4장. 신경망 적용해보기

학습목표

다중 분류(Multi Classification): MNIST와 Fashion-MNIST

• 이번 장에서는 여러 가지 데이터셋(dataset)을 다뤄봅니다.

사용할 데이터셋은 다양한 구조의 신경망을 실험할때 자주 사용되니 적극적으로 활용하기를 바랍니다.

첫 데이터셋

- 딥러닝계의 'Hello World'
 - MNIST와 Fashion-MNIST
- 가장 먼저 살펴볼 데이터셋: MNIST
 - 과거 NIST(미국 국립표준기술연구소)에서 수집한 손으로 직접 쓴 흑백 숫자
 - 0부터 9까지의 숫자를 예측하는 다중 분류 문제
- 데이터는 숫자 이미지(28, 28)와 숫자에 해당하는 레이블로 구성되어 있음
 - 60,000개 학습 데이터, 10,000개 테스트 데이터



- 데이터 다운받기
 - 케라스에서 제공하는 데이터셋은 전부 tf.keras.datasets를 통해 접근 가능
 - load_data() 함수는 (x_train, y_train), (x_test, y_test) 형태로 분할해서 제공

```
[함께 해봐요] MNIST 데이터셋 다운받기 mnist.ipynb

01 from keras.datasets.mnist import load_data
02

03 # 텐서플로우 저장소에서 데이터를 다운받습니다.
04 (x_train, y_train), (x_test, y_test) = load_data(path='mnist.npz')
```

- 데이터 형태 확인
 - 데이터, 레이블가 어떻게 구성되어 있는지 확인해보는과정은 필수!
 - 제공되는 코드를 통해 데이터를 그려보세요.

```
[함께 해봐요] 데이터의 형태 확인하기 mnist.ipynb

01 # 학습 데이터
02 print(x_train.shape, y_train.shape)
03 print(y_train)
04

05 # 테스트 데이터
06 print(x_test.shape, y_test.shape)
07 print(y_test)

(60000, 28, 28) (60000,)
[5 0 4 ... 5 6 8]
(10000, 28, 28) (10000,)
[7 2 1 ... 4 5 6]
```

- 모델 검증을 위해 검증 데이터셋을 만듭니다
 - train_test_split() 함수 사용
 - test_size: 테스트 데이터셋 비율
 - random state: 재생산성
- 학습을 위해 전처리(preprocessing)를 수행해야 함
 - 255로 나눠주어 0~1사이로 스케일 조정
 - 신경망은 스케일(scale)에 매우 민감!
 - Dense 층 사용을 위해 784차원의 1차원 배열로 변환

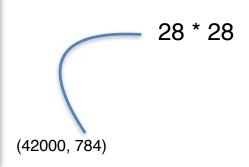
```
[함께 해봐요] 모델 입력을 위한 데이터 전처리 mnist.ipynb

01  num_x_train = x_train.shape[0]
02  num_x_val = x_val.shape[0]
03  num_x_test = x_test.shape[0]
04
05  # 모델의 입력으로 사용하기 위한 전처리 과정입니다.
06  x_train = (x_train.reshape((num_x_train, 28 * 28))) / 255
07  x_val = (x_val.reshape((num_x_val, 28 * 28))) / 255
08  x_test = (x_test.reshape((num_x_test, 28 * 28))) / 255
09
10  print(x_train.shape)  # 모델 입력을 위해 데이터를 784차원으로 변경합니다.
```

```
한께 해봐요 검증 데이터 만들기 mnist.ipynb

01 from sklearn.model_selection import train_test_split
02
03 # 훈련/테스트 데이터를 0.7/0.3의 비율로 분리합니다.
04 x_train, x_val, y_train, y_val = train_test_split(x_train, y_train, test_size = 0.3, random_state = 777)
05 rint(f'훈련 데이터 {x_train.shape} 레이블 {y_train.shape}')
07 print(f'훈련 데이터 {x_val.shape} 레이블 {y_val.shape}')
```

훈련 데이터 (42000, 28, 28) 레이블 (42000,) 훈련 데이터 (18000, 28, 28) 레이블 (18000,)



여러 가지 전처리 방법 – 스케일링

Normalization(MinMax)

$$X = \frac{x - x_{min}}{x_{max} - x_{min}}$$

Robust Normalization

$$X = \frac{x - x_{2/4}}{x_{3/4} - x_{1/4}}$$

Standardization

$$X = \frac{x - x_{,mean}}{x_{std}}$$

[그림 4-2] 여러 가지 전처리 방법 - 스케일링

여러 가지 전처리 방법 – 스케일링

Normalization은 데이터의 범위를 사용자가 원하는 범위로 제한하는 것이다.

예를 들어 이미지 데이터의 경우 픽셀 정보를 0~255사이의 값으로 가지는데, 이를 255로 나누어주면

0.0~1.0사이의 값을 가지게 될 것이다.

이러한 행위를 feature들의 scale을 정규화(Normalization) 한다고 한다.

Normalization(MinMax)

$$X = \frac{x - x_{min}}{x_{max} - x_{min}}$$

- 모델 마지막 층에서 소프트맥스(softmax) 함수를 사용하므로 범주형 레이블로 변환
 - to_categorical() 함수

```
print(y_train)
y_train = to_categorical(y_train)
y_val = to_categorical(y_val)
y_test = to_categorical(y_test)

print(y_train)

[2 7 6 ... 3 4 5]

[[0. 0. 1. ... 0. 0. 0.]
[0. 0. 0. ... 1. 0. 0.]
[0. 0. 0. ... 0. 0. 0.]
[0. 0. 0. ... 0. 0. 0.]
[0. 0. 0. ... 0. 0. 0.]
[0. 0. 0. ... 0. 0. 0.]
[0. 0. 0. ... 0. 0. 0.]
[0. 0. 0. ... 0. 0. 0.]
```

- 모델을 구성합니다.
 - 모델은 **784차원의 데이터를 입력(input)**으로 받고, **열 개의 출력(output)**을 가짐

```
[함께 해봐요] 모델 구성하기 mnist.ipynb

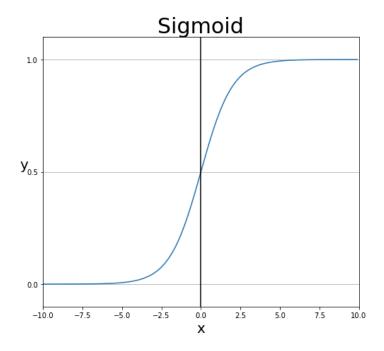
01 from keras.models import Sequential
02 from keras.layers import Dense
03

04 model = Sequential()
05 # 입력 데이터의 형태를 꼭 명시해야 합니다.
06 # 784차원의 데이터를 입력으로 받고, 64개의 출력을 가지는 첫 번째 Dense층
07 model.add(Dense(64, activation = 'relu', input_shape = (784, )))
08 model.add(Dense(32, activation = 'relu')) # 32개의 출력을 가지는 Dense층
09 model.add(Dense(10, activation = 'softmax')) # 10개의 출력을 가지는 신경망
```

시그모이드, 소프트맥스 함수

• 시그모이드 함수

- − 시그모이드 함수는 0에서 1사이의 함수이며, 값이 들어왔을 때, 0~1 사이의 값을 반환하다.
- 연속형 데이터이기 때문에 계단 함수가 끊기지 않는 매끄러운 모양으로 바뀐 것을 알 수 있다.
- 동시에 이상치가 들어온다 할지라도, 시그모이드 함수는 0과 1에 수렴하므로, 이상치 문제도 해결하면서, 연속된 값을 전달할수 있다.
- 시그모이드 함수를 활성화 함수로 사용하면, 0과 1에 가까운 값을 통해 이진 분류를 할 수 있다.



이진 분류: sigmoid + binary_crossentropy

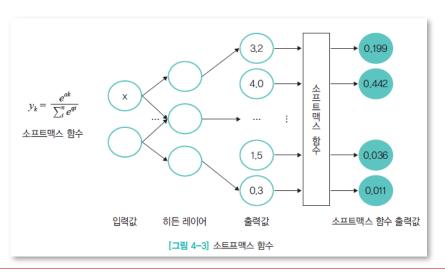
시그모이드, 소프트맥스 함수

- 소프트맥스 함수는 출력값의 범위 안에서 확률로써 해석할 수 있기에, 결과의 해석이 더욱 용이함
 - 다른 표현: 일반적으로 확률을 구하는 방법과 비슷하므로 각 클래스에 해당하는 값들이 서로 영향을 줄 수 있어 비교에 용이
- 예시:
 - (불고기버거, 치즈버거, 치킨버거) = (3.1, 3.0, 2.9)
 - (불고기버거, 치즈버거, 치킨버거) = (2.0, 1.0, 0.7)
- 위 예시에서 위와 아래의 숫자 비교에서 어느 것이 더 명확한가요?

주의! 확률의 합은 항상 1입니다. 이 예시는 명확한 설명을 위해 1을 벗어나는 극단적인 수를 사용했습니다.

- 제공되는 코드를 통해 값을 비교해보세요.

다중 분류: softmax + categorical_crossentropy



- 모델 구성의 마지막 단계는 **손실 함수, 옵티마이저, 평가지표를 설정**하는 것
 - 다중 분류 문제에서 손실 함수는 categorical_crossentropy 함수를 사용
 - **크로스 엔트로피(cross-entropy)**는 정보이론에서 파생된 개념
 - 서로의 결괏값이 틀린 경우 로그 함수의 특징대로 무한대로 발산하고, 동일한 경우 0으로 수렴
 - 옵티마이저는 Adam, 평가지표는 정확도(Acc, Accuracy)를 사용합니다.

```
[함께 해봐요] 학습과정 설정하기 mnist.pynb

01 model.compile(optimizer='adam', # 옵티마이저: Adam

02 # 손실함수: categorical_crossentropy

03 loss = 'categorical_crossentropy',

04 # 모니터링 할 평가지표: acc

05 metrics=['acc'])
```

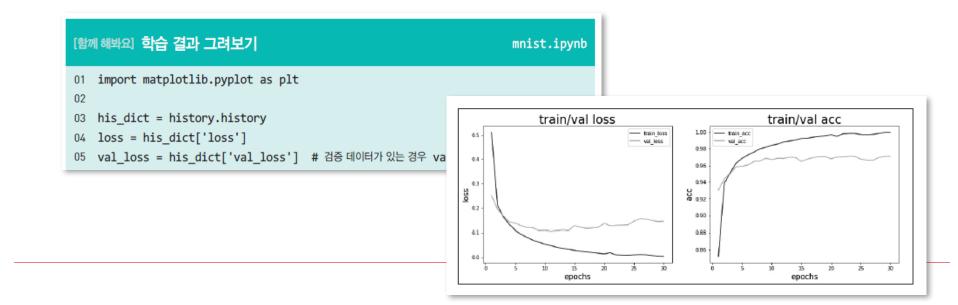
• validation_data에 검증 데이터셋을 전달하고, 128 배치크기를 사용하며, 전체 데이터를 30회 반복

```
[함께 해봐요] 모델 학습하기 mnist.ipynb

01 history = model.fit(x_train, y_train,
02 epochs = 30,
03 batch_size = 128,
04 validation_data = (x_val, y_val))
```

```
loss: 0.0081 - acc: 0.9977 - val_loss: 0.1506 - val_acc: 0.9686
```

• model.fit() 함수는 History 객체를 전달합니다. 이를 활용하여 학습 과정을 손쉽게 모니터링 할 수 있음

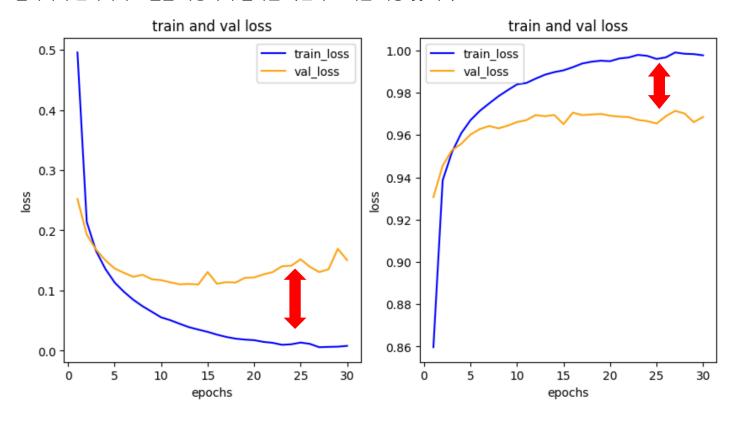


```
0.5
                                                                         1.00
                                                                            train loss
import matplotlib.pyplot as plt
                                                                    val loss
                                                                         0.98
his dict = history.history
                                                       0.3
loss = his dict['loss']
val loss = his dict['val loss']
                                                       0.2
                                                                         0.88
epochs = range(1, len(loss)+1)
fig = plt.figure(figsize=(10,5))
                                                                                  15
ax1 = fig.add subplot(1,2,1)
ax1.plot(epochs, loss, color='blue', label='train loss')
ax1.plot(epochs, val loss, color='orange', label='val loss')
ax1.set title('train and val loss')
ax1.set xlabel('epochs')
ax1.set ylabel('loss')
ax1.legend()
acc = his dict['acc']
val acc = his dict['val acc']
ax2 = fig.add subplot(1,2,2)
ax2.plot(epochs, acc, color='blue', label='train loss')
ax2.plot(epochs, val acc, color='orange', label='val loss')
ax2.set title('train and val loss')
ax2.set xlabel('epochs')
ax2.set ylabel('loss')
ax2.legend()
plt.show()
```

train and val loss

train and val acc

- 두 그래프가 어디서부터 벌어지나요?
 - 과대적합 문제가 나타난 것
 - 데이터 특성, 모델 구조 등을 수정해보고 재학습
 - 벌어지기 전까지의 모델을 사용하여 결과를 확인하고 이를 저장 및 기록



• 평가해보고, 결과를 확인



MNIST 데이터셋 – End

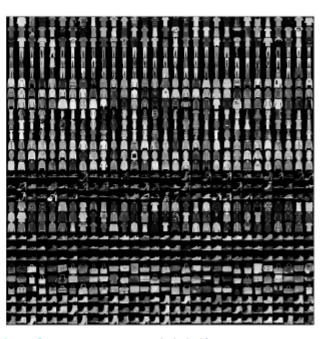
- 모델을 해석해보자
 - 혼동 행렬(Confusion Matrix)
 - 분류 보고서(Classification Report)



	precision	recall	fi-score	support
0	0.98	0.99	0.99	980
1	0.99	0.97	0.98	1135
2	0.96	0.98	0.97	1032
9	0.97	0.97	0.97	1010
4	0.98	0.95	0.97	982
5	0.98	0.96	0.97	892
6	0.97	0.98	0.98	958
7	0.97	0.96	0.97	1028
В	0.95	0.96	0.96	974
9	0.94	0.98	0.96	1009
niero avg	0.97	0.97	0.97	10000
nacro avg	0.97	0.97	0.97	10000
veighted avg	0.97	0.97	0.97	10000

- MNIST와 매우 비슷한 데이터셋
 - 딥러닝계의 Hello World
 - 60,000개 학습 데이터, 10,000개 테스트 데이터

의류 품목	
T-shirt/top	
Trouser	
Pullover	
Dress	
Coat	
Sendal	
Shirt	
Sneaker	
Bag	
Ankle boot	



[그림 4-4] Fashion-MNIST 데이터셋(Zalando, MIT License)

```
from keras.datasets.fashion_mnist import load_data

# Fashion-MNIST 데이터를 다운받습니다.
(x_train, y_train), (x_test, y_test) = load_data()
print(x_train.shape, x_test.shape) #(60000, 28, 28) (10000, 28, 28)

print(x_train[0])
print(y_train[0]) # 9

[000...0]
```

'Ankle boot'

[000...0]

```
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
np.random.seed(777)
class names=['T-shirt/top', 'Trouser', 'Pullover', 'Dress',
'Coat', 'Sandal', 'Shirt', 'Sneaker', 'Bag', 'Ankle boot']
sample size = 9
# 0~8 이미지 띄워보는법
for i in range(sample size):
                                                     T-shirt/top
  plt.subplot(3,3,i+1) #3x3 격자의 서브플롯을 생성
  plt.xticks([]) # x축 눈금 제거
  plt.yticks([]) # Y축 눈금 제거
  plt.imshow(x train[i], cmap='gray')
  plt.xlabel(class names[y train[i]])
plt.show()
                                              Sneaker
                                                     Pullover
```

```
x_train = x_train/255
x_test = x_test /255

from keras.utils import to_categorical

y_train = to_categorical(y_train)
y_test = to_categorical(y_test)

from sklearn.model_selection import train_test_split

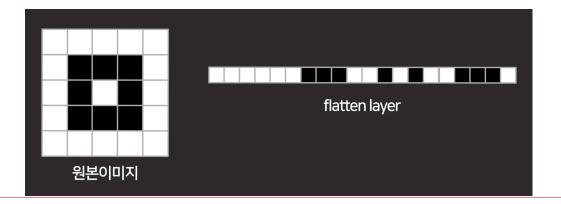
x_train, x_val, y_train, y_val = train_test_split(x_train, y_train, test_size=0.3, random_state=777)
```

```
from keras.models import Sequential
from keras.layers import Dense, Flatten

first_model = Sequential()

first_model.add(Flatten(input_shape=(28,28)))
first_model.add(Dense(64, activation='relu'))
first_model.add(Dense(32, activation='relu'))
first_model.add(Dense(10, activation='softmax'))

first_model.compile(optimizer='adam', loss='categorical_crossentropy',
metrics=['acc'])
first_history = first_model.fit(x_train, y_train, epochs=30, batch_size=128,
validation_data=(x_val, y_val))
```



```
second_model= Sequential()
second_model.add(Flatten(input_shape=(28,28)))
second_model.add(Dense(128, activation='relu'))
second_model.add(Dense(128, activation='relu'))
second_model.add(Dense(32, activation='relu'))
second_model.add(Dense(30, activation='relu'))
second_model.add(Dense(10, activation='softmax'))
second_model.compile(optimizer='adam', loss='categorical_crossentropy',
metrics=['acc'])
second_history = second_model.fit(x_train, y_train, epochs=30, batch_size=128, validation_data=(x_val, y_val))
```

• 데이터 다운로드

```
[함께 해보요] Fashion-MNIST 데이터셋 다운받기 fashion-mnist.ipynb

11 from tensorflow.keras.datasets.fashion_mnist import load_data
12

13 # Fashion-MNIST 데이터를 다운받습니다.
14 (x_train, y_train), (x_test, y_test) = load_data()
15 print(x_train.shape, x_test.shape)
```

• 전처리 및 검증 데이터셋

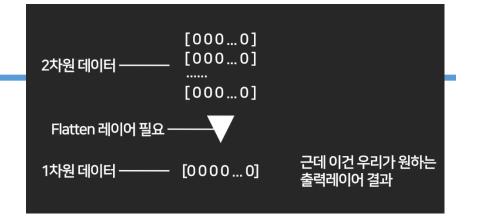
```
01 # 0~1 범위로 만듭니다.
02 x_train = x_train / 255 스케일링
03 x_test = x_test / 255
```

y_train = to_categorical(y_train)
y_test = to_categorical(y_test)

범주형 레이블

검증 데이터셋

- 비교를 위한 두 가지 모델 구성
 - (28, 28) → 784 차원으로 만드는 것 대신,
 - Flatten() 층을 사용
 - Flatten(): $(128, 6, 2, 2) \rightarrow (128, 24)$



더 깊게 구성!

```
[함께 해봐요] 첫 번째 모델 구성하기 fashion-mnist.ipynb first_model = Sequential()
first_model.add(Flatten(input_shape = (28, 28)))
first_model.add(Dense(64, activation = 'relu'))
first_model.add(Dense(32, activation = 'relu'))
first_model.add(Dense(10, activation = 'softmax'))
first_model.add(Dense(10, activation = 'softmax'))

second_model.add(Dense(10, activation = 'relu'))
second_model.add(Dense(10, activation = 'relu'))
second_model.add(Dense(10, activation = 'softmax'))
```

model.compile(optimizer='adam', loss = 'categorical_crossentropy',metrics=['acc'])

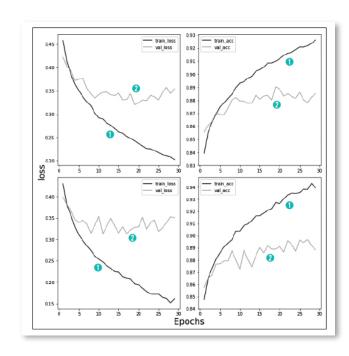
```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
def draw loss_acc(history_1, history_2, epochs):
  his dict 1 = history 1.history
  his dict 2 = history 2.history
  keys = list(his dict 1.keys())
  epochs = range(1, epochs)
  fig = plt.figure(figsize=(10,10))
  ax = fig.add subplot(1,1,1)
  ax.spines['top'].set color('none')
  ax.spines['bottom'].set color('none')
  ax.spines['left'].set color('none')
  ax.spines['right'].set color('none')
  ax.tick params(labelcolor='w', top=False, bottom=False, left=False, right=False)
  for i in range(len(his dict 1)):
   temp ax = fig.add subplot(2,2,i+1)
    temp = keys[i%2]
    val temp = keys[(i+2)%2 + 2]
    temp history = his dict 1 if i<2 else his dict 2
    temp ax.plot(epochs, temp history[temp][1:], color='blue', label='train ' + temp)
    temp ax.plot(epochs, temp history[val temp][1:], color='orange', label=val temp)
    if(i==1 or i==3):
      start, end = temp_ax.get_ylim()
      temp ax.yaxis.set ticks(np.arange(np.round(start, 2), end, 0.01))
    temp ax.legend()
  ax.set ylabel('loss', size=20)
  ax.set xlabel('Epochs', size=20)
  plt.tight layout()
  plt.show()
draw loss acc(first history, second history, 30)
```

Fashion-MNIST 데이터셋 – End

- 결과 비교
 - 제공되는 코드를 통해 결과를 그려보세요!
 - 어느 지점에서 벌어지기 시작하고 있나요?
 - _ 어떻게 해야할까요?

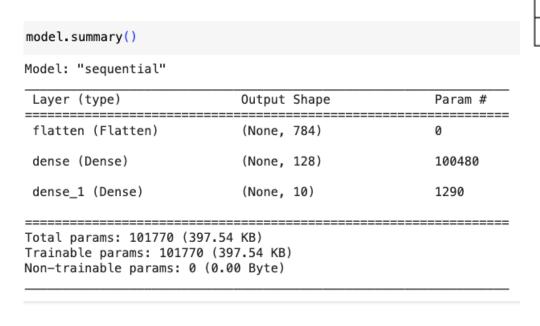
- 결과 해석
 - _ 모델을 깊게 구성 → 높은 성능, But 과대적합(파라미터 수 증가)
 - _ 모델의 깊이는 데이터에 적합하게 결정해야 함
 - 유명한 데이터셋이나 유사 분야에서 높은 성능을 보여준

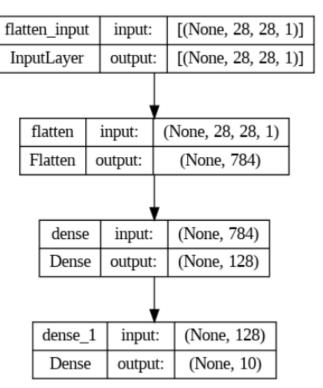
모델 구조를 참고하여 구성해보고 실험을 진행



모델 구조를 확인하는 방법

summary()





```
from keras.utils import plot_model
```

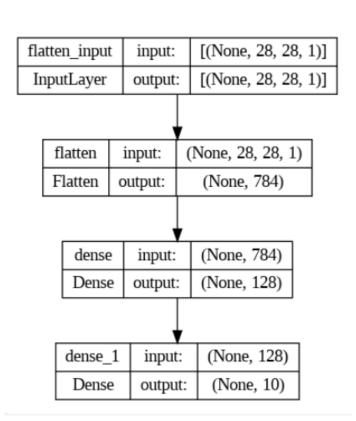
```
plot_model(model, to_file='model.png', show_shapes=True, show_layer_names=True)
```

모델 구조를 확인하는 방법

• plot_model() 함수

```
from keras.utils import plot_model

plot_model(model, to_file='model.png', show_shapes=True, show_layer_names=True)
```



RECAP

- 1. 특정 분야가 아닌 이상, 문제에 사용되는 대표적인 데이터셋은 분명히 존재합니다. 어느 부분부터 접근해야 할지 모르겠다면, 해당 문제에 사용되는 대표적인 데이터셋과 문제에 적용된 모델을 벤치마킹하는 것이 가장 빠른 접근 방법일 수 있습니다.
- 2. 신경망은 스케일에 매우 민감하므로 적절한 전처리 과정은 필수입니다.
- 3. 이진 분류: sigmoid + binary_crossentropy

다중 분류: softmax + categorical_crossentropy

- 4. 모델의 History 객체를 활용하면 학습 과정을 더욱 직관적으로 관찰할 수 있습니다.
- 5. 데이터가 복잡하지 않고 충분하지도 않을 때, 모델을 깊게 구성하면 과대적합에 크게 노출될 수 있습니다.
- 6. 데이터가 충분하지 않을 때, 교차 검증은 이를 보완할 좋은 방법입니다.
- 7. 모델의 성능을 극적으로 향상시킬 수 있는 방법은 데이터의 특성을 잘 파악하는 것입니다.