

Diseño y Análisis de Algoritmos

Intersección de Segmentos Ortogonales

Tarea 1

Profesor: Pablo Barceló

1 abio Darcer

Auxiliar: Ariel Cáceres

Ayudantes: Claudio Torres Jaime Salas

Integrantes: Juan Andrés Moreno Tomás Perry

Fecha:

25 de mayo de 2017

Índice general

| Ín | dice general | 1 |
|------------|------------------------------|----|
| 1. | Resumen | 2 |
| 2. | Introducción | 3 |
| | 2.1. Distribution Sweep | 3 |
| 3. | Metodología | 4 |
| | 3.1. Datos | 4 |
| | 3.1.1. Input | 4 |
| | 3.1.2. Parámetros | 4 |
| | 3.2. Algoritmos | 4 |
| | 3.2.1. Sort | 4 |
| | 3.2.2. Distribution Sweep | 5 |
| 4. | Resultados | 6 |
| 5 . | Análisis | 8 |
| 6. | Conclusiones | 9 |
| 7. | Anexos | 10 |
| | 7.1. Códigos | 10 |
| | 7.1.1. Generación de Datos | 10 |
| | 7.1.2. Ordenamiento de Datos | 12 |
| | 7.1.3 Graficar resultados | 18 |

Resumen

En este informe se trabaja el problema de "Intersección de segmentos ortogonales", el cual es utilizado, mayormente, en computación geométrica. Debido a los grandes volúmenes de datos que se manejan en esta area resulta de interés la implementación eficiente de un algoritmo que opere en memoria secundaria. Se entiende por eficiente un algoritmo que optimice la cantidad de accesos a disco.

Primero se explicará el problema en detalle y la metodología ocupada para resolverlo, además de los factores a considerar para obtener una solución óptima. Luego se presentan los resultados. Se analizan estos tomando en cuenta lo que se desea optimizar, intentando identificar los aciertos y errores.

Por ultimo se presentan los resultados obtenidos para ambos algoritmos implementados y para todas las entradas pedidas por enunciado. Con estos, se analiza y se concluye sobre si se logro el orden de accesos a disco y tiempo de ejecución esperados.

Introducción

El problema de "Intersección de segmentos ortogonales" consiste en, a partir de un conjunto de segmentos verticales y horizontales, identificar todas las intersecciones entre estos, evidentemente siendo entre segmentos ortogonales. En particular, se trabaja con conjuntos suficientemente grandes para no ser procesables usando únicamente memoria principal, significando que se estudian por subconjuntos extraídos de memoria secundaria.

Para resolver el problema en esta tarea se propone implementar el algoritmo *Distribution Sweep*. Este requiere, entre otras cosas, generar listas de segmentos ordenadas por alguna coordenada. Dado que se trabajan con entradas de tamaño mayor a memoria principal, se tiene entonces que es necesaria la implementación de algún algoritmo de ordenamiento en memoria secundaria. Para esta tarea se decidió implementar Merge Sort.

2.1. Distribution Sweep

Es este el método que finalmente identifica las intersecciones, ocupando *slabs* para separar los segmentos en regiones y, recorriendo un *slab*, ver qué segmentos verticales intersectan a los segmentos horizontales. Este se explicará en detalle en la metodología.

Metodología

3.1. Datos

3.1.1. Input

Para estudiar el algoritmo, es necesario entregar una lista de segmentos, horizontales y verticales, definidos por la coordenada de inicio y de término. Para tener entradas suficientemente grandes para justificar la implementación de algoritmos que operen en memoria secundaria se generaron archivos de prueba con 2^i segmentos, donde $i \in \{9, 10, ..., 21\}$.

Era necesario controlar una cantidad razonable de intersecciones entre segmentos. Para esto se decidió acotar los valores posibles que puede tomar una coordenada por $\pm 2^{\frac{i}{2}}$, con $i \in \{9, 10, ..., 21\}$. Para el caso de distribuciones uniformes esto fue directo. Por otro lado, para el caso de las distribuciones normales se utilizo $\mu = 0$ y ademas se ocupo un valor de σ tal que el 90 % de los datos se encontraran en el rango $\pm 2^{\frac{i}{2}}$. Considerando que el 90 % de los datos se encuentran a $\pm 1,65\sigma$ del centro de la distribución, se tiene que con $\sigma = \frac{2^{\frac{i}{2}}}{1,65}$ se logra lo querido. Esto se implemento utilizando la librería random en Python. Se generaron listas con una distribución normal para la coordenada x, y repitiendo para distribución uniforme.

Además, se varió la proporción de segmentos verticales y horizontales, tal que

$$\frac{\#_{segmentos_horizontales}}{\#_{segmentos_verticales}} = \frac{\alpha}{(1-\alpha)}$$
(3.1)

con $\alpha \in \{0.25, 0.5, 0.75\}$

3.1.2. Parámetros

Luego de generar los inputs de prueba (con script de Python adjunto a esta tarea) se comprobó que el tamaño de estos no era el necesario para justificar los accesos a memoria secundaria. Definimos ciertos valores para regular los accesos a disco y verificar la eficiencia de nuestro algoritmo.

- 1. B: Tamaño del bloque de información que se trae por acceso a disco, en bytes.
- 2. M: Tamaño de memoria secundaria a ocupar, en bytes.

Ademas se cuenta con el parámetro:

1. N: Tamaño del input.

Con el fin de optimizar la forma en que se accede, se utilizan múltiplos de 4 para el buffer, asegurando así que no hayan bloques incompletos de información.

3.2. Algoritmos

3.2.1. Sort

Fue necesario diseñar un método de ordenamiento que funcionara en memoria secundaria, pudiendo elegir entre *MergeSort* y *DistributionSort*, optando por *MergeSort*, por la familiaridad con el algoritmo. Al igual que las particiones que se realizan en el *MergeSort* tradicional, en este algoritmo enfocado



en la optimización de accesos a disco, se utilizan $\Theta(m/n)$ "runs", siendo cada uno una dirección a un archivo en memoria secundaria. Dado que cada uno de estos es de tamaño $\mathcal{O}(m)$ se pueden ordenar en memoria principal por separado.

Luego, se realiza el merge entre $\Theta(m)$ runs de igual tamaño y poniéndolos nuevamente en memoria secundaria. Evidentemente los runs dejarán de caber en memoria principal, por lo que no se traen completos, sino se ocupa un buffer de entrada para cada uno y un buffer de salida para el run obtenido, todos los anteriores de tamaño $\mathcal{O}(B)$.

3.2.2. Distribution Sweep

Como dicho antes, es este algoritmo el que identifica las intersecciones. Se identifican los siguientes pasos.

- 1. Generar una lista ordenada según X de los segmentos, la llamaremos Lista X.
- 2. Generar una lista ordenada según Y de los segmentos, la llamaremos Lista Y.
- 3. Dividir en k slabs según la Lista X, con una lista para cada uno.
- 4. Recorriendo la Lista Y, iterando en el valor de la coordenada Y:
 - Agrego los segmentos verticales a los slabs a los que pertenezcan, ocupando la lista de cada slab, la llamaremos l. Una vez el valor en que se va de la iteración es mayor al segmento, se remueve de l.
 - Si es un segmento horizontal, se recorren las listas de los *slabs* a los que el segmento pertenece, sin considerar el *slab* en el que inicia y en el que termina, y se registran todos los segmentos verticales que estan en las listas, guardando las intersecciones.
 - Se repite el algoritmo desde 3 en cada slab hasta que este quepa en memoria principal.

Se eligió un B=4000 y un M=40000.

Resultados

Debido a un mal estudio del tiempo y el trabajo necesario, solamente se trabajo el *MergeSort* con acceso a discos, quedando pendiente el algoritmo de *Distribution Sweep*.

Se realizó el ordenamiento para los distintos tamaños de listas de segmentos aleatoriamente generados, variando las proporciones, y se midió el número de accesos a discos, comparando entre distribuciones y proporciones entre segmentos horizontales y verticales y una comparación entre todos. Cabe destacar que cada vez que se rellenaba un buffer se hacia un acceso a disco. Por otro lado, lo mismo ocurre al momento de escribir un buffer hacia su archivo correspondiente.

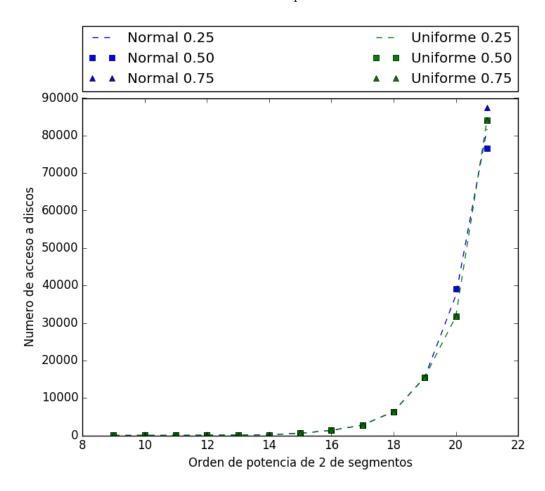


Figura 4.1: Comparación de todos los *mergesorts*.

A partir de la Figura 4.1, se observan comportamientos similares entre el ordenamiento de listas con distribución normal como uniforme, teniendo un crecimiento similar, pero se observa que el acceso a discos es igual para todas las distribuciones uniformes de igual tamaño, sin importar la proporción entre segmentos verticales y horizontales, mientras que el caso de la distribución normal se observa que una mayor cantidad de segmentos verticales es mejor.



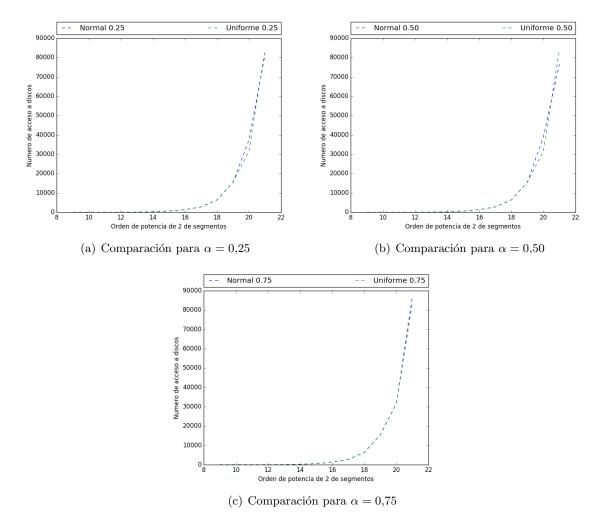


Figura 4.2: Comparaciones entre distribuciones, según su proporción entre segmentos horizontales y verticales.

A partir de la Figura 4.2, se puede observar que el ordenamiento de una distribución es superior a la otra dependiendo de la proporción entre segmentos verticales y horizontales, creciendo el número de accesos para las distribuciones normales y manteniéndose similar para las distribuciones uniformes. Por simplicidad, no se incluyen los resultados obtenidos al ordenar según la coordenada y, pues estos eran iguales.

Análisis

A partir de los datos obtenidos¹, se calcula que los accesos a disco son $\Theta(nlog_m(n))$, con $n = \frac{N}{B}$, $m = \frac{M}{B}$, con una constante cercana a 60, teniendo una constante alta, pero cumpliendo con el orden teórico.

La constante podría deberse a una mala elección de tamaño de bloque y/o memoria secundaria a ocupar, cambiando la base del logaritmo.

La diferencia obtenida entre ordenar una distribución normal y una uniforme podría deber a optimizaciones en el *Branch Predictor* del procesador, siendo mas eficiente en distribuciones uniformes.

¹Adjuntos en el archivo 'results.csv'

Conclusiones

A partir de la experiencia, es necesario destacar el *cuello de botella* que se genera al requerir accesos a disco, ralentizando considerablemente la velocidad de cómputo y disminuyendo el uso útil de la CPU. Se señala el impacto que tiene la distribución sobre el ordenamiento, pudiendo deberse a optimizaciones que se hacen a nivel de la arquitectura del computador.

Se rescata la influencia de la proporción entre segmentos sobre el número de accesos a disco, pudiendo observar un beneficio en tener una proporción equitativa.

Anexos

7.1. Códigos

7.1.1. Generación de Datos

```
import numpy as np
      import random
import pandas as pd
       import math
       \mathtt{alpha} \; = \; [\, 0\,.\,2\,5 \;, \quad 0\,.\,5 \;, \quad 0\,.\,7\,5 \,]
      N = list(range(9,22))
distributions = ['uniform', 'normal']
      {\tt file\_names} \; = \; [\,]
10
       def generate_files():
              for n in N:
for a in alpha:
for d in distributions:
12
13
                                  \begin{array}{ll} \text{In distributions.} \\ \text{f_name} = \text{'input-2-{}-{}-{}-{}.csv'.format(str(n),d,a)} \\ \text{segments} = \text{generate\_segments}(n,d,a) \\ \end{array} 
16
                                 segments - generate_segments(n, q, \alpha) df = pd.DataFrame(segments) df.to_csv(f_name, index=False, header=False) print("Finished generating input of size 2^{{}}, alpha = {} and distribution = {}\n".format(n, \leftrightarrow ...
18
19
                                         a, d))
20
       \begin{array}{lll} \textbf{def} & \texttt{generate\_segments} \left( \texttt{N} \,, \,\, \texttt{distribution} \,\,, \,\, \texttt{alpha} \right) \colon \\ & \texttt{vs\_qty} \,=\, \inf \left( (2 \!*\! * \! \texttt{N}) \!*\! (1 \!-\! \texttt{alpha}) \right) \\ & \texttt{hs\_qty} \,=\, \inf \left( (2 \!*\! * \! \texttt{N}) \!*\! \texttt{alpha} \right) \\ \end{array} 
21
23
24
26
             hs_ctr = 0
             \#\#+FFFD]Usingsets make checking if a segment is in the generated set faster. segments = set()
31
             ## Vertical Segments generation:
              while True:
                    ##
                    ## -
                    ## First we generate x coordinates with its corresponding distribution:
if(distribution == 'uniform'):
                           x_1 = x_2 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound))
                    39
40
42
\frac{45}{46}
                    ## -
                    ###
                    ###FFFD]Nowee generate the y coordinates: ## 1.1 : Not sure if we need to check that y_1 != y_2, could this really not happen? y_1 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound))
                    y_2 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound))
while(y_1 == y_2):
                          y_1 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound))
y_2 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound))
56
57
                    59
60
                    62
             ## Horizontal Segments generation:
65
              while True:
                    ## 1.2 : IDEM 1.1
                    x_1 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound))

x_2 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound))
68
                    while (x_1 = x_2):
                           x_1 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound)
71
                           x_2 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound))
                    y_1 = y_2 = math.floor(np.random.uniform(-bound, bound))
```





7.1.2. Ordenamiento de Datos

```
* For this script to run correctly one must have a folder in the same directory filled with the input files.

* The name of this folder is passed in as the 3 argument.

* Usage: Main B M InputsFolder CoordinateToSortBy
     * Last test : 21/05/2017
* Arguments : 40000 400000 Inputs x
     * This means, B = 4000 bytes | M = 40000 | inputs folder = Input
11
     \begin{array}{ll} \mathbf{import} & \mathtt{java.io.IOException} \ ; \end{array}
     import java.nio.ByteBuffer
     import java.nio.channels.FileChannel;
     import java.nio.file.Files;
import java.nio.file.Path;
14
     import java.nio.file.Paths
     import java.util.*;
import java.util.stream.Collectors;
17
     import java.util.stream.Stream
     import static java.nio.file.StandardOpenOption.APPEND;
     import static java.nio.file.StandardOpenOption.CREATE;
     public class Main {
25
           static int B;
           static int M;
28
30
           static Random nameGenerator = new Random();
           31
33
           public static void main(String[] args) throws IOException{
34
                // We receive as an argument the directory where we previusly stored all the generated inputs.
                Path inputsFolderPath = Paths.get(args[2]);
// Path to output file where we will write the following:
// Input-Name.csv , Number of disk IO's.
36
37
39
                Path resultPath = Paths.get("resultsy.csv");
                {\tt B} \; = \; {\tt Integer.parseInt} \, (\, {\tt args} \, [\, 0 \, ] \,
42
                M = Integer.parseInt(args[1]);
m = (int) Math.ceil(M/B);
44
45
                char coordToSort =
47
                // Here we store the paths to all input files.
                List < Path > input Paths;
                try (Stream < Path > paths = Files.walk(inputsFolderPath)) {
50
                      inputPaths = paths.filter(Files::isRegularFile).collect(Collectors.toList());
51
\frac{53}{54}
                // We iterate through the input files, calling mergeSort on each one of them and counting
                // the number of disk IO's.
for (Path aPath: inputPaths) {
55
56
57
                      numberOfDiskIO = 0:
                      List < Path > sortedFilePath = externalMergeSort(aPath, coordToSort);
                      // If after de MergeSort procedure, specifically after the merge part we have more than one // sorted run, it means something went wrong with the merge. if (sortedFilePath.size() !=1){
58
59
                           System.out.println("ERROR: Merge ended with more than one resulting sorted run.");
61
62
                           break;
63
                     ]/ Construct the line to be written to the file. String line = String.format(aPath.getFileName().toString()+","+"%1"+System.lineSeparator(), \leftrightarrow
64
65
                       numberOfDiskIO);
/ Write to it.
66
                      Files.write(resultPath, line.getBytes(), CREATE, APPEND);
                }
69
71
72
              External MergeSort procedure. Given a path to the input file to be sorted and the coordinate to it by \leftarrow
               proceeds to run the External MergeSort procedure. This complies of the following:

    Phase one: Generate n/m sorted runs and write them to secondary memory.
    Phase two: At each step merge m sorted runs into one.
        Repeat this last step until there is only one sorted run.

              Path inputPath: Path to the input file to be sorted.
79
              char coordToSort : coordinate to sort the file by. (can be 'x' or 'y')
```

82

83 84 85

86

88 89

91

92 93

95 96 97

98 99

 $104 \\ 105 \\ 106$

107 108 109

 $\frac{110}{111}$

112

113

114

115 116 117

118

119 120

121

122 123

124

126

128

129

131

132 133 134

135 136

137

139

140

141 142

143

 $145 \\ 146 \\ 147$

148

150 151

153

154



```
public static List<Path> externalMergeSort(Path inputPath, char coordToSort) throws IOException{
    FileChannel anInput = FileChannel open(inputPath);
List<Path> phaseOnePaths = phaseOne(anInput, coordToSort);
    phaseOnePaths = phaseTwo(phaseOnePaths, coordToSort);
     return phaseOnePaths;
}
  Phase one of the external mergeSort algorithm. It takes an input file and produces n/m sorted runs \leftrightarrow
     which are
st stored in secondary memory for the second phase of the algorithm (Merge). These runs are sorted by the\leftrightarrow
\ast indicated by the argument coordToSort.
* FileChannel input : input file.
* char coordToSort : coordinate to sort the file by. (can be 'x' or 'y')
* Returns : List of paths to the files where each sorted run was written to
public static List<Path> phaseOne(FileChannel input, char coordToSort) throws IOException{
    List<Path> sortedRuns = new ArrayList <>();
List<String> linesToWrite;
List<int[]> segmentsRun;
     while (Math.abs(input.position() - input.size()) > 1) {
         {\tt segmentsRun} \ = \ {\tt getSegmentsRun} \ ( \ {\tt input} \ ) \ ;
         sortSegmentsRun(segmentsRun, coordToSort);
         linesToWrite = segmentsRunToString(segmentsRun);
         {\tt Path \ path \ = generateSegmentsRunName();}
         sortedRuns.add(path);
         writeSortedRunToSM(linesToWrite, path);
    }
    return sortedRuns;
}
  Phase two of the external mergeSort algorithm. It takes a list of paths to sorted runs and performs \leftrightarrow
     phase two steps
  until there is only one path in the lists of paths. The amount of paths decreases because at each step↔ of the phase two
* we merge O(m) sorted runs into one large sorted run.
 List < Path > \ phase One Output \ : \ Phase \ one \ output \ , \ ie \ , \ a \ list \ of \ paths \ to \ the \ sorted \ run \ generated \ by \ \hookleftarrow
     phaseOne method.
* char coordToSort : coordinate to sort the file by. (can be 'x' or 'y')
public static List<Path> phaseTwo(List<Path> phaseOneOutput, char coordToSort) throws IOException{
    List < Path > output = phaseOneOutput; while (output.size() != 1) {
         output = phaseTwoStep(output, coordToSort);
    }
    return output;
}
  A phase two step consists basically in merging O(m) sorted runs into a single one in secondary memory.
  This is done by taking the first m sorted runs in the sortedRuns list and continuously selecting the \
     minimum
* between each one of them and storing it in an output buffer. Once this buffer reaches a size of B we \leftarrow flush it
* to secondary memory.
* List<Path> sortedRuns : List containing paths to each sorted run generated previously by another phase←
* or the phase one. The idea here is to take m of these and after the merge is completed we delete them. 
 * char coordToSort : coordinate to sort the file by. (can be 'x' or 'y')
public static List<Path> phaseTwoStep(List<Path> sortedRuns, char coordToSort) throws IOException{
    List < Array Deque > input Buffers = new Array List <>();
    List<FileChannel > inputFiles = new ArrayList <>();
/* Path to file were we will store our generated merged run */
     Path outputFilePath = generateSegmentsRunName();
     /st This for loop basically initializes the input buffers and files. st/
     for (Path pathToInput: sortedRuns) {
    /* We need to break from the loop when we have m - 1 input buffers (O(m)) */
    if(inputBuffers.size() == m - 1){
         /* FileChannel input to allow us to read from the file from disk whenever its corresponding \leftrightarrow
               inputbuffer is empty. */
```

 $\frac{162}{163}$

 $\frac{164}{165}$

 $\frac{166}{167}$

168

169

170

 $\frac{171}{172}$

 $\frac{174}{175}$

176

182

183 184

185

187 188 189

191 192

194

195 196

197 198

199 200

201

 $\frac{203}{204}$

 $\frac{206}{207}$

 $\frac{208}{209}$

210

211

212

 $\frac{214}{215}$

 $\frac{217}{218}$

 $\frac{219}{220}$

222

224

225

226 227

228

 $\frac{229}{230}$

231

233 234

 $\frac{235}{236}$

 ${\tt FileChannel\ input\ =\ FileChannel.open(pathToInput);}$



```
/* The next two lines are the actual stuffing of the input buffer. *
List < int[] > segments = segmentsRunToInt(readBlockFromFile(input,B));
               ArrayDeque segmentsQueue = new ArrayDeque(segments);
/* Now we add the input buffer to the input buffers list and the Filechannel to the files list. ←
               \verb"inputB" uffers.add(segmentsQueue);
               inputFiles.add(input);
       }
       /* We need to keep track of the size of the output buffer so we know when to perform a write to disk↔
       int outputBufferSize = 0;
       {\tt List < String > \ output Buffer = new \ ArrayList <>();}
        /* Iterate until we have consumed all the input buffers. */
        while (input Buffers.size() > 0) {
               /* Before anything, we need to check if the output buffer is full (= size \tilde{} B).  
* If it is we need to perform a write to disk operation.
               if(outputBufferSize < B){</pre>
                           We get the index associated with the input buffer which contains the minimum segment.
                       int minLocation = getInputBuffersMinLocation(inputBuffers, new SegmentComparator(coordToSort\leftrightarrow
                       /* Typical parsing. */
                       int [] segment = (int[]) inputBuffers.get(minLocation).removeFirst();
                                   \texttt{minSegment} = \texttt{String.format} (\text{``Ml}, \text{\%d}, \text{\%d}, \text{\%d'}, \text{ segment} [0], \text{ segment} [1], \text{ segment} [2], \text{ segment} \leftarrow
                       outputBuffer.add(minSegment);
                       outputBufferSize += minSegment.getBytes().length;
                       /st This if checks whether the input buffer from which we took the minimum is now empty or \hookleftarrow
                               not.
                        \begin{tabular}{ll} \be
                              /* If there is anything left in the corresponding input file then we load a chunk of ← data to the input buffer. */
                               \text{ if (Math.abs(inputFiles.get(minLocation).position() - inputFiles.get(minLocation).size())}  \leftarrow \\
                                        > 1){
                                      /* Else, it means that the input buffer is empty and the corresponding file has nothing \leftarrow new to read from. Thus
                                   we have reached the end of that sorted run and we can delete it. */
                              else{
                                  inputBuffers.remove(minLocation);
                                  Files.delete(sortedRuns.get(minLocation));
inputFiles.remove(minLocation);
                                  sortedRuns.remove(minLocation);
                      }
               } else{
                       writeSortedRunToSM (outputBuffer, outputFilePath);
                       outputBuffer.clear();
                       outputBufferSize = 0;
              }
       }
        /st Before returning we write the remaining segments in the output buffer to the output file. st/
       writeSortedRunToSM (outputBuffer,outputFilePath);
       /* We add the newly created sorted run -its path- (product of merging O(m) sorted runs) to the lists\leftrightarrow
                  of sorted runs.
        sortedRuns.add(outputFilePath):
       return sortedRuns;
}
   Takes a list of queues where each one of them represents an input buffer of a sorted run. This method
   peeks the first elements of each buffer and returns the index of the list the contains the minimum.
   List < Array Deque > input Buffers : List of queues representing input buffers.
   Comparator\ segmentComparator\ class\ instance\ used\ to\ compare\ each\ segment\ and\ \hookleftarrow
        decide the minimum.
	ext{public static int getInputBuffersMinLocation(List<ArrayDeque> inputBuffers, Comparator segmentComparator} \leftarrow
       ){
int [] min = {Integer.MAX_VALUE, Integer.MAX_VALUE, Integer.MAX_VALUE, Integer.MAX_VALUE};
        int index = 0;
```

for (Deque segmentsDeque: inputBuffers) {

237

 $\frac{238}{239}$ $\frac{240}{240}$

241

243

244

246

 $\frac{247}{248}$

 $249 \\ 250 \\ 251$

 $\begin{array}{c} 252 \\ 253 \end{array}$

254

255

 $\begin{array}{c} 256 \\ 257 \\ 258 \\ 259 \\ 260 \\ 261 \end{array}$

 $\frac{262}{263}$ $\frac{264}{264}$

265 266

 $\frac{268}{269}$ $\frac{270}{270}$

271

273 274 275

 $\begin{array}{c} 276 \\ 277 \end{array}$

278

279 280 281

 $282 \\ 283 \\ 284$

285

286

287 288 289

 $\frac{290}{291}$

297

298

 $\frac{300}{301}$ $\frac{302}{302}$

 $\frac{304}{305}$

 $\frac{307}{308}$

 $\frac{310}{311}$

 $\frac{313}{314}$

316

 $\frac{317}{318}$ $\frac{319}{319}$

320



```
int [] segment = (int []) segmentsDeque.getFirst(); if(segmentComparator.compare(min, segment) == 1){
                  \min = segment;
                  index = inputBuffers.indexOf(segmentsDeque);
     }
      return index:
}
  Takes a List of segments, where each segment is an array of integers of the form [x_1, y_1, x_2, y_2] and returns a List of Strings where each component is a string of the form [x_1, y_1, x_2, y_2].
* List <int[] > segmentsRun : List of segments to "convert"
* Returns: List of segments in String representation explained above.
public static List<String> segmentsRunToString(List<int[]> segmentsRun){
     List < String > linesToWrite = new ArrayList <>();
for (int[] segment: segmentsRun) {
    String line = String.format("%d,%d,%d", segment[0], segment[1], segment[2], segment[3]);
    linesToWrite.add(line);
      return linesToWrite:
}
  Takes a List of segments, where each segment is a string of the form "x_1,y_1,x_2,y_2" and returns a List of int[] where each component of the list is an array of ints of the form [x_1, y_1 \leftrightarrow , x_2, y_2].
  List < String > segmentsRun : List of segments to "convert".

Returns : List of segments in int[] representation explained above.
public static List<int[] > segmentsRunToInt(List<String> segmentsRun) {
     for (String line: segments Run) {
   int [] segment = new ArrayList <>();
   for (String line: segments Run) {
      int [] segment = Stream.of(line.split(",")).mapToInt(Integer::parseInt).toArray();
   }
}
            segments.add(segment);
      return segments:
}
* Generates a name for storing a sorted run in secondary memory.
* To generate random names it used nameGenerator, which is an instance of Random.

* Returns : Path containing name where a sorted run will be stored in secondary memory.
public static Path generateSegmentsRunName(){
     return Paths.get(String.format("%d.csv", nameGenerator.nextInt()));
}
/*
Given an input File of size N, we wish to take chunks of size B from it and start the sorting process.

* This method returns a buffer filled with the segments inside the chunk of size B of the input file.
* FileChannel input: Input file. Using a FileChannel allows us read B bytes from the file. * int B: Size of chunks we read from the file (bytes).
st Returns : List<String> where each component is a String representing a segment. Each String looks like\leftrightarrow
         "x_1, v_1, x_2, v_2"
public static List < String > readBlockFromFile(FileChannel input, int B) throws IOException {
     * A big problem in reading text files by a certain amount of bytes is dealing with line cuts.

* It could happen that we wish to read X bytes from the file and that means reading a non integer

* amount of lines. In this case we need to rewind the file pointer to the last \n read. So we can \leftarrow
            start
      * from there the next time.
      numberOfDiskIO++:
      boolean EOBuffer = false;
      // Here we create our byte buffer with a fixed size B.
      ByteBuffer byteBuffer = ByteBuffer.allocate(B);
// We read from the file. Starting from the last position we were in.
      input.read(byteBuffer);
          To read from the buffer we need to move the pointer position to the beggining.
      byteBuffer.flip();
      // Lines is the list in which we will store the segments read from the chunk of size B.
      List < String > lines = new ArrayList <>();
String lineString = "";
      char c:
      // We read from the buffer while it still has bytes to read.
```

while (byteBuffer.hasRemaining()) {

322

323

325

 $\frac{326}{327}$ $\frac{328}{328}$

329

331

332

 $\frac{334}{335}$

336

337 338

340

341

343

 $\frac{344}{345}$

346

352

353

354

 $\frac{356}{357}$ $\frac{358}{358}$

 $\frac{359}{360}$

362

363 364

 $\frac{366}{367}$

369

370

372

373

374

375

 $\frac{379}{380}$

382

 $\frac{383}{384}$

 $\frac{385}{386}$ $\frac{387}{387}$

399

400

 $\frac{402}{403}$

404



```
// We get the first char from the buffer and check if it is a end of line.
           = (char)byteBuffer.get();
         _{\prime}/ This case happens when the last chunk read left us at the end of a line.
          \inf (c = System.lineSeparator().charAt(0) && byteBuffer.hasRemaining()){}
              c = (char)byteBuffer.get();
          while(c != System.lineSeparator().charAt(0)){
   lineString += c;
              /* * While we don't see an end of line we keep on reading the line. Mind the fact that if we \hookleftarrow
                   are in a line
                cutted by the read method we would never see an end of line.

For this, if the bytebuffer does not have any more bytes to get and we haven't reached and ← end of line
              * For this,
              * it means we need to stop reading.
              if (!bvteBuffer.hasRemaining()) {
                   EOBuffer = true;
                   break;
              c = (char) by teBuffer.get();
          if(EOBuffer){
          * This one-liner simply gets the lineString of the form "x1,y1,x2,y2", strips it by ',' and \leftarrow
                converts each
           * component to an integer, then an array of integers.
         //System.out.println(lineString);
         //sgments = Stream.of(lineString.split(",")).mapToInt(Integer::parseInt).toArray();
lines.add(lineString);
lineString = "";
    }
    ^{'} Now if we ended up in the middle of a line we need to calculate how much we need to rewing the \hookleftarrow
          input file
     * position, so we can read the whole line the next time.
    int bufferPosition = byteBuffer.position()-1;
char lastCharRead = (char)byteBuffer.get(bufferPosition);
     if(lastCharRead != System.lineSeparator().charAt(0)){
         \verb|bufferPosition| --
         lastCharRead = (char) byteBuffer.get(bufferPosition);
         while (lastCharRead != System.lineSeparator().charAt(0)){
              fileRewind++:
              bufferPosition
              lastCharRead = (char) byteBuffer.get(bufferPosition);
         }
     ^{\prime}// Finally, we update de input file's position to the end of the last line we were able to read \leftrightarrow
         completely
     input.position(input.position() - fileRewind - 1);
    return lines;
}
   Given segmentsRun with each component inside of it of the form [x_{-1}, y_{-1}, x_{-2}, y_{-2}] it uses the SegmentComparator to sort the list given a coordinate (coordToSort)
   int [] segmentsRun : a run of unordered segments. char coordtoSort : coordinate to sort by segments. (Values can be 'x' or 'y')
   Its void since the sort is done in-place.
public static void sortSegmentsRun (List<int[] > segmentsRun , char coordToSort){
    Collections.sort(segmentsRun , new SegmentComparator(coordToSort));
  Reads m times blocks of size B from the input. Each block is a set of lines in the input.
* It puts them all together in the segmentRun List.
* FileChannel input: Input file.
* Returns: List<int[]> of segments. Each component of the list a segment represented in an array of ints
  of the form [x_1, y_1, x_2, y_2]
```

405

 $\frac{406}{407}$ $\frac{408}{408}$

409

415

 $\frac{417}{418}$

420

 $\frac{421}{422}$

423 424 425

426

428

429

431

432

 $\frac{433}{434}$

 $\frac{436}{437}$

443

448 449 450

451

457

 $\frac{459}{460}$

461

 $\frac{462}{463}$

465

467

 $\frac{469}{470}$

472 473 474

475

477 478 479

487

488

 $\frac{489}{490}$



```
public static List<int[] > getSegmentsRun(FileChannel input) throws IOException{
    List<String> blockReadFromFile;
     List < int[] > segmentsRun = new ArrayList <>();
      for (int i = 0; i < m; i++) {
           blockReadFromFile = readBlockFromFile(input, B);
for (String line: blockReadFromFile) {
   int [] segment = Stream.of(line.split(",")).mapToInt(Integer::parseInt).toArray();
                 segmentsRun.add(segment);
     }
     return segmentsRun;
}
/*

* Gets a sorted run of segments and writes it to secondary memory in the specified path.

* The standard segments (single run).
* List<String> sortedRun : List of sorted segments (single run).
* Path path : Path to file in which the sorted run is going to be written.
public static void writeSortedRunToSM(List<String> sortedRun, Path path) throws IOException{
     numberOfDiskIO++;
     {\tt Files.write\,(\,path\,\,,\,\,\,sortedRun\,\,,CREATE\,\,,\,APPEND\,)}\;;
}
* Comparation function for sorting the random sample in getPivots.
* Constructor: SegmentComparator
static private class SegmentComparator implements Comparator<int[]> {
     char cts:
     * Constructor for the class Comparator.

* coordToSort : coordinate by which we are sorting the file (x or y).
      private SegmentComparator(char coordToSort){
           cts = coordToSort:
      * segmentOne : First segment involved in comparison.
     * segmentTwo : Second segment involved in comparison.
      public int compare(int[] segmentOne, int[] segmentTwo){
           // Notice that the homework pdf states that there a some difference in sorting by x or y. if (cts == 'x'){
                 if (Integer.compare(segmentOne[0], segmentTwo[0]) == 0){
   return Integer.compare(segmentOne[2], segmentTwo[2]);
                        \begin{array}{lll} \textbf{return} & \texttt{Integer.compare} \, (\, \texttt{segmentOne} \, [\, 0 \, ] \, \, , & \texttt{segmentTwo} \, [\, 0 \, ] \, ) \, \, ; \\ \end{array} 
                 }
           }
               Here we need to check if a segment is vertical or horizontal to decide ties between segments
           if (cts == 'y'){
                 // Case 1: The two segments both have the same y coordinates, ie: // S1\_y1 = S2\_y1 and S1\_y2 = S2\_y2
                 if (Integer.compare(segmentOne[1], segmentTwo[1]) == 0 && Integer.compare(segmentOne[3], \leftrightarrow
                        segmentTwo[3]) == 0){
                          Note that a segment is vertical if both of its y coordinates are the same.
                       // So if Segment one is vertical, we claim it larger by comparison. if (Integer.compare(segmentOne[0], segmentOne[2]) == 0) {
    return 1;
                      } else {
    return -1;
                 // Case 2: The two segments differ in at least one y coordinate. else
                            \begin{array}{ll} (\, {\tt Integer.compare} \, (\, {\tt segment0ne} \, [\, 1] \, , \, \, \, {\tt segmentTwo} \, [\, 1] \, ) \, = \, 0) \, \{ \\ {\tt return} \, \, \, {\tt Integer.compare} \, (\, {\tt segment0ne} \, [\, 3] \, , \, \, {\tt segmentTwo} \, [\, 3] \, ) \, ; \end{array} 
                             return 0:
     }
}
```



7.1.3. Graficar resultados

```
import csv
     {\color{red} import matplotlib.pyplot as plt}
     \# Auxiliary function to get the second value of a tuple def getKey(item):
          return item[1]
10
     # Ploter for the results
11
     def plot(coord):
          plot(coord):
data = open('results'+coord+'.csv', 'rb')
reader = csv.reader(data, delimiter=',')
uniform25 = list()
norma125 = list()
12
13
14
          uniform50 = list()
normal50 = list()
uniform75 = list()
16
17
          normal75 = list()
19
20
          # Separate the results in corresponding distribution and proportion
          for row in reader:
file = row[0]
22
                row[0]
value = row[1]
att = file.split('-')
if att[3] == "normal":
    if att[4] == "0.25
25
26
                           normal25.append([int(value), int(att[2])])
28
                      elif att[4] ==
                          normal50.append([int(value), int(att[2])])
30
31
                          normal75.append([int(value), int(att[2])])
33
                else:
                     if att[4] == "0.25.csv
34
                     uniform25.append([int(value), int(att[2])])
elif att[4] == "0.5.csv":
36
                          uniform50.append([int(value), int(att[2])])
37
                           uniform75.append([int(value), int(att[2])])
39
          41
42
           uniform25 = []
          old_uniform50 = uniform50
uniform50 = []
old_uniform75 = uniform75
44
45
47
           uniform75 = []
48
           old_normal25 = normal25
50
           normal25 = []
           old_normal50 = normal50
51
          normal50 = []
old_normal75 = normal75
53
          normal75 = []
54
55
          for x in old_uniform25:
    if x not in uniform25:
56
58
                     uniform25.append(x)
59
           61
                if x not in uniform50:
    uniform50.append(x)
62
63
          for x in old_uniform75:
    if x not in uniform75:
        uniform75.append(x)
64
65
67
          for x in old_normal25:
                if x not in normal25:
    normal25.append(x)
69
70
          for x in old_normal50:
    if x not in normal50:
73
                     normal50.append(x)
76
           for x in old_normal75:
                if x not in normal75:
normal75.append(x)
78
80
          # Sort values and only save accesses
          81
83
```



```
85
  86
                       numbers = range(9, 22)
  87
  88
                       # Plot comparing all the tests
                      # Plot comparing all the tests
plt.plot(numbers, normal25, 'b--', label='Normal 0.25')
plt.plot(numbers, normal50, 'bs', label='Normal 0.50')
plt.plot(numbers, normal75, 'b^', label='Normal 0.75')
plt.plot(numbers, uniform25, 'g-', label='Uniforme 0.25')
plt.plot(numbers, uniform25, 'gs', label='Uniforme 0.50')
plt.plot(numbers, uniform25, 'g', label='Uniforme 0.75')
plt.legend(bbox_to_anchor=(0., 1.02, 1., .102), loc=3, ncol=2, mode="expand", borderaxespad=0.)
plt.xlabel('Orden de potencia de 2 de segmentos')
plt.ylabel('Numero de acceso a discos')
plt.savefig('all'+coord+'.png', bbox_inches='tight')
plt.clf()
  90
 91
  93
 94
 96
 97
 99
100
                       plt.clf()
101
                      # Plot comparing test with alpha = 0.25
plt.plot(numbers, normal25, 'b-', label='Normal 0.25')
plt.plot(numbers, uniform25, 'g-', label='Uniforme 0.25')
plt.legend(bbox_to_anchor=(0., 1.02, 1., .102), loc=3, ncol=2, mode="expand", borderaxespad=0.)
plt.xlabel('Orden de potencia de 2 de segmentos')
plt.ylabel('Numero de acceso a discos')
plt.swefig('25'-kcoard-', nng')
102
103
104
105
107
                        plt.savefig('25'+coord+'.png')
108
109
110
                       # Plot comparing test with alpha = 0.50
                       # riot comparing test with alpha = 0.50
plt.plot(numbers, normal50, 'b--', label='Normal 0.50')
plt.plot(numbers, uniform50, 'g--', label='Uniforme 0.50')
plt.legend(bbox_to_anchor=(0., 1.02, 1., .102), loc=3, ncol=2, mode="expand", borderaxespad=0.)
plt.xlabel('Orden de potencia de 2 de segmentos')
plt.ylabel('Numero de acceso a discos')
plt.ylabel('Numero de acceso a discos')
112
113
114
115
116
                       plt.savefig('50'+coord+'.png')
118
                        plt.clf()
119
                      # Plot comparing test with alpha = 0.75
plt.plot(numbers, normal75, 'b-', label='Normal 0.75')
plt.plot(numbers, uniform75, 'g-', label='Uniforme 0.75')
plt.legend(bbox_to_anchor=(0., 1.02, 1., .102), loc=3, ncol=2, mode="expand", borderaxespad=0.)
plt.xlabel('Orden de potencia de 2 de segmentos')
plt.ylabel('Numero de acceso a discos')
plt.squaring('75'-keorda', png')
121
122
124
125
126
                       plt.savefig('75'+coord+'.png')
127
                        plt.clf()
129
             # Plot for x and y tests
130
          plot('x')
plot('y')
```