## 祖松鹏

# 北京市清华大学 FIT 1-108 \$ 联系方式: 13810349372 zsp07@mails.tsinghua.edu.cn \dishttps://github.com/songpeng

#### 教育

清华大学 2011.09 - 至今 GPA: 90.84/100

自动化系生物信息学实验室直博生 主修课程

• 实分析,应用随机过程

• 统计推断, 高斯过程

• 贝叶斯统计与蒙特卡洛方法

• 模式识别

● 概率图模型基础

• 高维概率及统计

清华大学 2007.09 - 2011.07 生命科学学院 GPA: 86.32/100

## 研究经历

#### 清华大学自动化系博士研究生

2011.07 - 至今

从机器学习角度预测药物与蛋白质的相互作用.

- 利用EM算法预测药物与蛋白质主要结合位置。
  - 利用图切割的非线性方法预测药物与蛋白质的相互作用。
  - 从多任务模型的角度定量预测药物与蛋白质的结合强度。

### 哈佛大学统计系访问学者

2014.03 - 2014.09

利用统计策略从GTEx项目的数据中检测eQTL。

利用一种非参贝叶斯模型检测变量间的依赖性尤其是非线性。

#### 北京百度公司实习生

2014.01 - 2014.02

• 利用大搜索数据关联地区性的流行性疾病如流行性感冒,艾滋病等。

## 柳州疾病防控中心博士生暑期实习

2013.07 - 2013.08

- 利用病人DNA测序数据分析柳州艾滋病的亚型。
- 协助当地人员构建艾滋病数据分析流程。

#### 论文发表

Zu S., Chen T, Li S. Global optimization-based inference of chemogenomic features from drug-target interactions. Bioinformatics, 2015. (已在线出版, SCI: 4.9)

#### 社会工作经历

• 本科生系统生物学导论助教	2014.09 - 2015.01
• 研究生概率图模型助教	2013.09 - 2014.01
• 本科生带班政治辅导员	2011.08 - 2013.01
• 2008年北京奥运会志愿者	2008.08

#### 奖项

• 清华大学海外交流奖学金

2014 2013

• 清华大学优秀辅导员

2008, 2009, 2010

• 清华大学唐仲英奖学金

#### 技术与兴趣

常用编程语言 R, Python, Perl, C/C++ 常用工具 Emacs, Vim, Latex, Shell 兴趣 国际标准舞,足球