# Học Máy

(Machine Learning)

#### Ngô Văn Linh

linhnv@soict.hust.edu.vn

Viện Công nghệ thông tin và Truyền thông Trường Đại Học Bách Khoa Hà Nội Năm 2018

### Nội dung môn học:

- Giới thiệu chung
- Các phương pháp học không giám sát
  - Giới thiệu về phân cụm
  - Phương pháp k-Means
  - Online k-Means cho dữ liệu lớn
- Các phương pháp học có giám sát
- Đánh giá hiệu năng hệ thống học máy

### 1. Hai bài toán học

#### Học có giám sát (Supervised learning)

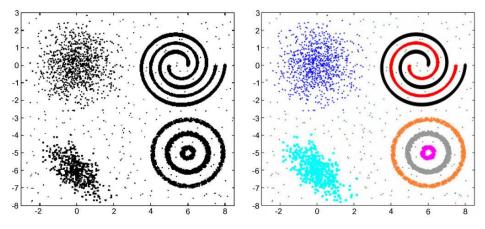
- Tập dữ liệu học (training data) bao gồm các quan sát (examples, observations), mà mỗi quan sát được gắn kèm với một giá trị đầu ra mong muốn.
- Ta cần học một hàm (vd: một phân lớp, một hàm hồi quy,...) phù
   hợp với tập dữ liệu hiện có.
- Hàm học được sau đó sẽ được dùng để dự đoán cho các quan sát mới.

#### Học không giám sát (Unsupervised learning)

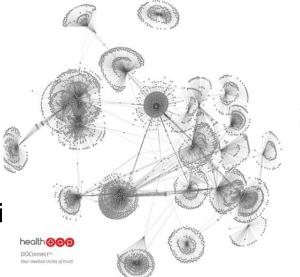
- Tập học (training data) bao gồm các quan sát, mà mỗi quan sát không có thông tin về nhãn lớp hoặc giá trị đầu ra mong muốn.
- Mục đích là tìm ra (học) các cụm, các cấu trúc, các quan hệ tồn tại ẩn trong tập dữ liệu hiện có.

## Ví dụ về học không giám sát (1)

- Phân cụm (clustering)
  - □ Phát hiện các cụm dữ liệu, cụm tính chất,...

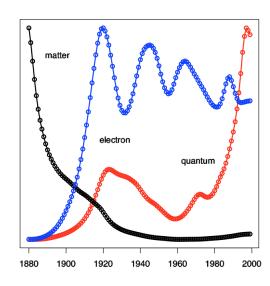


- Community detection
  - Phát hiện các cộng đồng trong mạng xã hội

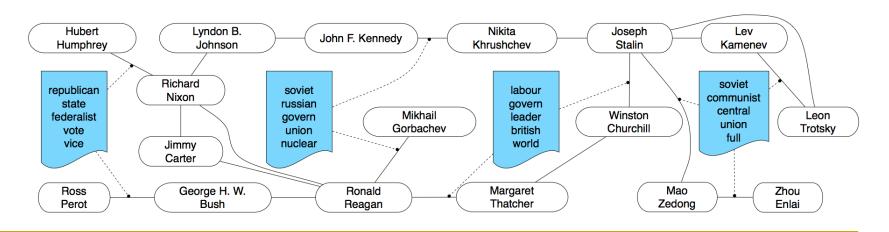


## Ví dụ về học không giám sát (2)

- Trends detection
  - Phát hiện xu hướng, thị yếu,...

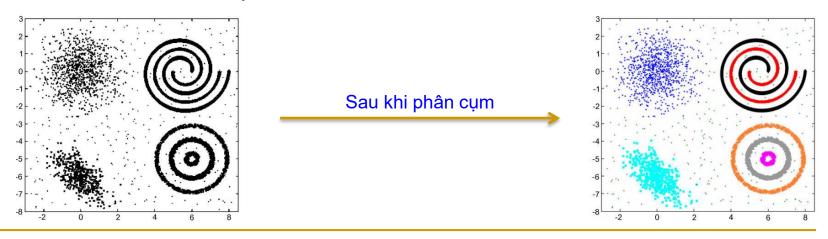


### Entity-interaction analysis



### 2. Phân cụm

- Phân cụm (clustering)
  - Đầu vào: một tập dữ liệu {x<sub>1</sub>, ..., x<sub>M</sub>} không có nhãn (hoặc giá trị đầu ra mong muốn)
  - □ Đầu ra: các cụm (nhóm) của các quan sát
- Một cụm (cluster) là một tập các quan sát
  - Tương tự với nhau (theo một ý nghĩa, đánh giá nào đó)
  - Khác biệt với các quan sát thuộc các cụm khác



### Phân cụm

- Giải thuật phân cụm
  - Dựa trên phân hoạch (Partition-based clustering)
  - Dựa trên tích tụ phân cấp (Hierarchical clustering)
  - Bản đồ tự tổ thức (Self-organizing map SOM)
  - Các mô hình hỗn hợp (Mixture models)
  - •
- Đánh giá chất lượng phân cụm (Clustering quality)
  - Khoảng cách/sự khác biệt giữa các cụm → Cần được cực đại hóa
  - Khoảng cách/sự khác biệt bên trong một cụm → Cần được cực tiểu hóa

### 3. Phương pháp K-means

- K-means được giới thiệu đầu tiên bởi Lloyd năm 1957.
- Là phương pháp phân cụm phổ biến nhất trong các phương pháp dựa trên phân hoạch (partition-based clustering)
- Biểu diễn dữ liệu:  $D=\{x_1,x_2,...,x_r\}$ 
  - $x_i$  là một quan sát (một vectơ trong một không gian n chiều)
- Giải thuật K-means phân chia tập dữ liệu thành k cụm
  - Mỗi cụm (cluster) có một điểm trung tâm, được gọi là centroid
  - k (tổng số các cụm thu được) là một giá trị được cho trước (vd: được chỉ định bởi người thiết kế hệ thống phân cụm)

### k-Means: Các bước chính

Đầu vào: tập học **D**, số lượng cụm k, khoảng cách d(x,y)

- Bước 1. Chọn ngẫu nhiên k quan sát (được gọi là các hạt nhân seeds) để sử dụng làm các điểm trung tâm ban đầu (initial centroids) của k cụm.
- Bước 2. Lặp liên tục hai bước sau cho đến khi gặp điều kiện hội tụ (convergence criterion):
  - Bước 2.1. Đối với mỗi quan sát, gán nó vào cụm (trong số k cụm) mà có tâm (centroid) gần nó nhất.
  - Bước 2.2. Đối với mỗi cụm, tính toán lại điểm trung tâm của nó dựa trên tất cả các quan sát thuộc vào cụm đó.

#### *K*-means(D, k)

D: **Tập học** 

k: Số lượng cụm kết quả (thu được)

Lựa chọn ngẫu nhiên k quan sát trong tập D để làm các điểm trung tâm ban đầu (initial centroids)

```
while not CONVERGENCE
for each x∈D
```

Tính các khoảng cách từ x đến các điểm trung tâm (centroid)

Gán x vào cụm có điểm trung tâm (centroid) gần x nhất

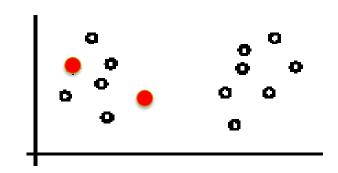
end for

for each cum

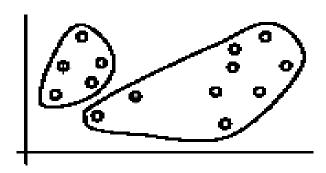
Tính (xác định) lại điểm trung tâm (centroid) dựa trên các quan sát hiện thời đang thuộc vào cụm này

```
end while return {k cụm kết quả}
```

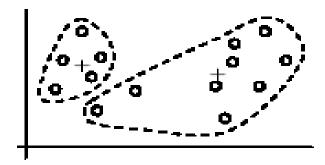
### K-means: Minh họa (1)



(A). Random selection of k centers



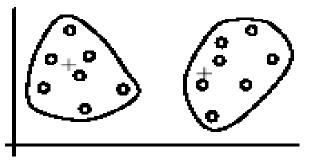
Iteration 1: (B). Cluster assignment



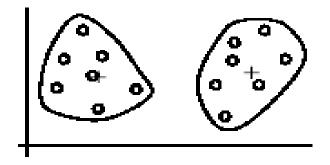
(C). Re-compute centroids

[Liu, 2006]

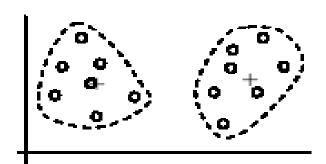
### K-means: Minh họa (2)



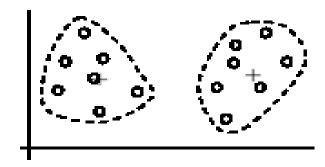
Iteration 2: (D). Cluster assignment



Iteration 3: (F). Cluster assignment



(E). Re-compute centroids



(G). Re-compute centroids

[Liu, 2006]

### K-means: Điều kiện hội tụ

### Quá trình phân cụm kết thúc, nếu:

- Không có (hoặc có không đáng kể) việc gán lại các quan sát vào các cụm khác, hoặc
- Không có (hoặc có không đáng kể) thay đổi về các điểm trung tâm (centroids) của các cụm, hoặc
- Giảm không đáng kể về tổng lỗi phân cụm:

$$Error = \sum_{i=1}^{k} \sum_{\mathbf{x} \in C_i} d(\mathbf{x}, \mathbf{m_i})^2$$

- C<sub>i</sub>: Cụm thứ i
- $-\mathbf{m_i}$ : Điểm trung tâm (centroid) của cụm  $C_i$
- d(x, m<sub>i</sub>): Khoảng cách (khác biệt) giữa quan sát x và điểm trung tâm m<sub>i</sub>

### K-means: Điểm trung tâm, hàm khoảng cách

Xác định điểm trung tâm: Điểm trung bình (Mean centroid)

$$\mathbf{m_i} = \frac{1}{|C_i|} \sum_{\mathbf{x} \in C_i} \mathbf{x}$$

- (vecto) m<sub>i</sub> là điểm trung tâm (centroid) của cụm C<sub>i</sub>
- $|C_i|$  kích thước của cụm  $C_i$  (tổng số quan sát trong  $C_i$ )
- Hàm khoảng cách: Euclidean distance

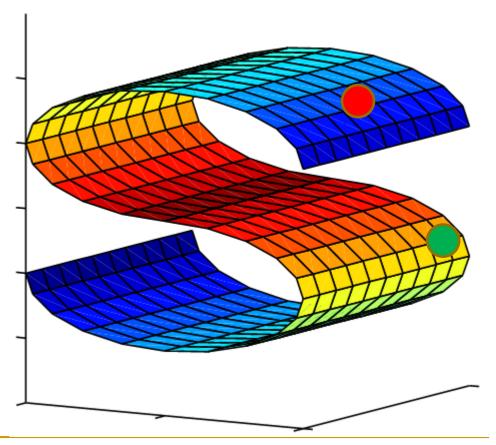
$$d(\mathbf{x}, \mathbf{m_i}) = \|\mathbf{x} - \mathbf{m_i}\| = \sqrt{(x_1 - m_{i1})^2 + (x_2 - m_{i2})^2 + \dots + (x_n - m_{in})^2}$$

- (vecto) m<sub>i</sub> là điểm trung tâm (centroid) của cụm C<sub>i</sub>
- $d(\mathbf{x}, \mathbf{m}_i)$  là khoảng cách giữa  $\mathbf{x}$  và điểm trung tâm  $\mathbf{m}_i$

### K-means: hàm khoảng cách

- Hàm khoảng cách
  - Mỗi hàm sẽ tương ứng với một cách nhìn về dữ liệu.
  - Vô hạn hàm!!!
  - Chọn hàm nào?

 Có thể thay bằng độ đo tương đồng (similarity measure)



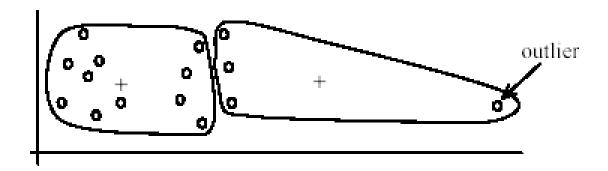
### K-means: Các ưu điểm

- Đơn giản: dễ cài đặt, rất dễ hiểu
- Rất linh động: cho phép dùng nhiều độ đo khoảng cách khác nhau → phù hợp với các loại dữ liệu khác nhau.
- Hiệu quả (khi dùng độ đo Euclide)
  - Độ phức tạp tính toán tại mỗi bước ~ O(r.k)
    - r: Tổng số các quan sát (kích thước của tập dữ liệu)
    - k: Tổng số cụm thu được
  - Thuật toán có độ phức tạp trung bình là đa thức.
- K-means là giải thuật phân cụm được dùng phổ biến nhất

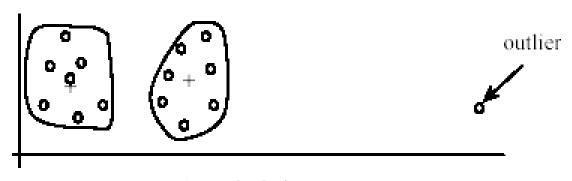
## K-means: Các nhược điểm (1)

- Số cụm k phải được xác định trước
  - Thường ta không biết chính xác!
- Giải thuật K-means nhạy cảm (gặp lỗi) với các quan sát ngoại lai (outliers)
  - Các quan sát ngoại lai là các quan sát (rất) khác biệt với tất các quan sát khác
  - Các quan sát ngoại lai có thể do lỗi trong quá trình thu thập/lưu dữ liệu
  - Các quan sát ngoại lai có các giá trị thuộc tính (rất) khác biệt với các giá trị thuộc tính của các quan sát khác

### K-means: ngoại lai



(A): Undesirable clusters



(B): Ideal clusters

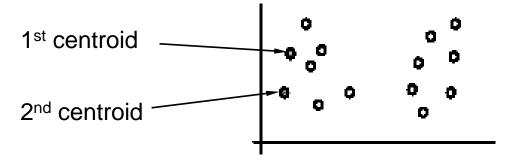
[Liu, 2006]

## Giải quyết vấn đề ngoại lai

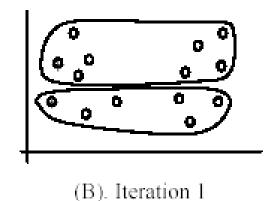
- Giải pháp 1: Trong quá trình phân cụm, cần loại bỏ một số các quan sát quá khác biệt với (cách xa) các điểm trung tâm (centroids) so với các quan sát khác
  - Để chắc chắn (không loại nhầm), theo dõi các quan sát ngoại lai (outliers) qua một vài (thay vì chỉ 1) bước lặp phân cụm, trước khi quyết định loại bỏ
- Giải pháp 2: Thực hiện việc lấy ngẫu nhiên (random sampling)
   một tập nhỏ từ **D** để học K cụm
  - Do đây là tập con nhỏ của tập dữ liệu ban đầu, nên khả năng một ngoại lai (outlier) được chọn là nhỏ
  - Gán các quan sát còn lại của tập dữ liệu vào các cụm tùy theo đánh giá về khoảng cách (hoặc độ tương tự)

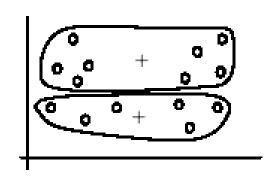
## K-means: Các nhược điểm (2)

 Giải thuật K-means phụ thuộc vào việc chọn các điểm trung tâm ban đầu (initial centroids)



(A). Random selection of seeds (centroids)



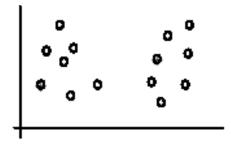


(C). Iteration 2

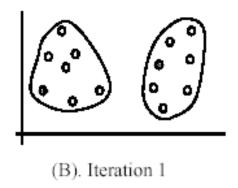
[Liu, 2006]

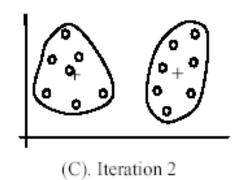
### K-means: Các hạt nhân ban đầu (1)

- Kết hợp nhiều kết quả phân cụm với nhau → Kết quả tốt hơn!
  - Thực hiện giải thuật K-means nhiều lần, mỗi lần bắt đầu với một tập các hạt nhân được chọn ngẫu nhiên



(A). Random selection of k seeds (centroids)





[Liu, 2006]

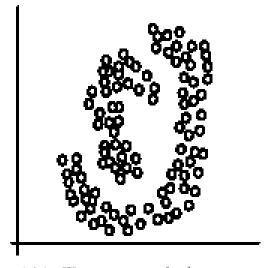
### K-means: Các hạt nhân ban đầu (2)

- Một cách chọn hạt nhân nên dùng:
  - Lựa chọn ngẫu nhiên hạt nhân thứ 1 (*m*<sub>1</sub>)
  - Lựa chọn hạt nhân thứ 2 (m<sub>2</sub>) càng xa càng tốt so với hạt nhân thứ 1
  - **u** ...
  - Lựa chọn hạt nhân thứ i ( $m_i$ ) càng xa càng tốt so với hạt nhân gần nhất trong số { $m_1$ ,  $m_2$ , ...,  $m_{i-1}$ }
  - **...**
- Đây được gọi là phương pháp K-means++

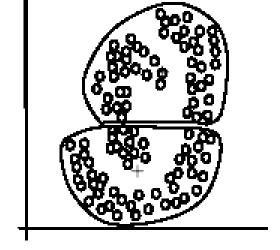
[Arthur, D.; Vassilvitskii, 2007]

## K-means: Các nhược điểm (3)

- K-means (với khoảng cách Euclid) phù hợp với các cụm hình cầu.
- K-means không phù hợp để phát hiện các cụm (nhóm) không có dạng hình cầu.
- Cải thiện??



(A): Two natural clusters [Liu, 2006]



(B): k-means clusters

## K-means: Tổng kết

- Mặc dù có những nhược điểm như trên, k-means vẫn là giải thuật phổ biến nhất được dùng để giải quyết các bài toán phân cụm – do tính đơn giản và hiệu quả.
  - Các giải thuật phân cụm khác cũng có các nhược điểm riêng.
- So sánh hiệu năng của các giải thuật phân cụm là một nhiệm vụ khó khăn (thách thức).
  - Làm sao để biết được các cụm kết quả thu được là chính xác?

### 4. Online K-means

#### K-means:

- Cần dùng toàn bộ dữ liệu tại mỗi bước lặp
- Do đó không thể làm việc khi dữ liệu quá lớn (big data)
- Không phù hợp với luồng dữ liệu (stream data, dữ liệu đến liên tục)
- Online K-means cải thiện nhược điểm của K-means, cho phép ta phân cụm dữ liệu rất lớn, hoặc phân cụm luồng dữ liệu.
  - Được phát triển từ K-means [Bottou, 1998].
  - Sử dụng tư tưởng học trực tuyến (online learning) và gradient ngẫu nhiên (stochastic gradient)

### Online K-means: ý tưởng

K-means tìm K tâm cụm và gán các quan sát {x<sub>1</sub>, ..., x<sub>M</sub>} vào các cụm đó bằng cách cực tiểu hoá hàm lỗi sau

$$Q(w) = \mathop{\text{a}}_{i=1}^{M} ||x_i - w(x_i)||_2^2$$

- Trong đó w(x<sub>i</sub>) là tâm gần nhất với x<sub>i</sub>.
- Online K-means cực tiểu hàm Q theo phương pháp leo đồi và dùng thông tin đạo hàm (gradient) của Q.
  - Tuy nhiên tại mỗi bước lặp t ta chỉ lấy một phần thông tin gradient,
  - Phần gradient này thu được từ các quan sát tại bước t. Ví dụ:

$$X_t - W_t(X_t)$$

### Online K-means: thuật toán

- Khởi tạo K tâm ban đầu.
- Cập nhật các tâm mỗi khi một điểm dữ liệu mới đến:
  - Tại bước t, lấy một quan sát x<sub>t</sub>.
  - Tìm tâm w<sub>t</sub> gần nhất với x<sub>t</sub>. Sau đó cập nhật lại w<sub>t</sub> như sau:

$$W_{t+1} = W_t + \mathcal{G}_t(X_t - W_t)$$

• Chú ý: tốc độ học  $\{g_1,g_2,...\}$  là dãy hệ số dương nên được chọn thoả mãn các điều kiện sau

$$\mathring{a}_{t=1}^{4}g_{t}=4; \mathring{a}_{t=1}^{4}g_{t}^{2}<4$$

### Online K-means: tốc độ học

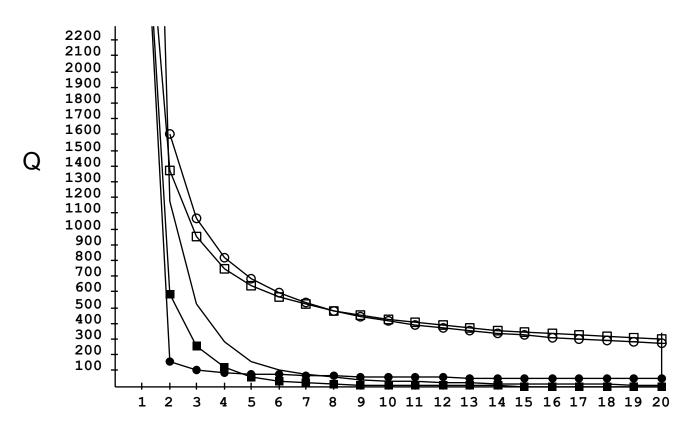
Một cách lựa chọn tốc độ học hay dùng:

$$\mathcal{G}_t = (t + t)^{-k}$$

- $\tau, \kappa$  là các hằng số dương.
- κ ∈ (0.5, 1] là tốc độ lãng quên. κ càng lớn thì sẽ nhớ quá khứ càng lâu; các quan sát mới càng ít đóng góp vào mô hình hơn.

### Online K-means: tốc độ hội tụ

Hàm Q giảm khi số lần lặp tăng lên. (so sánh các phương pháp khác nhau)



Online K-means (hình tròn đen),

K-means (hình vuông đen)

Dùng một phần Q' để tối ưu hàm Q (hình tròn trắng),

Dùng hết Q' để tối ưu hàm Q (hình vuông trắng)

### Tài liệu tham khảo

- Arthur, D., Manthey, B., & Röglin, H. (2011). Smoothed analysis of the k-means method. *Journal of the ACM* (*JACM*), 58(5), 19.
- Bottou, Léon. Online learning and stochastic approximations. On-line learning in neural networks 17 (1998).
- •B. Liu. Web Data Mining: Exploring Hyperlinks, Contents, and Usage Data. Springer, 2006.
- Lloyd, S., 1982. Least squares quantization in PCM. *IEEE Trans. Inform. Theory* 28, 129-137. Originally as an unpublished Bell laboratories Technical Note (1957).
- Jain, A. K. (2010). Data clustering: 50 years beyond K-means. Pattern recognition letters, 31(8), 651-666.
- Arthur, D.; Vassilvitskii, S. (2007). K-means++: the advantages of careful seeding. Proceedings of the 18th annual ACM-SIAM symposium on Discrete algorithms, pp. 1027-1035.

### Câu hỏi ôn tập

- Làm thế nào để phân cụm tốt trong trường hợp các cụm không phân bố theo hình cầu?
- Làm sao để phân một quan sát mới vào các cụm đã học?