A Stacking-Based Model for Non-Invasive Detection of Coronary Heart Disease

Coronary arteriongraphy (CAG) is an accurate invasive technique for the diagnosis of coronary heart disease (CHD).

Arash Mehrzadi, Hamidreza Hematyar QIAU

فهرست

	چکیده
٣	مقدمه
	ديتاديتا
	پیش پردازش داده ها
٩	انتخاب ویژگی ها
	مدل مقاله
14	مدل پیشنهادی
15	مقایسه نتایج پیشپردازش داده ها
١٨	مقایسه نتایج انتخاب ویژگی ها
TT	نتایج برای روش پیشنهادی و روشهای دیگر
74	پارامتر مدل ها
	كدك

چکیده

عروق کرونر (CAG) یک تکنیک تهاجمی دقیق برای تشخیص بیماری عروق کرونر قلب (CHD) است. با این حال، روش تهاجمی آن برای تشخیص CHD در معاینه فیزیکی سالانه مناسب نیست.

با کاربرد موفقیت آمیز یادگیری ماشین (ML) در زمینههای مختلف، هدف ما انجام یکپارچه سازی انتخابی الگوریتمهای چندگانه M و تأیید اعتبار روشهای انتخاب ویژگی با اطلاعات بالینی شخصی است که معمولاً در معاینه فیزیکی سالانه دیده می شود.

در این مطالعه، یک مدل مبتنی بر انباشته دو سطحی طراحی شده است که در آن سطح ۱ سطح پایه و سطح ۲ متا سطح است. پیشبینی طبقهبندی کنندههای سطح پایه به عنوان ورودی فراسطح انتخاب می شوند. ابتدا ضریب همبستگی پیرسون و حداکثر ضریب اطلاعات محاسبه می شود تا طبقه بندی کننده با کمترین همبستگی پیدا شود. سپس از الگوریتم شمارش برای یافتن بهترین بهترین طبقهبندی کنندههای ترکیبی استفاده می شود که در پایان بهترین نتیجه را به دست می آورند. مجموعه داده Z-Alizadeh Sani CHD که ما استفاده می کنیم شامل ۳۰۳ مورد است که توسط CAG تأیید شده است.

نتایج تجربی نشان می دهد که مدل پیشنهادی، دقت، حساسیت و ویژگی به ترتیب ۹۵.۴۳٪، گرد. روش پیشنهادی میتواند به طور موثر به پزشکان کمک کند تا افراد دارای عروق کرونر طبیعی از مبتلایان به CHD را تشخیص دهند.

كلمات كليدى: عروق كرونر، روش تهاجمي

مقدمه

بیماری عروق کرونر قلب (CHD) یکی از علل اصلی مرگ و میر قلبی عروقی در سطح جهان است. در حال حاضر روش های تشخیصی (CHD) را می توان به روش های تهاجمی و غیرتهاجمی تقسیم کرد. آنژیوگرافی عروق کرونر (CAG) یک تکنیک تشخیصی تهاجمی نسبتاً ایمن و قابل اعتماد است که به طور گسترده در عمل بالینی به عنوان استاندارد طلایی برای تشخیص (CHD مورد استفاده قرار گرفته است. با این حال، ماهیت تهاجمی آن و هزینه عملیات نسبتاً گران، استفاده از آن در معاینه فیزیکی سالانه را دشوار می کند. الکتروکاردیوگرام (ECG) و اکوکاردیوگرافی روشهای غیرتهاجمی هستند، اما دقت قابل اعتمادی ندارند.

بنابراین، یافتن روشهای غیرتهاجمی جدید برای تشخیص CHD ضروری است.

در قلب و عروق بالینی، یادگیری ماشین (ML) یک روش موثر برای پیشبینی مرگ و میر ناشی از همه علل در بیماران مشکوک به CHD ثابت شده است. در اپیدمیولوژی قلبی عروقی تحت بالینی، ML می تواند پیش بینی بهتری نسبت به نمرات استاندارد خطر قلبی عروقی در ارتباط با نقاط داده فنوتیپی ارائه دهد. روش های ML به طور گسترده در برخورد با داده های موجود در پزشکی استفاده می شود. در سالهای اخیر، تعدادی از الگوریتمهای ML برای تشخیص CHD توسعه یافتهاند. Shijani و یک شبکه عصبی یافتهاند. Peshki تشخور بهبود دادند. Davari تشخور بهبود دادند. Davari و همکاران ویژگی های ECG را با روش های فرکانس و دامنه غیرخطی برای شناسایی علائم CHD با طبقه بندی کننده بردار پشتیبان (SVC) استخراج کرد.

Vernekar و همکاران ویژگی های مارکوف را به همراه سایر ویژگی های حوزه آماری و فرکانس از فونوکاردیوگرام (PCG) استخراج کرد و از مجموعه شبکه عصبی مصنوعی و درخت افزایش گرادیان برای آموزش مدل استفاده کرد.

Kumar و همکاران همچنین از سیگنال های ECG اما با تبدیل موجک تحلیلی انعطاف پذیر برای مشخص کردن CHD استفاده کرد.

یک روش ترکیبی پیشنهاد کرد که شامل شناسایی عوامل خطر با استفاده از انتخاب زیر مجموعه ویژگی مبتنی بر همبستگی با روش جستجوی بهینهسازی شنای ذرات و الگوریتمهای خوشهبندی ویژگی مبتنی بر همبستگی با روش جستجوی بهینهسازی شنای ذرات و الگوریتمهای خوشهبندی K-means بود [۹]. علیزاده و همکاران از سه طبقهبندی کننده برای تشخیص تنگی سه شریان کرونری، یعنی نزولی قدامی چپ، سیرکومفلکس چپ و شریان کرونری راست استفاده کرد تا دقت بالاتری برای تشخیص CHD بدست آورد.

داوری و همکاران با پایگاه داده Long Term ST به دقت تشخیص ۹۹.۲٪ دست یافتند، اما پایگاه داده ای که آنها برای بیماران CHD استفاده کردند با تغییرات بخش ST مختلف همراه بود.

و در عمل بالینی، بسیاری از بیماران CHD قطعه ST طبیعی دارند. بنابراین، استفاده از پایگاههای اطلاعاتی بیماران مبتلا به بیماری عروق کرونر اما بخشهای ST طبیعی ممکن است برای استفاده از مدل تشخیص CHD مبتنی بر هوش مصنوعی در موقعیتهای پیچیده بالینی مفیدتر باشد. علاوه بر این، تحقیقات قبلی معمولاً تنها از یک نوع طبقهبندی کننده ML برای تشخیص خودکار CHD استفاده می کردند. با این حال، بسیاری از محققان ML به ویژه آنهایی که در مسابقات ML شرکت می کننده با موفقیت از تکنیک های ترکیب طبقه بندی کننده برای بهبود دقت طبقه بندی کننده ها استفاده کرده اند.

تکنیکهای ترکیب پیشبینیهای بهدستآمده از طبقهبندی کنندههای چندگانه سطح پایه را می توان در سه چارچوب ترکیبی خلاصه کرد: رأی گیری (مورد استفاده در بستهبندی و تقویت)، پشتهبندی و آبشاری. برای مجموعه داده های پیچیده تر، طبقه بندی کننده سنتی را می توان با انواع مختلفی از قوانین ترکیبی بهبود بخشید. در پشتهبندی، پیشبینیهای مجموعهای از طبقهبندی کنندهها به عنوان ورودی های الگوریتم یادگیری سطح بعدی ارائه می شوند. سطح بعدی الگوریتم برای ارتباط بهینه پیش بینی های مدل و تشکیل سطح بعدی مجموعه نهایی پیش بینی ها آموزش داده شده است. روابط جفتی همیشه بین سطوح مختلف قبل از پیش بینی نهایی وجود دارد. ما روابط بین مدل ها را در سطح پایه تحلیل می کنیم و ترکیب بهینه مدل را با یک الگوریتم شمارش پیدا می کنیم.

به طور خلاصه، سهم اصلی این کار به شرح زیر است:

هشت روش انتخاب ویژگی برای ارزیابی عملکرد آنها برای تشخیص خودکار CHD بررسی شده است. ما متوجه شدیم که استراتژی یادگیری ماشینی RFECV بالاترین عملکرد پیشبینی را در اعتبارسنجی متقابل ده برابری مکرر به دست آورد. آن ویژگیهایی که با روش RFECV انتخاب میشوند برای متخصصان قلب در تشخیص بالینی CHD ارزش مرجع بالایی دارند.

در مجموع از ۱۰ روش طبقه بندی استفاده می شود. با تجزیه و تحلیل نتایج، مشخص شد که ترکیب مدلی که بهترین عملکرد را نشان میدهد را نمیتوان با محاسبه مستقیم ضریب همبستگی پیرسون (PCC) و حداکثر ضریب اطلاعات (MIC) تعیین کرد. بنابراین، یک استراتژی جدید برای جستجوی ترکیب بهینه پیشنهاد میشود که در آن ابتدا مدلی انتخاب میشود که حداقل همبستگی را با سایر مدلها داشته باشد و سپس با برشمردن هر ترکیب احتمالی مدل انتخاب شده با سایر مدلها، ترکیب بهینه تعیین میشود. نتایج ما نشان می دهد که استراتژی پیشنهادی عملکرد رضایت بخشی دارد.

ترکیب مدل بهینه برای تشخیص خودکار CHD تعیین می شود. استفاده از استراتژی ترکیب مدل پیشنهادی در ۳ مجموعه داده دیگر نیز نتایج رضایت بخشی را نشان میدهد، که توانایی تعمیم استراتژی ترکیب مدل پیشنهادی ما را نشان میدهد.

ادامه این مقاله به شرح زیر سازماندهی شده است. در بخش دوم، منبع داده و روش های پیش پردازش داده ها معرفی شده است. در بخش III، جزئیات فنی مدل مبتنی بر انباشته دو سطحی پیشنهادی ما شرح داده شده است. نتایج تجربی در بخش IV و سپس بحث در بخش V ارائه شده است.

مجموعـه داده Z-Alizadeh شامل ۲۱۶ بیمار CHD و ۸۷ فـرد سالم اسـت کـه توسـط ۵۴ نـوع مختلف نشان داده شده انـد. ویژگـی هـای بـالینی و جمعیـت شناختی همانطور کـه در جـدول زیـر نشان داده شده است.

مجموعه دادهها عدم تعادل بزرگی را در توزیع طبقات هدف نشان میدهد، زیرا تقریباً ۳ برابر بیشتر از افراد سالم بیماران CHD وجود دارد. در چنین حالتی، روش نمونه برداری بیش از حد اقلیت مصنوعی (SMOTE) برای حل مشکل عدم تعادل استفاده می شود. ایده اصلی روش تجزیه و تحلیل کلاس های اقلیت جدید با نمونه برداری بیش از حد است.

داده های افراد عادی توسط SMOTE در طول اعتبارسنجی متقاطع و نه قبل از فرآیند اعتبار سنجی متقاطع و نه قبل از فرآیند اعتبار سنجی متقابل نمونه برداری می شود. داده های مصنوعی فقط برای مجموعه آموزشی ایجاد می شود بدون اینکه بر مجموعه آزمایشی تأثیر بگذارد. اگر یک ویژگی دارای واریانسی باشد که مرتبهای بزرگتر از سایر ویژگیها باشد، ممکن است بر تابع هدف تأثیر بگذارد و باعث می شود برآوردگر نتواند همانطور که انتظار می رود از ویژگیهای دیگر به درستی یاد بگیرد.

از آنجایی که ۵۴ ویژگی مجموعه داده شامل ۲۳ داده عددی و ۳۱ داده طبقه بندی می شود، از آنجایی که ۵۴ ویژگی مجموعه داده شامل ۲۳ داده عددی و ۳۱ داده طبقه بندی می شود. حداکثر و تکنیک حداکثر و حداقل نرمال سازی یک روش رایج پردازش داده ها است که می توان آن را به صورت (۱) تعریف کرد X ورودی، تعمین دهنده حداکثر مقدار، min نشان دهنده حداقل مقدار، و *X نشان دهنده مقدار خروجی پس از عادی سازی است. در این مطالعه، ما از این رویکرد برای مقیاس بندی ۲۳ ویژگی ها مفید است.

$$x^* = \frac{x - min}{max - min}$$

در ادامه، فیچر های دیتاست ذکر شده است:

Feature type	Feature name	Range
Demographic	Age	30-86
	Weight	48-120
	Length	140-188
	Sex	Male,Female
	BMI(Body Mass Index)	18.1-40.9
	DM (Diabetes Mellitus)	Yes,No
	HTN (Hyper Tension)	Yes,No
	Current Smoker	Yes,No
	Ex-Smoker	Yes,No
	FH (Family History)	Yes,No
	Obesity	Yes,No
	CRF (Chronic Renal Failure)	Yes,No
	CVA (Cerebrovascular Accident)	Yes,No
	Airway Disease	Yes,No
	Thyroid Disease	Yes,No
	CHF (Congestive Heart Failure)	Yes,No
	DLP (Dyslipidemia)	Yes,No
Clinical	BP (Blood Pressure: mmHg)	90-190
	PR (Pulse Rate) (ppm)	50-110
	Edema	Yes,No
	Weak peripheral pulse	Yes,No
	Lung Rales	Yes,No
	Systolic murmur	Yes,No
	Diastolic murmur	Yes,No
	Typical Chest Pain	Yes,No
		Yes,No
	Dyspnea Function Class	1,2,3,4
		Yes,No
	Atypical	Yes,No
	Nonanginal Exertional CB (Exertional Chart Bain)	
	Exertional CP (Exertional Chest Pain)	Yes,No
	LowTH Ang (low Threshold angina)	Yes,No
	Rhythm	Yes,No
	Q Wave	0,1
	ST Elevation	0,1
	ST Depression	0,1
	T inversion	0,1 Yea No
	LVH (Left Ventricular Hypertrophy)	Yes,No
	Poor R Progression (Poor R Wave Progression)	Yes,No
	FBS (Fasting Blood Sugar) (mg/dl)	62-400
	Cr (creatine) (mg/dl)	0.5-2.2
	TG (Triglyceride) (mg/dl)	37-1050
	LDL (Low density lipoprotein) (mg/dl)	18-232
	HDL (High density lipoprotein) (mg/dl)	15.9-111
	BUN (Blood Urea Nitrogen) (mg/dl)	6-52
	ESR (Erythrocyte Sedimentation rate) (mm/h)	1-90
	HB (Hemoglobin) (g/dl)	8.9-17.6
	K (Potassium) (mEq/lit)	3.0-6.6
	Na (Sodium) (mEq/lit)	128-156
	WBC (White Blood Cell) (cells/ml)	3700-18000
	Lymph (Lymphocyte) (%)	7-60
	Neut (Neutrophil) (%)	32-89
	PLT (Platelet) (1000/ml)	25-742
	EF (Ejection Fraction) (%)	15-60
	Region with RWMA a (Regional Wall Motion Abnormality)	0,1,2,3,4
	VHD (Valvular Heart Disease)	Normal, Mild, Moderate, Severe

پیش پردازش داده ها

با توجه به تنوع داده ها در انواع مختلف، در ابتدا نیاز داریم دیتای مورد نظر را به فرمی برسانیم که برای الگوریتم های ما قابل پذیرش و قابل پردازش میباشد.

دیتاست مورد بحث دارای انواع زیر میباشد:

- Integer
 - Bool •
 - Enum •

که برای هر یک از این داده ها نیاز به رویکردی متفاوت داریم، و برای این کار دیتاست را به سه بخش متفاوت تقیسم میکنیم تا بتوانیم فرایند های مربوط به هر کدام از این تایپ را انجام دهیم و سپس دیتاست ها را به یکدیگر چسبانده و دیتافریمی یکپارچه تهیه میکنیم.

برای دیتاهایی با تایپ عددی از رویکرد MinMaxScaler برای اسکیل کردن مقادیر بین دو عدد ۰ و ۱ استفاده میکنیم.

همچنین برای دیتاهایی با تایپ bool از رویکرد binary استفاده میکنیم که مقادیر صحیح به مقدار ۱ و مقادیر نادرست به مقدار ۰ مپ میشوند

در نهایت برای مقادیر Enum نیز از تکنیک one hot encode استفاده میکنیم.

سپس با چسباندن بخش های جدا شده به یکدیگر، به دیتابیس واحدی میرسیم که قابل ارایه به مدل های تعریف شده میباشد.

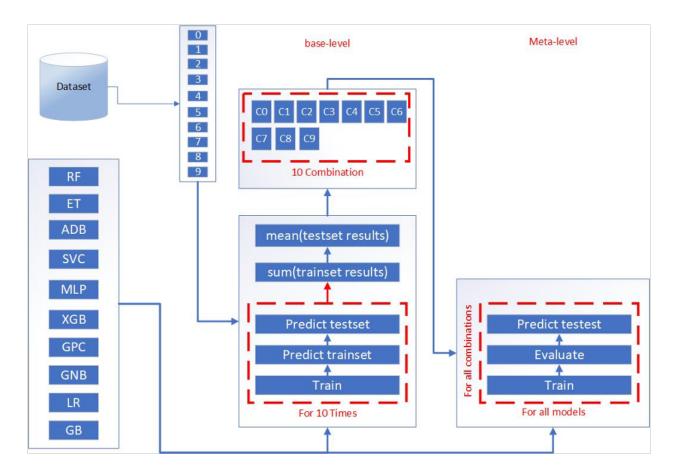
انتخاب ویژگی ها

انتخاب ویژگی ها در برخورد با ویژگی های اضافی اهمیت زیادی دارد. سه معیار رایج انتخاب ویژگی شامل فیلتر، لفاف و تعبیه شده است.

روش های فیلتر، رابطه بین ویژگی ها و برچسب را با استفاده از ابزارهای آماری شامل واریانس، اطلاعات متقابل و آزمون مجذور کای (CHI۲) محاسبه می کنند. روش های wrapper ارتباط نزدیکی با طبقه بندی کننده دارند. اصل روش wrapper انتخاب بهترین زیرمجموعه با توجه به عملکرد طبقه بندی کننده است.

علاوه بر این، حذف ویژگی بازگشتی با اعتبارسنجی متقاطع (RFECV) می تواند تأثیر تنظیم مصنوعی تعداد ویژگی های باقی مانده در مجموعه ویژگی را از بین ببرد. روش های تعبیه شده با فرآیند آموزش مدل ادغام می شوند تا ویژگی ها به طور خودکار انتخاب شوند. افزایش گرادیان شدید (XGB) به دلیل کارایی بالا به طور گسترده ای به عنوان یک روش انتخاب ویژگی تعبیه شده است.

مدل مقاله



مدل پیشنهادی عمدتاً از دو سطح تشکیل شده است که در آن سطح ۱ سطح پایه و سطح ۲ متا سطح است. پیشبینی طبقهبندی کنندههای سطح پایه به عنوان ورودی فراسطح انتخاب میشوند. سطح پایه شامل ۱۰ مدل از scikit-learn ، از جمله جنگل تصادفی(RF) ، درختان اضافی(ET) ، سطح پایه شامل ۱۰ مدل از SVC ،adaBoost ، از جمله جنگل تصادفی(ADB) ، درختان اضافی(GPC) ، گاوسی نیو بیز ساده(GNB) ، رگرسیون لجستیک(LR) ، تقویت گرادیان (GB) عملکرد طرحهای انباشتگی تحت تأثیر تعداد طبقهبندی کنندههای سطح پایه است [۳۷]. به طور کلی، طبقهبندی کنندههای سطح پایه با پیشبینیهای همبستگی ضعیف عملکرد خوبی دارند و MIC را می توان به عنوان معیاری برای تعیین کمیت ارتباط و افزونگی در بین ویژگی ها استفاده کرد، با نزدیک تر بودن به ۱۰ نشان دهنده همبستگی ضعیف تر است. سپس، از الگوریتم شمارش برای جستجوی بهترین طبقهبندی کنندههای ترکیبی استفاده می کنیم.

ما دو الگوریتم را خلاصه می کنیم که می توانند فرآیند انباشته سازی و شیمارش را نشان دهند. مجموعه داده ابتدا به صورت تصادفی مخلوط شده و به ۱۰ برابر تقسیم می شود. برای هر فولد، یک فولد به عنوان داده آزمایشی (S) و چین های باقیمانده به صورت R در نظر گرفته می شود. کل فرآیند ۱۰ بار تکرار می شود R و ورودی Alg.۱ هستند ایل ممدتا شامل دو حلقه است. خلقه اول فرآیند ساخت ده مدل سطح پایه است و حلقه دوم فرآیند اعتبارسنجی متقاطع ۱۰ برابری برای تولید داده های آموزشی و آزمایشی است R .نیز به ۱۰ تا تقسیم می شوند. یک فولد به عنوان مجموعه داده های آموزشی (Rkt) و تاهای باقیمانده به عنوان مجموعه داده های آموزشی (Rkt) و تاهای باقیمانده برای آموزش مدل سطح پایه R می شود.

 ξ ا برای تولید دیتای آموزش استفاده می شود. بعداً S برای تولید testl وارد مدل سطح پایه S برای تولید دیتای که حلقه ۱۰ بار تکرار می شود، S تولید تقیقا برابر با مجموع ده برابر است و مجموعه داده های تست باید میانگین شود. در نهایت، مجموعه آموزش و آزمون اتحادیه تولید شده تولیط ۱۰ مدل پایه مختلف به عنوان خروجی گرفته می شود.

Algorithm 1 The Process of Building Base-Level Model

```
Input: R, nine folds
Input: S, one fold(test data set)
R_{kt}, training data set
R_{k\nu}, validation data set
the model of base-level \xi_l, where
l = \{RF, ET, ADB, SVC, MLP, XGB, GPC, GNB, LR, GB\}
//the model which can chose
forall the
l = \{RF, ET, ADB, SVC, MLP, XGB, GPC, GNB, LR, GB\} do
     for all the k = 1, 2, ..., 10 do
          \xi_l \leftarrow R_{kt}
          //use R_{kt} to train \xi_l
          train_l \leftarrow \xi_l \leftarrow R_{kv}
          //use R_{kv} to get train_l
          test_1 \leftarrow \xi_1 \leftarrow S
          //input S to \xi_l to predict test_l
     end
     train_l = (train_1 + train_2 + \cdots + train_k)
     test_l = (test_1 + test_2 + \cdots + test_k)/10
     //calculate the mean of test data set
train = [train_{RF}, train_{ET}, \dots train_{GB}]
test = [test_{RF}, test_{ET}, \dots test_{GR}]
Output: train, test
```

خروجی ۱ .Alg. به عنوان ویژگی های جدید سطح متا در نظر گرفته می شود. از آنجایی که استفاده مستقیم از همه ویژگی های جدید بدون فیلتر کردن عاقلانه نیست، ۲ .Alg برای جستجوی ترکیب بهینه استفاده می شود. ۲ .C۲۱۰ می مدتا شامل دو حلقه است. در حلقه اول، ۱۰ نوع ترکیب ممکن وجود دارد، از جمله ۲۱۰، ۲۱۰، ۲۱۰۰ میلای ۱۰۰۰ می در ۲۱۰ میات دوم. همه ترکیبات ممکن (بدون تکرار آنها) به جای قرار دادن همه آنها در حلقه بعدی، شمارش می شوند. در حلقه دوم از ورودی میشود دیتای آموزش برای آموزش مدل Hm استفاده می شود. مدل LR برای کاهش پیچیدگی مدل استفاده می شود

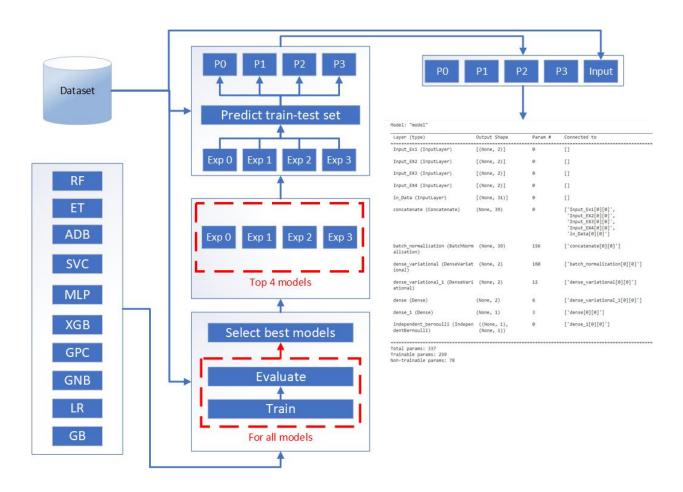
Algorithm 2 The Process of Searching the Best Combination

```
Input: train, training data set
Input: test, test data set
//H_m, the second model
forall the
l = \{RF, ET, ADB, SVC, MLP, XGB, GPC, GNB, LR, GB\} do
forall the m = \{LR\} do
train \leftarrow C_{10}^{l}
test \leftarrow C_{10}^{l}
H_m \leftarrow train
result_m \leftarrow H_m \leftarrow test
//evaluate the performance of the model on the test
data set
end
Output: result_m
```

سپس آزمون به مدل آموزش دیده (Hm) وارد می شود تا عملکرد مدل در مجموعه داده های آزمون ارزیابی شود. در نهایت ترکیب مدل با بالاترین دقت تعیین می شود.

مدل پیشنهادی

مدل پیشنهادی ما بر اساس انتخاب ۴ مورد از بهترین مدل های مورد بررسی در مقاله مورد بحث عمل میکند، به طوری که تمام مدل های موجود ابتدا آموزش دیده و سپس مورد ارزیابی قرار میگیرند و سپس بر اساس نتایج حاصل شده مدل های برتر انتخاب میشوند. دلیل استفاده ما از این تکنیک ، به دست آوردن نتایج بهینه تر بود و با توجه به بررسی متدولوژی مورد بحث در مقاله این نیازمندی را احساس کردیم که به جای انتخاب بهترین ترکیب پیشبینی ها و نهایتا بهترین مدل سازگار با ترکیب ها ، از چند مدل استفاده کنیم و بتوانیم از پتانسیل فرضیه چندین مدل برای تصمیم گیری استفاده کنیم. استفاده از این روش به ما این امکان را میدهد که فضای درست حقیقی گسترده تری را پوشش دهیم و نهایتا به پیشبینی های دقیق تری دست بیابیم.



همانطور که در شکل ۲ مشاهده میکنید ، مدل های موجود پس از آموزش ، ارزیابی میشوند و سپس ۴ مورد از بهترین مدل ها برای استفاده در متدولوژی پیشنهادی ما انتخاب میشوند. مدل های آموزش دیده داده های ورودی آموزش و ارزیابی را پیشبینی میکنند و خروجی احتمال بین دو

کلاس موجـود در مسئله بـه همـراه داده هـای ورودی بـرای آمـوزش مـدل Dense variational اسـتفاده میشـود. در مـدل پیشـنهادی از لایـه هـای network (BNN) استفاده شده است کـه از یـک اسـتنباط بیـز بـرای محاسـبه توزیـع بـر روی مـاتریس هسـته و بایـاس استفاده میشـود کـه توابـع پیشـین و پسـین محاسـبه ایـن مقـادیر را امکـان پـذیر میکنـد. در ادامـه خروجـی لایــه هـای Dense variational پــس از پــردازش در دو لایــه Dense نهایتــا بــه لایــه لایــه میشود.

مقایسه نتایج پیشیردازش داده ها

پـس از پـیش پـردازش نشـان داده شـده در بخـش دیتـا، داده هـای خـام اسـتاندارد شـده و "داده هـای پردازش شده" دارای محدوده ۰ تا ۱ هستند.

همانطور که در جدول ۲ نشان داده شده است، نتایج "داده های پردازش شده" عملکرد بهتری نسبت به "داده های خام" نشان می دهد. از طریق طبقه بندی کننده های مختلف برای «داده های پردازش شده»، مدل های LR و ADB دقت بالاتری نسبت به سایرین دارند. اما GNB و GNB به ترتیب از نظر حساسیت و ویژگی امتیازات بهتری نسبت به سایر مدل ها کسب می کنند. بنابراین، این تفاوت ها توسط ناهمگونی مدل ایجاد می شود که منعکس کننده پایه و اساس انباشته است.

این نتایج با مدل پیشنهادی نیز همخوانی داشته و مدل های RF و RF دقت بالاتری نسبت به سایر مدل ها داشته اند و از نقطه نظر GNB امتیاز بالاتری را کسب کرده است.

نتایج جدول ۲ در صفحهی بعدی با درج اختلافات نمایش داده شده است.

	M -411	Raw data			I	Processed data		
	Method	Ac	Se	Sp	Ac	Se	Sp	
	LR	0.854	0.893	0.76	0.881	0.917	0.792	
llts	RF	0.842	0.917	0.657	0.839	0.894	0.706	
Table2 - paper results	GNB	0.734	0.679	0.872	0.428	0.217	0.953	
err	SVC	0.814	0.888	0.633	0.845	0.884	0.749	
рар	DT	0.813	0.87	0.669	0.786	0.851	0.622	
2 - 1	KNN	0.681	0.875	0.197	0.805	0.879	0.622	
ole,	ADB	0.874	0.93	0.733	0.882	0.927	0.769	
Tal	GB	0.859	0.921	0.704	0.862	0.907	0.749	
	ET	0.825	0.875	0.704	0.852	0.898	0.736	
	MLP	0.547	0.617	0.357	0.852	0.898	0.735	
	XGB	0.872	0.935	0.717	0.862	0.935	0.681	
	Method		Raw data		I	Processed data	a	
Table2 - our implementation results	Wichiod	Ac	Se	Sp	Ac	Se	Sp	
res	LR	0.81	0.61	0.73	0.82	0.74	0.72	
ioi	RF	0.85	0.8	0.59	0.84	0.77	0.59	
ıtat	GNB	0.77	0.57	0.92	0.57	0.38	0.92	
ner	SVC	0.8	0.87	0.6	0.82	0.834	0.719	
len	DT	0.79	0.83	0.61	0.71	0.82	0.6	
i i	KNN	0.69	0.86	0.18	0.895	0.81	0.612	
٦	ADB	0.78	0.55	0.48	0.78	0.55	0.48	
- 7	GB	0.76	0.52	0.43	0.75	0.52	0.43	
ole2	ET	0.82	0.79	0.6	0.82	0.79	0.62	
Tal	MLP	0.62	0.06	0.3	0.76	0.79	0.73	
	XGB	0.72	0.45	0.53	0.72	0.45	0.53	
	Method		Raw data			Processed data		
		Ac	Se	Sp	Ac	Se	Sp	
nce	LR	0.044	0.283	0.03	0.061	0.177	0.072	
erence	RF	-0.008	0.117	0.067	-0.001	0.124	0.116	
Ji £	GNB	-0.036	0.109	-0.048	-0.142	-0.163	0.033	
results diff	SVC	0.014	0.018	0.033	0.025	0.05	0.03	
ln sa	DT	0.023	0.04	0.059	0.076	0.031	0.022	
	KNN	-0.009	0.015	0.017	-0.09	0.069	0.01	
Table2 -	ADB	0.094	0.38	0.253	0.102	0.377	0.289	
ap	GB	0.099	0.401	0.274	0.112	0.387	0.319	
-	ET	0.005	0.085	0.104	0.032	0.108	0.116	
	MLP	-0.073	0.557	0.057	0.092	0.108	0.005	
	XGB	0.152	0.485	0.187	0.142	0.485	0.151	

مقایسه نتایج انتخاب ویژگی ها

جدول ۳ ویژگی های انتخاب شده توسط سه روش انتخاب ویژگی معمولی را نشان می دهد. ویژگی های انتخاب های انتخاب های انتخاب شده به پزشکان کمک می کند تا درک خود را از اهمیت متفاوت ویژگی های انتخاب شده بهبود بخشند. علاوه بر این، مداخلات درمانی مختلفی را می توان به طور خاص برای کاهش یا حتی حذف تأثیر مضر برخی از ویژگی های انتخاب شده انجام داد.

جدول شماره ۳:

Table3 - paper results					
CHI2	RFECV	XGB			
Age	Age	Age			
DM	DM	DM			
HTN	HTN	HTN			
CRE	Sex	EH			
Diastolic Murmur	Typical Chest Pain	Atypical			
Typical Chest Pain	Nonanginal	Typical Chest Pain			
Dyspnea	O Wave	Lymph			
Function Class	St Elevation	Nonanginal			
Atypical	T inversion	St Depression			
Nonanginal	HB	TG			
O Wave	TG	VHD			
St Elevation	Poor R Progression	PR			
St Depression	EF-TTE	T inversion			
T inversion	Current Smoker	FBS			
Poor R Progression	DLP	ESR			
FBS	Lung rales	EF-TTE			
Airway disease	Dyspnea	Na			
Weak Peripheral Pulse	PR	BMI			
ВР	Region RWMA	LDI.			
Region RWMA		Region RWMA			
		WBC			
		K			
		LDL			
		НВ			
		Neut			
		HDI.			
		Length			
		Weight			
		CR			
		PLT			
		ВР			
		Obesity			

Table3 - our implementation results				
CHI2	RFECV	XGB		
Region RWMA	BMI	Typical Chest Pain		
DM	PR	Age		
HTN	Age	Region RWMA		
Typical Chest Pain	TG	HTN		
Atypical	HDL	Nonanginal		
Nonanginal	BUN	Tinversion		
Tinversion	ESR	TG		
VHD_Severe	HB	PR		
	EF-TTE	DM		
	Region RWMA	WBC		
	DM	K		
	HTN	LDL		
	Current Smoker	Na		
	FH	Lymph		
	DLP	BUN		
	Lung rales	Length		
	Typical Chest Pain	BMI		
	Dyspnea	FBS		
	Function Class	ESR		
	Nonanginal	EF-TTE		
	Q Wave	Neut		
	St Elevation	CR		
	Tinversion	HDL		
		PLT		

جدول : ۴ دقت تشخیص CHD را برای روش های مختلف انتخاب ویژگی از جمله CHI۲ ، اطلاعات SVC با دقت تشخیص SVC با مقادیر k متفاوت نشان می دهد. الگوریتم طبقه بندی از k با مقادیر k با مقادیر k متفاوت نشان می دهد. الگوریتم طبقه بندی از k با افزایش می یابد. مقادیر k استفاده می کند. دقت ابتدا افزایش می یابد و سپس با افزایش مقدار k کاهش می یابد. مقادیر k نشان می k ، ۱۷ ، ۱۷ و ۲۲) زمانی برجسته می شوند که دقت مدل بالاتر از ۹۰٪ باشد. جدول k نشان می دهد که وقتی k ا دقت ۱۱. ۹۰٪ توسط k به دست می آید.

دقت تشخیص CHD برای روش های مختلف انتخاب ویژگی با مقادیر k

				Feature selec	tion methods		
	K value	CHI2	Mutual	Variance	RFE	SVC	LR
	5	0.835	0.852	0.819	0.838	0.848	0.848
Table4 - paper results	10	0.852	0.825	0.838	0.888	0.881	0.858
	15	0.851	0.825	0.852	0.898	0.891	0.911
res	20	0.868	0.865	0.852	0.904	0.888	0.878
per	25	0.868	0.871	0.852	0.898	0.895	0.871
- pa	30	0.858	0.875	0.881	0.898	0.897	0.898
e4 -	35	0.851	0.861	0.868	0.891	0.898	0.882
abl	40	0.848	0.838	0.868	0.891	0.881	0.875
-	45	0.852	0.851	0.872	0.884	0.884	0.878
	50	0.865	0.865	0.855	0.855	0.855	0.861
	17	0.865	0.858	0.839	0.908	0.891	0.888
	22	0.861	0.845	0.865	0.901	0.898	0.868
	K value			Feature selec			
lts		CHI2	Mutual	Variance	RFE	SVC	LR
Table4 - our implementation results	5	0.82	0.78	0.78	0.86	0.78	0.82
r r	10	0.83	0.8	0.79	0.87	0.75	0.85
atic	15	0.82	0.76	0.76	0.86	0.73	0.84
ent	20	0.81	0.77	0.76	0.87	0.73	0.86
em	25	0.81	0.76	0.74	0.87	0.72	0.86
ldu	30	0.81	0.76	0.76	0.86	0.72	0.85
- <u>-</u>	35	0.81	0.77	0.75	0.87	0.71	0.86
٦ -	40	0.81	0.77	0.76	0.87	0.72	0.86
e4	45	0.8	0.76	0.74	0.84	0.71	0.85
abl	50	0.81	0.76	0.74	0.85	0.71	0.86
-	17	0.81	0.77	0.76	0.87	0.73	0.86
	22	0.81	0.76	0.77	0.87	0.73	0.86
				P . 1			
	K value	CHIA	M1	Feature selec		CVC	I D
	-	CHI2	Mutual	Variance	RFE	SVC	LR
e e	5	0.015	0.072	0.039	-0.022	0.068	0.028
difference	10	0.022	0.025	0.048	0.018	0.131	0.008
iffe	15 20	0.031	0.065	0.092 0.092	0.038	0.161 0.158	0.071
	25	0.058	0.093	0.092	0.034 0.028	0.138	0.018
sult							
Table4 - results	30	0.048	0.115 0.091	0.121 0.118	0.038 0.021	0.177 0.188	0.048
4.			-				0.022
able	40	0.038	0.068	0.108 0.132	0.021	0.161	0.015
ř	50	0.052	0.091	0.132	0.044	0.174	
	17	0.055	0.103	0.113	0.003	0.143	0.001
	22	0.055		0.079		0.161	
	22	0.051	0.085	0.093	0.031	0.108	0.008

همانطور که در جدول ۵ نشان داده شده است، نتایج دو روش انتخاب ویژگی نماینده شامل رویکردهای پوششی و تعبیه شده با هم مقایسه شده است. جدول ۵ نشان می دهد که بهترین عملکرد توسط RFECV به دست می آید. و نتایج RFECV انحراف معیار کمتری دارند. بنابراین، RFECV به عنوان روش انتخاب ویژگی ما تصمیم گرفته می شود.

جدول پنجم اجرای روش های مختلف تست با روش انتخاب ویژگی RFECV و XGB.

	Method		RFECV			XGB	
	Method	Ac	Se	Sp	Ac	Se	Sp
	LR	0.901	0.93	0.826	0.868	0.921	0.736
<u>t</u> 2	RF	0.832	0.862	0.76	0.849	0.898	0.725
Table5 - paper results	GNB	0.44	0.22	0.989	0.861	0.916	0.724
er r	SVC	0.911	0.926	0.875	0.872	0.907	0.783
рар	DT	0.799	0.865	0.633	0.789	0.856	0.622
- 5	KNN	0.855	0.87	0.814	0.855	0.907	0.728
ple	ADB	0.881	0.926	0.768	0.859	0.903	0.747
<u>a</u>	GB	0.876	0.922	0.761	0.859	0.917	0.715
	ET	0.829	0.871	0.726	0.833	0.875	0.729
	MLP	0.908	0.945	0.815	0.868	0.912	0.76
	XGB	0.868	0.944	0.681	0.865	0.93	0.703
	Method		RFECV			XGB	
Table5 - our implementation results	Wienea	Ac	Se	Sp	Ac	Se	Sp
res	LR	0.86	0.71	0.77	0.85	0.71	0.64
ion	RF	0.83	0.69	0.65	0.8	0.55	0.47
ıtat	GNB	0.49	0.34	0.97	0.82	0.6	0.36
ner	SVC	0.9	0.92	0.8	0.832	0.927	0.713
len	DT	0.809	0.83	0.623	0.84	0.826	0.61
l ii	KNN	0.825	0.8	0.811	0.82	0.9	0.71
'n	ADB	0.79	0.7	0.62	0.76	0.52	0.63
	GB	0.78	0.61	0.53	0.78	0.55	0.54
ble	ET	0.86	0.8	0.72	0.84	0.9	0.69
Tal	MLP	0.88	0.8	0.71	0.88	0.84	0.74
	XGB	0.77	0.47	0.57	0.71	0.41	0.64
	Method		RFECV	_		XGB	_
		Ac	Se	Sp	Ac	Se	Sp
Table5 - results difference	LR	0.041	0.22	0.056	0.018	0.211	0.096
erei	RF	0.002	0.172	0.11	0.049	0.348	0.255
Jiff(GNB	-0.05	-0.12	0.019	0.041	0.316	0.364
ts c	SVC	0.011	0.006	0.075	0.04	-0.02	0.07
Insa	DT	-0.01	0.035	0.01	-0.051	0.03	0.012
, E	KNN	0.03	0.07	0.003	0.035	0.007	0.018
e5 .	ADB	0.091	0.226	0.148	0.099	0.383	0.117
abl	GB	0.096	0.312	0.231	0.079	0.367	0.175
-	ET	-0.031	0.071	0.006	-0.007	-0.025	0.039
	MLP	0.028	0.145	0.105	-0.012	0.072	0.02
	XGB	0.098	0.474	0.111	0.155	0.52	0.063

نتایج برای روش پیشنهادی و روشهای دیگر

داده ها به ترتیب به مجموعه داده های آموزشی و مجموعه داده های آزمایشی با نسبت ۷:۳ و ۴:۶ تقسیم می شوند. سپس، مجموعه داده های آموزشی برای آموزش مدل و محاسبه PCC و MIC بین هر مدل به صورت جفتی استفاده می شود.

PCC دو نسبت متفاوت از یک داده را نشان می دهد. MIC دو نسبت متفاوت از یک داده را نشان می دهد. در نسبت های مختلف، PCC و MIC GNB همیشه حداقل مقادیر را دریافت می کنند. بنابراین مدل GNB را نسبت های مختلف، PCC و MIC GNB همیشه حداقل مقادیر را دریافت می کنند. بنابراین مدل GNB و GNB، GNB، می توان به عنوان یکی از بهترین طبقه بندی کننده های ترکیبی انتخاب کرد. هفت مدل بهینه (XGB ،GNB، BT، RF ، RF ، ADB ، ET ، RF و الگوریتم ۲ انتخاب شده است. جدول ۶ نتایج مقایسه ای روش ما را نشان می و سایر روش های مختلف شامل روشی است که توسط ناشر مجموعه داده پیشنهاد شده است. نشان داده شده است که مدل مبتنی بر انباشتگی پیشنهادی ما تقریباً در تمام معیارهای نتایج پیشرفت های قابل توجهی را به دست می آورد. روش ما به دقت، حساسیت، ویژگی و امتیاز معیارهای نتایج پیشرفت های قابل توجهی را به دست می آورد. روش ما به دقت، حساسیت، ویژگی و امتیاز می کنیم در جدول ۷ آورده شده است.

جدول ششم

مقایسه عملکرد روش های مختلف تست:

	Method	Ac	Se	Sp	F1 - score
	LR	0.901	0.93	0.826	0.931
	RF	0.832	0.862	0.76	0.879
lts	GNB	0.44	0.22	0.989	0.336
esu	SVC	0.911	0.926	0.875	0.937
er r	DT	0.799	0.865	0.633	0.857
paper results	KNN	0.855	0.87	0.814	0.895
	ADB	0.881	0.926	0.768	0.918
Table6 -	GB	0.876	0.922	0.761	0.914
Ta	ET	0.829	0.871	0.726	0.897
	MLP	0.908	0.945	0.815	0.936
	XGB	0.868	0.944	0.681	0.912
	Paper Method	0.9543	0.9584	0.9444	0.9677
	Method	Ac	Se	Sp	F1 - score
Table6 - our implementation results	LR	0.86	0.71	0.77	0.69
res	RF	0.83	0.69	0.65	0.63
on	GNB	0.49	0.34	0.97	0.48
tati	SVC	0.9	0.92	0.8	0.931
neu	DT	0.809	0.83	0.623	0.82
leπ	KNN	0.825	0.8	0.811	0.825
ш	ADB	0.79	0.7	0.62	0.57
ŭ.	GB	0.78	0.61	0.53	0.52
0 -	ET	0.86	0.8	0.72	0.68
9ele	MLP	0.88	0.8	0.71	0.47
Tab	XGB	0.77	0.47	0.57	0.69
	Paper Method	0.96	1	0.8	0.88
	Method	Ac	Se	Sp	F1 - score
	LR	0.041	0.22	0.056	0.241
۵,	RF	0.002	0.172	0.11	0.249
nce	GNB	-0.05	-0.12	0.019	-0.144
ere	SVC	0.011	0.006	0.075	0.006
results difference	DT	-0.01	0.035	0.01	0.037
ılts	KNN	0.03	0.07	0.003	0.07
esu	ADB	0.091	0.226	0.148	0.348
	GB	0.096	0.312	0.231	0.394
Je6	ET	-0.031	0.071	0.006	0.217
Table6 -	MLP	0.028	0.145	0.105	0.466
'	XGB	0.098	0.474	0.111	0.222
	Diffrence	0.098	0.474	0.111	0.222
	Proposed Method	0.98	0.99	0.82	0.89

پارامتر مدل ها

در جدول زیر پارامتر های ورودی برای هر یک از مدل های معرفی شده در مقاله با جزییات کافی برای پیاده سازی ذکر شده است.

برای پیاده سازی این مدل ها از کتابخانه scikit-learn استفاده شده است.

جدول ۷: پارامتر مدل ها

Method	Model parameters
LR	C= 100, solver= newtoncg
RF	n_estimators x= 10, max _depth = None, min_samples_split = 2, random_state = 0
GNB	priors = None, var smoothing = 1e - 09
ADB	n _estimators = 50, learning _rate = 1.0, algorithm = SAMME.R
GB	loss = deviance, learning_rate = 0.1, n_estimators = 100
ET	n_estimators = 100, criterion = gini, min_samples_split = 2
MLP	hidden _layer_sizes = (100,), activation = relu, solver = adam, alpha = 0.0001
VCD	random_state = 1, learning rate = 0.05, n _estimators = 7, max depth = 5
XGB	eta = 0.05, objective = binary : logistic

تمامی کد ها در مخزن https://github.com/hamidrezahy/AAI_Project و مادر مخزن numpy, scikit-learn و سایر نیازمندی های میباشد.برای اجرای کد ها نیاز به نصب کتابخانه و numpy, scikit-learn و مخزن میباشد.

در سطح پوشه بندی، پروژه دارای ۳ پوشه اساسی میباشد. پوشه اول کانفیگ که برای نگهداری پارامتر ها و تنظیم سریعتر و ساده تر مدل ها ایجاد شده است، پوشه دوم پوشه دیتا که دیتا ست اصلی در آنجا ذخیره شده و علاوه بر آن دیتاست پیش پردازش شده نیز در انجا ذخیره میشود.

پوشه بعدی پوشه اکسپریمنت میباشد که نتایج در قالب فابل های اکسل پس از تولید در این پوشه نگهداری میشوند.

پوشه آخر پوشه سورس کد ها میباشد که تمامی سورس کد های مورد نیاز در این فولدر قابل دسترسی میباشد.

برای شروع سریعتر و سهولت انجام کار، نوت بومی تحت عنوان all_fuction_run تهیه شده است که با باز کردن و اجرای سلول های آن میتوان الگوریتم ها را اجرا کرده و خروجی ها را دریافت کرد. با اجرای سلول های این نوت بوک، به ترتیب جداول مقاله بر حسب پیاده سازی و مدل پیشنهادی تولید میشوند در پوشه اکسپریمنت ذخیره میشوند.

نتایج در پوشه اکسپریمنت

datapath_processed, datapath_rowdata	جدول ۲
RFECV_fs_dataset, CHIr_fs_dataset, XGB_fs_dataset,	جدول ۳
mutual_fs_dataset, variance_fs_dataset	
feature_selection_RES_kvalue, feature_selection_RES_kvalue	جدول ۴
datapath_RFECV_BNN_moe, datapath_RFECV, datapath_XGB	جـدول۵ و
	۶