_y & 1 \\ B_x & B_y & 1 \\ C_x & C_y & 1 \end{vmatrix} = A_x B_y + A_y C_x + B_x C_y - C_x B_y - C_y A_x - B_x A_y$$

Onde A e B são os pontos da aresta original e C um dos pontos da aresta adicionada.

Após esta iteração, adicionamos a nova célula e repetimos o processo até o último ponto do conjunto. O custo de tempo de execução para cada uma das iterações é $O(n)$. Portanto, espera-se que ao todo, o algoritmo tenha um custo de $O(n^2)$.

3. Implementação

A implementação do algoritmo descrito foi implementada em linguagem Python e executada em dois conjunto de pontos pré-definidos. Os resultados podem ser vistos nas figuras abaixo:

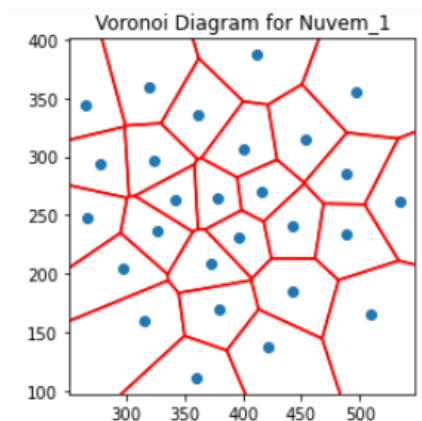


Figura 3: Implementação do algoritmo na primeira nuvem de pontos.

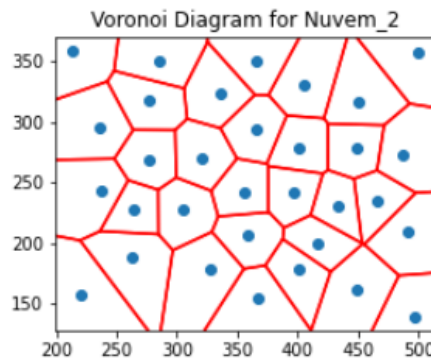


Figura 4: Implementação do algoritmo na segunda nuvem de pontos.

A variação do tempo de execução de acordo com o tamanho da entrada pode ser vista abaixo:

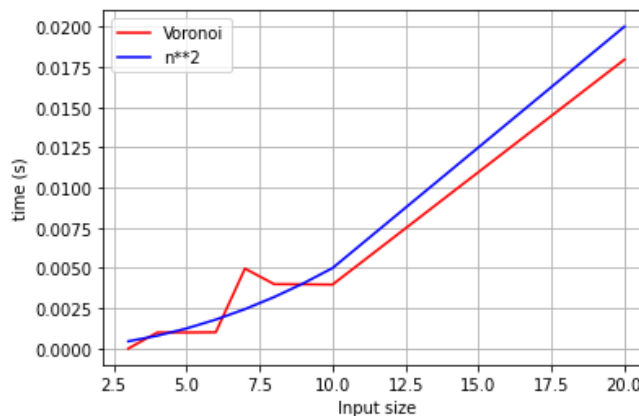


Figura 5: Relação entre tamanho da entrada e tempo de execução.

4. Conclusão

O algoritmo proposto foi implementado e como esperado, a complexidade assintótica do tempo de execução é $O(n^2)$. A implementação possui desafios principalmente em relação à erros de arredondamento no momento da definição da colinearidade entre uma aresta e os pontos de uma nova aresta adicionada. Para pontos que se encontram muito distantes da nuvem de pontos, o valor do determinante que define a colinearidade tende a ser maior, mesmo em pontos colineares. Em contrapartida, para pontos muito próximos mas não colineares, o determinante tende a ser pequeno. Estas discrepâncias tendem a induzir erros ao modelo, dependendo da distribuição dos pontos.