



UNIVERSIDAD NACIONAL AUTÓNOMA DE MÉXICO

POSGRADO EN CIENCIA E INGENIERÍA DE LA COMPUTACIÓN
LABORATORIO DE BIO-ROBÓTICA

DETECCIÓN Y RECONOCIMIENTO DE OBJETOS
UTILIZANDO TÉCNICAS DE VISIÓN EN GPU

T E S I S

QUE PARA OBTENER EL GRADO DE:
MAESTRO EN CIENCIAS DE LA COMPUTACIÓN

PRESENTA:
JAIME ALAN MÁRQUEZ MONTES

DIRECTORES DE TESIS:
DR. JESÚS SAVAGE CARMONA
DR. JOSE DAVID FLORES PEÑALOZA

Detección y Reconocimiento de objetos utilizando técnicas de visión en GPU

por

Jaime Alan Márquez Montes

Tesis presentada para obtener el grado de

Maestro en Ciencias de la Computación

en el

POSGRADO EN CIENCIA E INGENIERÍA DE LA COMPUTACIÓN

UNIVERSIDAD NACIONAL AUTÓNOMA DE MÉXICO

Ciudad de México, D. F.. Junio, 2015

Dedicatorias.....
.....
.....

AGRADECIMIENTOS

Agradecimientos.....
.....
.....

1. Introducción	1
1.1. Contexto	1
1.2. Problema a resolver	1
1.3. Hipótesis	2
1.3.1. Alcance	2
1.4. Estructura de la tesis	2
2. Algoritmos de extracción y descripción de características	3
2.1. Scale-Invariant Feature Transform SIFT	3
2.1.1. Detección de puntos extremos en el Espacio-Escala	4
2.1.2. Localización de puntos característicos	6
2.1.3. Asignación de orientación	7
2.1.4. Descriptor de puntos característicos	9
3. Computo en GPU's	10
3.1. GP-GPUs Nvidia	11
3.1.1. Breve Historia	11
3.2. CUDA	12
3.2.1. Arquitecturas	13
3.3. Modelo de Programación CUDA C	18
3.3.1. Kernels	18
3.3.2. Jerarquía de Hilos	19

3.3.3. Jerarquía de Memoria	21
3.4. Rendimiento	21
4. SIFT en GPU	22
4.1. Diseño	22
4.2. Implementación	22
5. Resultados y Conclusiones	23
6. Trabajo a Futuro	24
Bibliografía	25
Índice de figuras	27

CAPÍTULO 1

INTRODUCCIÓN

1.1. Contexto

Mas allá de la compleja circuiteria y mecánica que conforman la parte física, los robots móviles rigen su comportamiento en base a el software, dependiendo de cuanta interacción tenga el robot con su entorno, podría llegar a ser mas complejo que todo el hardware que lo conforma. Una parte importante de este software, es la forma en la que el robot puede obtener datos e interpretarlos.

El sistema de visión humano, es al que más recurre para obtener información de su entorno. Por ello no es de extrañarse que la visión computacional, en la robótica, tenga una participación muy importante, por que estas maquinas empiezan a ser utilizadas, para tareas que antes solo los humanos realizaban. Entonces las deben realizar de una manera adecuada y en tiempo.

El tiempo es preciado en cualquier rama y esta no es la excepción, la forma de ganar tiempo que se a venido sesgando por hardware es el paralelismo, y no solo hablo de procesadores multinúcleo, las tarjetas gráficas se pueden programar para realizar tareas de propósito general.

1.2. Problema a resolver

Los algoritmos que se utilizan, en visión computacional muchas veces son muy confiables, pero consumen mucho tiempo de procesador, por esto se ha tratado de hacer mas eficientes estos algoritmos, pero provoca que la confiabilidad de estos disminuya. El tiempo en el cual se adquieren y procesa la información, es crucial en la actividad de un robot, de esto depende que decisión tomara.

Con lo anteriormente dicho, lo importante es el tiempo en que procesemos los datos, para tomar una decisión, pero igual de importante es que la información obtenida sea congruente.

En muchos casos, el software que funciona en paralelo es mas rápido que el secuencial, podemos ver que los algoritmos que se manejan en visión computacional son siempre secuenciales. Otro punto importante son los recursos, como procesador y memoria de la computadora del robot, siempre estarán siendo demandados por otros módulos del robot.

1.3. Hipótesis

1.3.1. Alcance

1.4. Estructura de la tesis

CAPÍTULO 2

ALGORITMOS DE EXTRACCIÓN Y DESCRIPCIÓN DE CARACTERÍSTICAS

Las características de los objetos son cualidades que nos servirán para identificarlos dentro de una imagen donde pueden existir objetos similares. Para poder discernir de los objetos que estén en la imagen nos basamos en las características encontradas, que serán encapsuladas en un descriptor. Un descriptor de un objeto es la representación, de una manera reducida, de todas las características que se pueden obtener de toda la información del objeto, esto facilitara la comparación entre los diferentes objetos que existan en una imagen. Para extraer las características existen diferentes formas, dependerá de que algoritmo se utilice. Y para generar un descriptor, es la misma situación, dependerá del algoritmo. En este capítulo se explicarán un algoritmo para extraer características y generar su descriptor.

2.1. Scale-Invariant Feature Transform SIFT

El algoritmo de SIFT, propuesto por Lowe en [1], provee un método robusto para la extracción de puntos característicos que se utilizan para generar el descriptor. Los puntos que se encuentran son invariantes a diferentes transformaciones como traslación, escalamiento y rotación. Han mostrado tener un amplio rango de tolerancia a transformaciones afines, adición de ruido y cambios de iluminación. A continuación se describirán los pasos del algoritmo para la generación del conjunto de puntos característicos:

2.1.1. Detección de puntos extremos en el Espacio-Escala

Se realiza una búsqueda en las imágenes en todo el espacio escala, para localizar puntos extremos se debe identificar su ubicación y escala, para volver a encontrarlos no importando la vista o tamaño del mismo objeto.

El espacio escala es un conjunto de imágenes, que se forman a partir de suavizar la imagen original a diferentes niveles de detalles, los cuales son definidos por un parámetro σ . Está representado por la función $L(x, y; \sigma)$ la cual se forma por la convolución con $G(x, y; \sigma)$ y la imagen original $I(x, y)$:

$$L(x, y; \sigma) = G(x, y; \sigma) * I(x, y)$$

Donde $*$ es el operador convolución en x y y , y

$$G(x, y; \sigma) = \frac{1}{2\pi\sigma^2} e^{-\frac{(x^2+y^2)}{2\sigma^2}}$$

Para la detección de puntos extremos estables se aplicará el espacio escala, usando diferencias

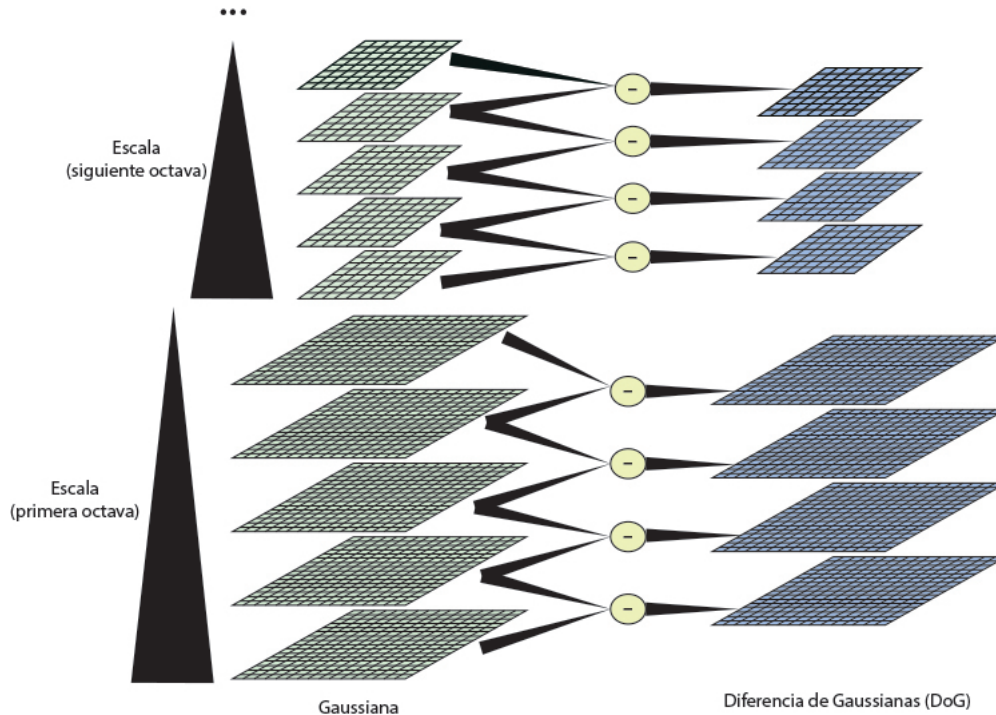


Figura 2-1: Espacio Escala de Diferencia de Gaussianas

de gaussianas convolucionadas con una imagen, en lugar de solo un filtro gaussiano, $D(x, y; \sigma)$ que podremos calcular por la diferencia de dos escalas cercanas separadas por un factor k multiplicativo:

$$\begin{aligned} D(x, y; \sigma) &= (G(x, y; k\sigma) - G(x, y; \sigma)) * I(x, y) \\ &= L(x, y; k\sigma) - L(x, y; \sigma) \end{aligned}$$

La diferencia de gaussianas es una aproximación muy cercana a el laplaciano de gaussiana (LoG) normalizado en escala, $\sigma^2 \nabla^2 G$. La normalización hecha con el factor σ^2 es necesaria para poder asegurar que el algoritmo sera invariante a los cambios en tamaño. La relación entre D y $\sigma^2 \nabla^2 G$ es una ecuación en derivadas parciales:

$$\frac{\partial G}{\partial \sigma} = \sigma \nabla^2 G$$

Podemos ver que $\nabla^2 G$ se puede calcular con una aproximación de diferencias finitas de $\frac{\partial G}{\partial \sigma}$, usando diferencias de escalas próximas de $k\sigma$ y σ :

$$\sigma \nabla^2 G = \frac{\partial G}{\partial \sigma} \approx \frac{G(x, y, k\sigma) - G(x, y, \sigma)}{k\sigma - \sigma}$$

y por lo tanto,

$$G(x, y, k\sigma) - G(x, y, \sigma) \approx (k - 1)\sigma^2 \nabla^2 G$$

En la figura 2-1 se puede ver la construcción de $D(x, y, \sigma)$. La imagen inicial se convoluciona con diferentes mascararas gaussianas, para producir imágenes separadas por un factor constante k en el espacio escala. Se divide cada octava del espacio escala entre un numero entero, s , de intervalos entonces $k = 2^{\frac{1}{s}}$. Se producen $s + 3$ imágenes emborronadas en la pila, por octava. Para extraer las

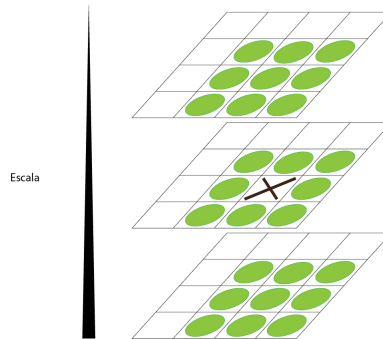


Figura 2-2: Espacio Escala de Diferencia de Gaussianas

ubicaciones máximas y mínimas (puntos extremos) en $D(x, y, \sigma)$, cada punto es comparado con sus ocho vecinos en la misma imagen y con sus otros dieciocho vecinos de escala, nueve en la imagen de arriba y nueve en la imagen de abajo (Figura 2-2). Solo se selecciona el punto si es el más grande o el más pequeño de entre todos sus vecinos.

2.1.2. Localización de puntos característicos

Una vez que se seleccionaron los puntos extremos, se aplica una medida de estabilidad sobre todos para descartar aquellos que no sean adecuados, para obtener puntos característicos de forma precisa. Existen dos casos donde los puntos extremos anteriormente seleccionados tendrían que ser eliminados:

1. El punto tiene un contraste muy bajo.
2. El punto está localizado sobre un borde.

Para eliminar los puntos del caso uno, primero debemos obtener la serie de Taylor del espacio escala $D(x, y, \sigma)$:

$$D(X) = D + \frac{\partial D^T}{\partial X} X + \frac{1}{2} X^T \frac{\partial^2 D}{\partial X^2} X$$

donde la D y su derivada son evaluadas en el punto $X = (x, y, \sigma)^T$ cuando se deriva esta función respecto a X y se iguala a cero podemos encontrar los valores extremos:

$$\hat{X} = -\frac{\partial^2 D^{-1}}{\partial X^2} \frac{\partial D}{\partial X}$$

La función que evaluara al punto extremo sera, $D(\hat{X})$, la cual rechazara al punto si es de muy bajo contraste, la cual se obtiene de sustituir \hat{X} en $D(X)$:

$$D(\hat{X}) = D + \frac{1}{2} \frac{\partial D^T}{\partial X} \hat{X}$$

En el trabajo de Lowe [1], se puede ver que encontraron experimentalmente que cualquier valor extremo menor de 0.03 es descartado:

$$|D(\hat{X})| < 0.03$$

Para el segundo caso, se utiliza una matriz Hessiana de 2×2 , H , la cual se calcula en la escala y lugar del punto extremo:

$$H = \begin{bmatrix} D_{xx} & D_{xy} \\ D_{xy} & D_{yy} \end{bmatrix}$$

Los valores propios de H son proporcionales a las curvaturas de D . Se toma prestado el criterio que se usa para la detección de esquinas usando el algoritmo de Harris [2], se puede evitar el calculo de los valores propios ya que solo nos interesa su relación. Sea α el valor propio de mayor magnitud y β el de menor. Entonces podemos calcular la suma de los valores propios de la diagonal de H y su producto por medio del determinante:

$$Tr(H) = D_{xx} + D_{yy} = \alpha + \beta,$$

$$Det(H) = D_{xx}D_{yy} - (D_{xy})^2 = \alpha\beta$$

Sea r la razón de la magnitud que existe entre α y β , $\alpha = r\beta$. Entonces:

$$\frac{Tr(H)^2}{Det(H)} = \frac{(\alpha + \beta)^2}{\alpha\beta} = \frac{(r\beta + \beta)^2}{r\beta^2} = \frac{(r + 1)^2}{r}$$

el cual solo depende de la razón de los valores propios y no de los valores individuales. El valor de $\frac{(r+1)^2}{r}$, es mas pequeño cuando los valores propios son iguales e incrementa con r . Entonces para cerciorar que la razón de las curvas principales es menor que cierto umbral, r , solo se necesita:

$$\frac{Tr(H)^2}{Det(H)} < \frac{(r + 1)^2}{r}$$

En la publicación de Lowe [1] se encontró un valor experimental para $r = 10$, que elimina los puntos extremos que tengan la razón entre las dos curvas mayor que 10.

2.1.3. Asignación de orientación

Por medio de la asignación de una orientación a cada punto característico, basado en propiedades locales de la imagen, el descriptor que encontremos sera invariante a la rotación. La ubicación en el espacio escala del punto característico, es usada para seleccionar la imagen suavizada por una mascara gaussiana, L , esto provocara que sea invariante a la escala. Para cada muestra de la

imagen, $L(x, y)$, la magnitud del gradiente, $m(x, y)$, y la orientación, $\theta(x, y)$, son precalculadas por medio de diferencias de gaussianas:

$$m(x, y) = \sqrt{(L(x+1, y) - L(x-1, y))^2 + (L(x, y+1) - L(x, y-1))^2}$$

$$\theta(x, y) = \tan^{-1} \left(\frac{L(x, y+1) - L(x, y-1)}{L(x+1, y) - L(x-1, y)} \right)$$

Se formara un histograma de orientaciones que tendrá la orientación de los gradientes calculados en una región, al rededor del punto característico, el tamaño de esta muestra dependerá de la ubicación en el espacio escala en la que se encuentre el punto característico. El histograma de orientaciones tendrá 36 divisiones cubriendo los 360 grados.

Para cada muestra agregada se ponderada por la magnitud de su gradiente y por una mascara circular gaussiana ponderada con σ , que es 1.5 veces que de la ubicación del espacio escala donde reside el punto característico. Los picos en el histograma de orientación corresponden a las direcciones dominantes de los gradientes locales. Se encuentra el pico mas grande y cualquier otro pico que se encuentre en el rango de $100\% - 80\%$, del pico más grande, se utiliza para hacer que el punto característico tenga una orientación. Para ubicaciones con varios picos de magnitudes similares, se generaran puntos característicos con la misma ubicación y escala pero con diferentes orientaciones. Solo el 15 % de los puntos se les asignan múltiples orientaciones, pero aun así esto contribuye mucho al momento de emparejar. Finalmente se obtiene una parábola usando como puntos tres picos cercanos entre si, para interpolar la posición del pico con mas precisión.

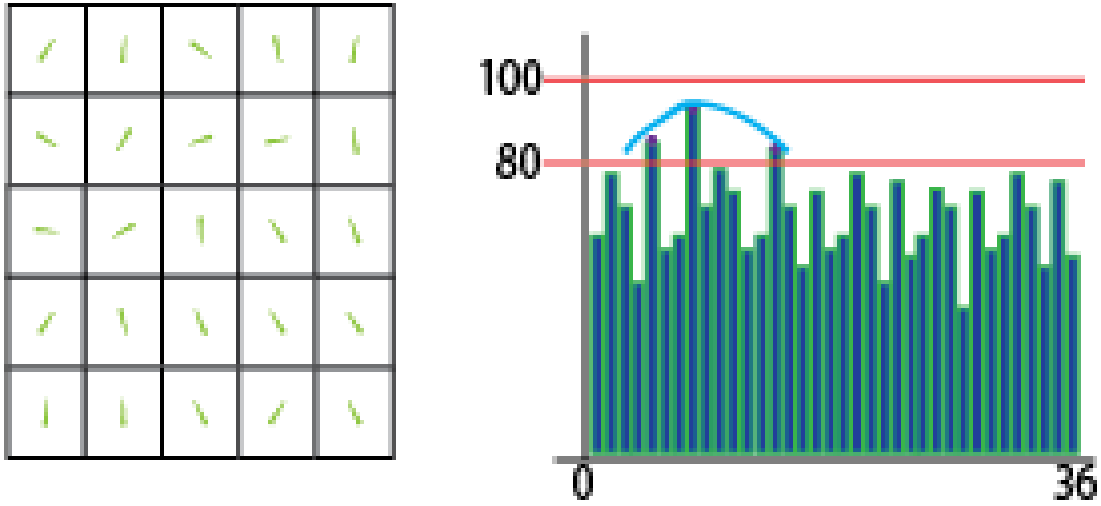


Figura 2-3: Histograma de Orientación

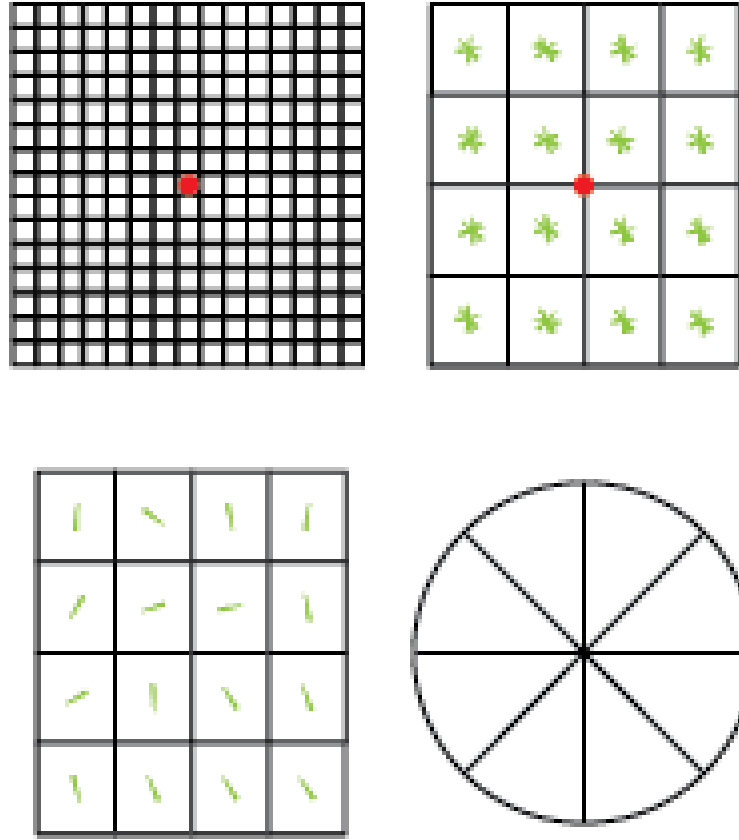


Figura 2-4: Descriptor

2.1.4. Descriptor de puntos característicos

Hasta este momento tenemos una colección de puntos característicos, los cuales están formados por una ubicación, una escala y una orientación. Ahora debemos formar un descriptor que sea lo suficientemente distintivo. Para esto tenemos que tomar una muestra de la imagen, al rededor del punto característico de 16×16 pixeles y se dividirá en una región de 4×4 . Se generará un histograma de orientación de los gradientes de cada región, a diferencia del histograma de orientación explicado anteriormente, el histograma solo tiene 8 divisiones con las cuales se cubrirán los 360 grados, igualmente se usara una ponderación gaussiana para la asignación de la magnitud al histograma.

Al final el descriptor de cada punto característico estará formado por un vector, que tiene las ocho orientaciones de los 4×4 histogramas. Por lo tanto el tamaño del vector sera de $4 \times 4 \times 8 = 128$ elementos.

CAPÍTULO 3

COMPUTO EN GPU'S

Hasta hace 12 años la velocidad a la que crecían cada generación de procesadores era increíble, los programas eran tan rápidos como cada nueva generación de procesadores. Este crecimiento entre cada generación se detuvo, el problema es el consumo de energía y la disipación de calor, no permiten aumentar la frecuencia del reloj del procesador y el nivel de actividades por ciclo, en una sola unidad de procesamiento (CPU). Todos los productores de procesadores migraron a un nuevo modelo, los procesadores multinúcleo incrementaron el poder de procesamiento.

Este cambio en los procesadores tuvo un gran impacto a los programadores, la mayoría de las aplicaciones son escritas de forma secuencial, por que la ejecución de estas son comprensibles paso a paso, mediante el código. Pero un programa secuencial ejecutándose en un solo núcleo del procesador, no sera más rápido. Entonces los programadores ya no pueden agregar cualidades y capacidades a sus programas.

Llega el momento de cambiar, si se desea que la calidad de los programas siga escalando con cada generación de procesadores, se deben crear programas que trabajen con múltiples hilos, cooperando todos para completar un trabajo mas rápido. Existen dos corrientes principales en cuanto a los procesadores multi-núcleo, el primero, es donde se pretende mantener la velocidad de los programas secuenciales, mientras se mueven entre múltiples núcleos; la segunda, se centra mas en la ejecución de aplicaciones en paralelo, tiene un gran numero de núcleos pequeños que va creciendo con cada generación. Es esta rama en la que entran las unidades de procesamiento gráfico o por sus siglas en ingles GPU.[3]

3.1. GP-GPUs Nvidia

”Las GPU han evolucionado al punto que muchas aplicaciones del mundo real se están implementando fácilmente en ellas y se ejecutan muchísimo más rápido que en sistemas con múltiples núcleos. Las arquitecturas de computación del futuro serán sistemas híbridos con GPU de núcleos paralelos trabajando en tándem con CPU de múltiples núcleos”.[4]



Figura 3-1: Sistema Híbrido

3.1.1. Breve Historia

La necesidad de mejores gráficos para los video juegos, provocaron un gran avance en el hardware que se diseñaría. Desde principios de 1980 hasta finales de 1990 las tarjetas dedicadas a gráficos, no eran más que pipelines fijos que despliegan las formas geométricas calculadas por el CPU, por medio del hardware de acceso directo a memoria, por sus siglas en ingles DMA, esto les daba un funcionamiento fijo y apenas se podía configurar, con principalmente dos API, OpenGL de *Silicon Graphics* y Direct3D de *Microsoft*. Un ejemplo de estas tarjetas gráficas es, a la que se le acuño el nombre de GPU, la GeForce 256[5] lanzada al mercado en 1999, aporta una capacidad visual sin precedentes, capaz de realizar las funciones de transformación, iluminación, organización y rendering, con la capacidad de procesar 15 millones de triángulos por segundo y un rendimiento de 480 millones de píxeles por segundo. Su motor de rendering 256 bits muestra una mejora en cuanto a la complejidad visual.

Toda esta tecnología tan revolucionaria llamo la atención de otros profesionales, que se integraron a el trabajo de los artistas y desarrolladores de vídeo juegos, utilizando el gran rendimiento de punto flotante que tenían los GPU para otros objetivos. De esta forma surge el movimiento de la GPU para fines generales(GP-GPU).

Pero en ese momento, la GP-GPU era muy difícil de manipular, solo aquellos que tenían amplios conocimientos en lenguajes de programación de gráficos, desarrollaban para esta plataforma. Pero aun que memorizaras el API entera se enfrentaba un reto, donde los cálculos para resolver problemas generales debían ser representados por triángulos o polígonos.

Fue hasta 2001, en la Universidad de Stanford un equipo, liderado por Ian Buck, que se propuso ver el GPU como un *procesador de flujos*. Este equipo desarrollaría *Brook* [6], un lenguaje de programación diseñado para ser igual a la sintaxis de C, con algunas características adicionales. El lenguaje se desarrolla con el objetivo de minimizar el complejo trabajo de análisis, que se requería para generar aplicaciones paralelas. Introducirían conceptos como los flujos(streams), kernels y los operadores de reducción. Todo esto le dio un gran impulso a los GPU como procesadores de propósitos generales, ya que el lenguaje era mas fácil de manejar, ya que era de más alto nivel, y lo mas importante los programas escritos en *Brook* eran hasta 7 veces mas rápido que códigos similares existentes.

La compañía NVIDIA se dio cuenta que tenia un hardware muy poderoso en las manos, pero debía complementarlo con herramientas de hardware y software intuitivas, con ello le hicieron la invitación a Ian Buck para colaborar con ellos, el objetivo sería ejecutar C a la perfección en una GPU. NVIDIA alcanza este objetivo en 2006 con el lanzamiento de CUDA, la cual seria la primera solución para las GP-GPU, y aunado a esta solución, lanza la GeForce 8800 la cual fue diseñada, para ser usada en cómputo de propósito general, y su arquitectura fue pensada en la de CUDA.

3.2. CUDA

Compute Unified Device Architecture (CUDA) es una plataforma para computo paralelo y un modelo de programación, que NVIDIA lanzo en noviembre de 2006, permitiendo obtener aumentos en los rendimientos del computo, esto es gracias a la ayuda que la unidad de procesamiento de gráficos, le proporciona al CPU.

Los dispositivos CUDA aceleran la ejecución de los programas que tienen una gran cantidad de datos a procesar, ya que la arquitectura de esta plataforma, de la cual se hablara adelante, es

como un procesador tradicional como el que las computadoras tienen, solo que tienen la cualidad de que los procesadores son masivamente paralelos equipados con una gran cantidad de unidades aritméticas. En las cuales se ejecutara la misma instrucción en todas, respecto a la taxonomía de Flynn, la categoría sería de *una instrucción, multiples datos* (SIMD).

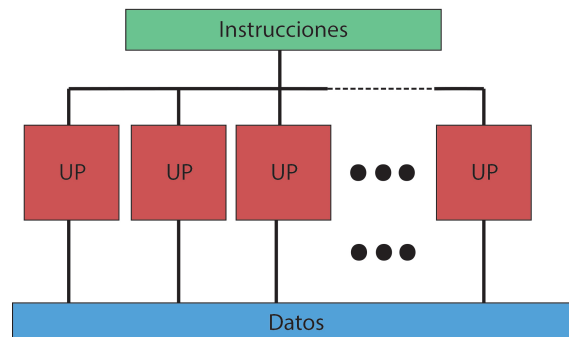


Figura 3-2: SIMD

Respecto al modelo de programación para desarrollar los programas para las GPU, es gracias a una extensión del lenguaje C, conocida como CUDA C. Existen alternativas a esta extensión, se pueden utilizar lenguajes como FORTRAN, Python, .NET combinando CUDA con Microsoft's F# o alguna API como OpenCL u OpenACC[7].

3.2.1. Arquitecturas

La arquitectura de CUDA fue diseñada, para que la GPU pudiera ser utilizada en aplicaciones de propósito general. En la cual se tiene un arreglo de procesadores con múltiples unidades aritmético lógicas, por sus siglas en inglés ALU, las cuales para alcanzar este objetivo, fueron diseñadas para poder realizar operaciones de punto flotante, cumpliendo los requisitos del Instituto de Ingeniería Eléctrica y Electrónica (IEEE). Aparte de esto las ALU debían tener acceso a diferentes tipos de memoria, como la compartida entre unidades y la memoria de la tarjeta gráfica.

Estas ALU tan particulares, en la arquitectura de CUDA las conoceremos como *CUDA cores*, conforman gran parte de los Streaming Multiprocessor (SM). Los SM son procesadores que tienen la tarea de ejecutar los hilos concurrentemente, aparte de los CUDA cores tienen, están formados por una memoria cache(shared memory), registros y algunas unidades de funciones especiales.

Fermi

Los GPU basados en la arquitectura Fermi [8], están formados por 512 CUDA cores. Los CUDA cores ejecutan operaciones de punto flotantes o enteras por ciclo de reloj, y por cada uno de los hilos. Los 512 CUDA cores están organizados en 16 SM de 32 cores cada uno. El GPU tiene seis particiones de memoria de 64-bits, capacidad para leer 384-bits de la memoria simultáneamente y con una capacidad de hasta 6GB de memoria DRAM categoría DDR5. El sistema de conexión entre el GPU y el CPU es vía PCI-Express. La forma en que se hace la programación de el trabajo a realizar en cada bloque es asignado por un modulo llamado *GigaThread*, este pasa las tareas a cada SM para que el haga la asignación de trabajo a cada hilo.

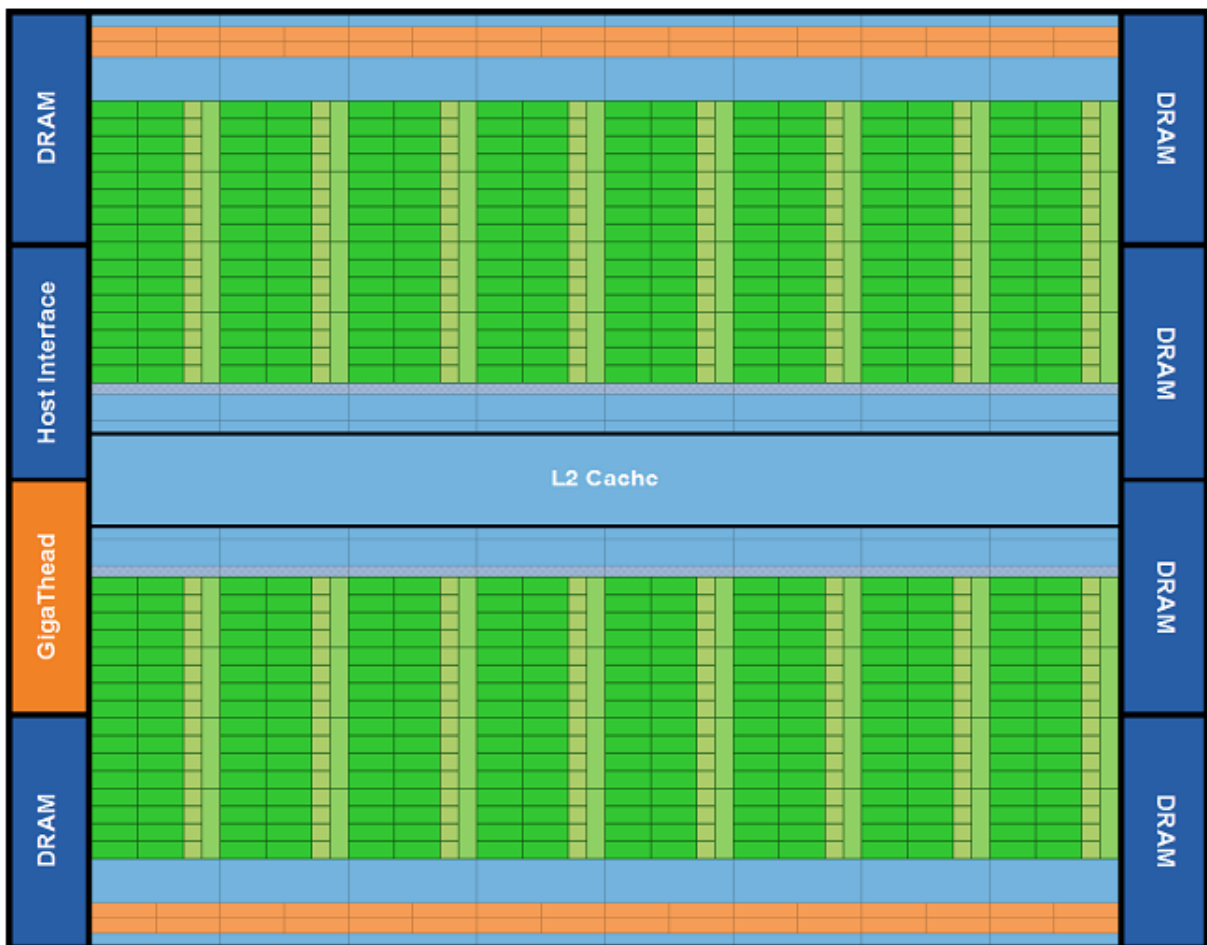


Figura 3-3: La arquitectura Fermi tiene sus 16 SM al rededor de la memoria compartida L2 cache

La arquitectura tuvo mejoras significativas como el rendimiento en las operaciones de doble precisión, dedicado a computo científico; soporte para la corrección de errores, para asegurar las operaciones con números muy grandes, en aplicaciones delicadas; se implemento una jerarquía en la

memoria cache, que permite aumentar la eficiencia en cuanto a las lecturas a memoria; la memoria compartida tuvo un incremento; y las operaciones atómicas incrementaron su desempeño, gracias a que se aumentaron las unidades de operaciones atómicas y la aparición de la memoria L2 cache.

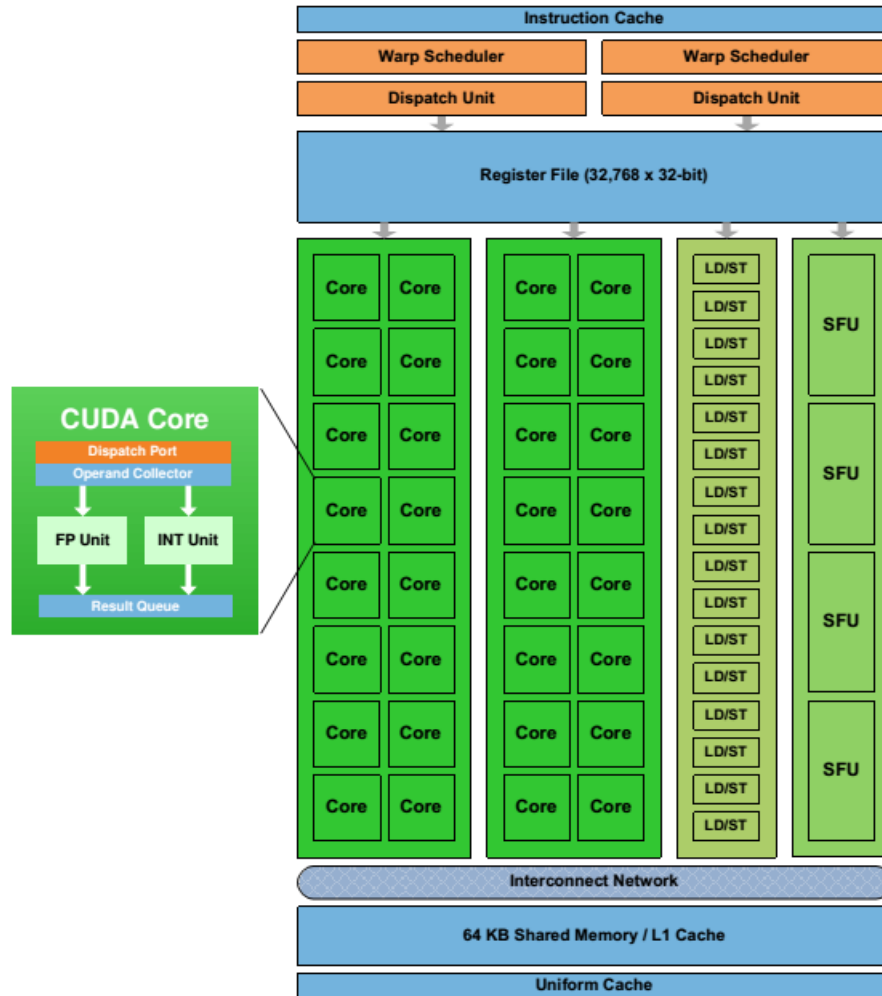


Figura 3-4: Fermi Streaming Multiprocessor (SM)

Las SM de la arquitectura Fermi están formadas de diferentes elementos, iniciando por los 32 CUDA cores, cada uno con una unidad aritmética lógica para las operaciones con enteros y una unidad de punto flotante. Cumplen con la norma IEEE 754-2008 que permite realizar una multiplicación y una suma en un solo paso de redondeo. La asignación de trabajo en las SM se realiza por el módulo *GigaThread*, que divide en bloques de hilos a cada SM, después los planeadores de *warps* es quien tienen el trabajo de dividir este bloque en grupos de 32 hilos para su ejecución dentro de la SM. También tiene 16 unidades load/store, las cuales permiten calcular origen y destino de dieciséis hilos por pulso de reloj; cuenta también con 4 unidades de funciones especiales (SFU),

que ejecutan instrucciones mas complejas como senos, cosenos, reciproco y raíz cuadrada.

Kepler

La arquitectura Kepler [9], modifiko los SM de su antecesor llamándolo Next Generation Streaming Multiprocessor (SMX), es el nuevo procesador de esta arquitectura, en la cual encontraremos que esta formada por 15 de estos procesadores y seis controladores de memoria de 64-bits. La cantidad de CUDA cores que contiene es de 192 de precisión simple y 64 unidades de doble precisión.

Las unidades load/store aumentaron a 32 y las SFU también incrementaron a 32, ocho veces más que en Fermi. La asignación de hilos dentro de el SMX es programado igualmente por planeadores de warps, bloques de 32 hilos, Kepler tiene 4 planificadores de warps, de esta manera se tienen 2 unidades de despacho de instrucciones, permitiendo repartir y ejecutar 4 warps de manera concurrente. Nos encontramos con una memoria cache L1, la cual podemos cambiar su configuración.



Figura 3-5: Kepler Next Generation Streaming Multiprocessor (SMX)

La capacidad de esta memoria es de 64KB, se pueden tener las configuraciones de 16, 32 o 48 KB para la memoria cache, dejando el resto para la memoria compartida. La cantidad de registros por SMX es de 65536, de los cuales, cada hilo puede tener acceso a 255 registros para el almacenamiento de datos. La memoria de textura ha sido un recurso valioso para programas donde se requiere probar o filtrar datos de una imagen, en esta arquitectura dejo de ser un hardware dedicado solo a este objetivo, se dejo un espacio en la memoria global de solo lectura de 48KB que funciona como una memoria cache para agilizar las lecturas.

En esta arquitectura se agrego una característica, donde no se requiere de el CPU para lanzar programas en la GPU, lo que significa que el GPU tiene la capacidad de generar mas carga de trabajo, administrar recursos y obtener resultados dentro de la misma GPU, en la zona de mas interés, donde se pueda requerir más poder de computo.

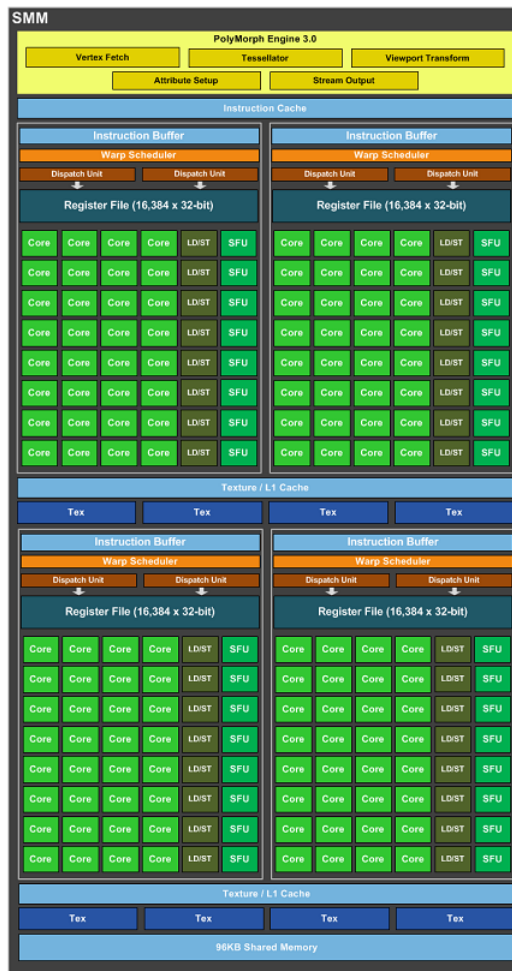


Figura 3-6: Maxwell Streaming Multiprocessor (SMM)

Maxwell

La arquitectura Maxwell[10], tuvo un cambio en su diseño para proporcionar un cambio dramático en su desempeño. Lo que generó este desempeño fue el nuevo diseño que le dieron a los nuevos SM llamados SM Maxwell (SMM). El número de CUDA cores bajó a 128, para poder separarlos en 4 divisiones de 32 CUDA cores, cada una de esas divisiones tiene un planificador de warps, para su bloque de 32 CUDA cores, el cual es capaz de despachar dos instrucciones por ciclo de reloj. Estas divisiones hicieron que se utilizara de una manera más eficiente el espacio y la energía gastada para el manejo de la transferencia de datos.

La memoria compartida incrementó a 96KB, la cual ya no se comparte con la memoria cache L1, ahora la memoria de textura comparte espacio con la cache L1. Los registros, las SFU, y las unidades load/store siguen siendo la misma cantidad.

3.3. Modelo de Programación CUDA C

La extensión del lenguaje C que proporciona CUDA para programar, es un camino que ofrece, para programadores familiarizados a este lenguaje, una manera sencilla de escribir programas para ser ejecutados en la GPU. A continuación se explicará el núcleo del conjunto de instrucciones de esta extensión.

3.3.1. Kernels

En CUDA C, permite definir funciones llamadas *kernels*, las cuales cuando son llamadas se ejecutan N veces en paralelo por N diferentes *hilos* CUDA. Para definir un kernel se usa la declaración `__global__`, estos kernels se ejecutan en un dispositivo, la tarjeta gráfica instalada en la computadora; y se invocan por medio de un equipo anfitrión, este anfitrión no es más que el procesador que estará usando la tarjeta gráfica como coprocesador. En el siguiente código podemos ver cómo se declara un kernel:

```
1      __global__ void kernel( ... )
2      {
3          ...
4      }
```


Al lanzar, desde el anfitrión, el kernel, se debe escoger una configuración de hilos CUDA que se lanzaran para ejecutarlo, a cada uno de estos hilos se les dará un identificador único (*threadID*).

3.3.2. Jerarquía de Hilos

Para especificar la configuración que se usara para lanzar los hilos, se especifica poniéndolo entre <<< y >>>. Se requiere de dos parámetros para el lanzamiento el primero es la dimension de la malla, que se refiere al numero de bloques y el segundo es la dimension del bloque, que es el numero de hilos que contendrá.

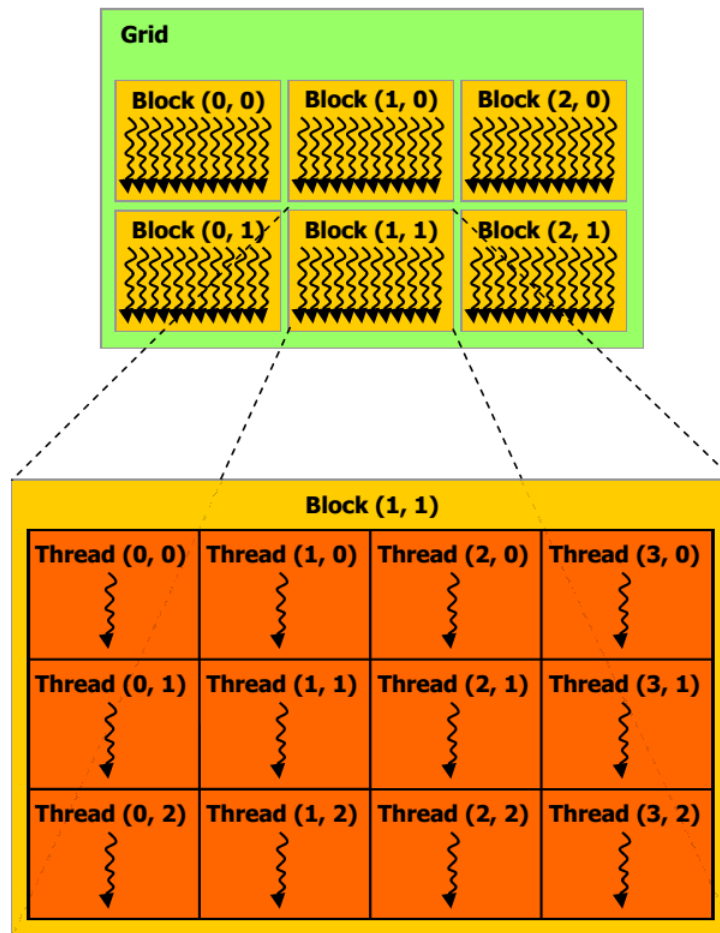


Figura 3-7: Organización de bloques e hilos

Cada hilo tiene un identificador que se puede acceder por **threadIdx**, este identificador es un vector de tres componentes, por lo tanto los hilos pueden usar identificadores de uno, dos o tres dimensiones. Para formar bloques unidimensionales, dimensionales o tridimensionales. Los bloques están organizados en una malla que puede tener una, dos o tres dimensiones, los bloques tiene un

identificador al cual se puede acceder por la variable **blockIdx**, existe otra variable importante y es la que nos dará la dimension del bloque, se llama **blockDim**. A continuación veremos un ejemplo de como se lanzaría un kernel:

```
1      __global__ void miKernel( ... )
2      {
3          ...
4      }
5
6      int main(...)
7      {
8          ...
9          dim3 gridDim(...,...,...);
10         dim3 blockDim(...,...,...);
11         miKernel<<<gridDim,blockDim>>>(...);
12         ...
13     }
```

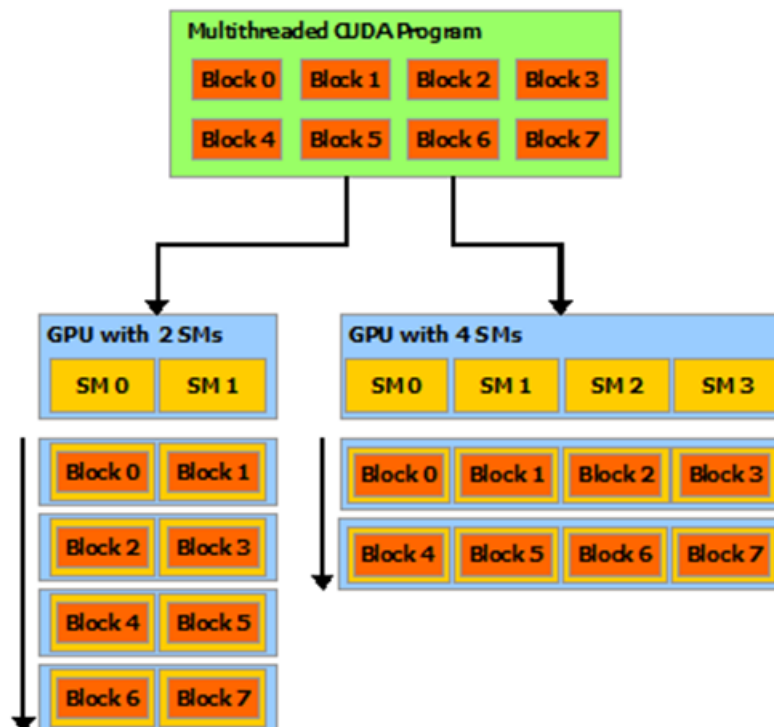


Figura 3-8: Asignación de bloques por SM

Parte importante del paralelismo es la comunicación entre cada proceso que se ejecuta simultáneamente, hacer cooperar los hilos en la GPU tiene sus detalles. Para la comunicación tenemos la memoria compartida a la cual permite el intercambio de datos solo entre hilos del mismo bloque. En cuanto a sincronizar los hilos se tiene una función llamada `__syncthreads()`, esta sincroniza los hilos por barrera, pero los hilos que esperaran solo lo harán con hilos de su mismo bloque. Esta característica de que solo hilos del mismo bloque se puedan comunicar es por la forma en que son asignados para su ejecución cada uno de los bloques. En la figura 3-8 podemos observar como se asignan los bloques a cada SM por lo tanto podrían asignarse en cualquier orden y ejecutarse en tiempos diferentes. De este modo la sincronizar los hilos y la escritura y lectura a memoria compartida no serán un problema con el diseño que se describió anteriormente.

3.3.3. Jerarquía de Memoria

3.4. Rendimiento

CAPÍTULO 4

SIFT EN GPU

4.1. Diseño

4.2. Implementación

CAPÍTULO 5

RESULTADOS Y CONCLUSIONES

CAPÍTULO 6

TRABAJO A FUTURO

- [1] David G. Lowe. Distinctive image features from scale-invariant keypoints. *International Journal of Computer Vision*, 60(2):91–110, November 2004.
- [2] C. Harris and M. Stephens. A Combined Corner and Edge Detector. *Proceedings of the Alvey Vision Conference 1988*, pages 147–151, 1988.
- [3] David Kirk and Wen-mei Hwu. *Programming massively parallel processors : a hands-on approach*. Morgan Kaufmann, San Francisco, CA, USA, 2010.
- [4] Jack Dongarral. Lo que la gente dice[en línea]. http://www.nvidia.com.mx/object/cuda_home_new_la.html, Accedido: [22/08/2015].
- [5] NVIDIA. The world’s first gpu geforce 256 [en línea]. <http://www.nvidia.es/page/geforce256.html>, Accedido: [25/08/2015].
- [6] I Buck. Brook : A Streaming Programming Language. *Communication*, (October):1–12, 2001.
- [7] NVIDIA. Language solutions [en línea]. <https://developer.nvidia.com/language-solutions>, Accedido: [25/08/2015].
- [8] Whitepaper Nvidia, Next Generation, and Cuda Compute. Whitepaper NVIDIA’s Next Generation CUDA Compute Architecture. *ReVision*, 23(6):1–22, 2009.
- [9] Nvidia. Kepler GK110. *NVIDIA’s Next Generation CUDA Compute Architecture: Kepler GK110*, 2012.

- [10] Nvidia Geforce Gtx, Featuring Maxwell, The Most, Advanced Gpu, and Ever Made. NVIDIA GeForce GTX 980. pages 1–32.

ÍNDICE DE FIGURAS

2-1. Espacio Escala de Diferencia de Gaussianas	4
2-2. Espacio Escala de Diferencia de Gaussianas	5
2-3. Histograma de Orientación	8
2-4. Descriptor	9
3-1. Sistema Híbrido	11
3-2. SIMD	13
3-3. La arquitectura Fermi tiene sus 16 SM al rededor de la memoria compartida L2 cache	14
3-4. Fermi Streaming Multiprocessor (SM)	15
3-5. Kepler Next Generation Streaming Multiprocessor (SMX)	16
3-6. Maxwell Streaming Multiprocessor (SMM)	17
3-7. Organización de bloques e hilos	19
3-8. Asignación de bloques por SM	20