



개방데이터 ~ 외부데이터 ~ 활용사례 ~ 개발지원 ~ 경진대회 ~ 게시판 ~

마이페이

로그아웃

### AI 데이터를 찾으시나요?

AI 학습에 필요한 <mark>다양한 데이터</mark>를 제공합니다. 원하시는 <mark>분야</mark>를 선택해 보세요.

음성/자연어	<b>헬스케어</b>	<b>안전</b>	
데이터 48종	데이터 35종	데이터21종	
<b>비전</b> 데이터 36종	<b>자율주행</b> 데이터23종	농축수산 <sup>데이터 15종</sup>	국토환경 테이터12종 교육 테이터1종

# 3 TEAM

#### **Contents**



01 프로젝트 주제 소개

02 데이터 전처리 과정

#### 03 메타 데이터

- 1. 메타 데이터 기술 통계
- 2. 메타 데이터 카이제곱 검정
- 3. 메타데이터 Decision Tree, Naïve Bayes
- 4. Nurdudle웹 페이지 구현

#### 04 이미지 분류

- 1. 두피 이미지 분류 CNN 모델
- 2. Nurdudle웹 페이지 구현

05 시연

06 기대효과 및 한계점





#### 01 프로젝트 주제 소개

2030 젊은 탈모 증가…두피&헤어 케어 시장 확대

환절기에 심해지는 머리가려움, 두피지루성피부염탈모 주의

"GD도 탈모샴푸 쓴다" 100만개, 1000만개씩 팔리는 탈모샴푸

### 두피 홈케어 전성시대

민감성 두피로 고민하는 이들이 늘었는데...

"숨기지 말고 적극 관리"...탈모 케어 시장 커진다

탈모시장의 전통적인 소비층은 5060세대지만 최근 스트레스와 환경 오염, 잦은 염색과 탈색으로 인한 탈모를 호소하는 2030 젊은 층이 급증하고 있다. 이들 MZ세대(18세~34세)는 남녀 불문 탈모에 대한 관심이 높아 최근 3년간 데일리 뷰티(바디·헤어케어) 시장에는 탈모 기능성을 강조한 " 신규 브랜드가 쏟아지고 있다. 머니투데이 오정은 기자

국내 탈모 환자 추이 23만 4800 23만 3600 2019 자료: 건강보험 심사 평가원

22만 4500

2018

01 프로젝트 주제 소개 "너의 두피유형을 들려줘" Nurdudle 서비스 제안



서비스 목적

사람들이 자신의 두피유형을 주기적으로 확인할 수 있는 개인 맞춤 서비스 Nurdudle 플랫폼을 제공함으로써 두피로 고민하는 사람들의 문제 해결

두피 이미지 분류 서비스로 본인 두피유형 찾기

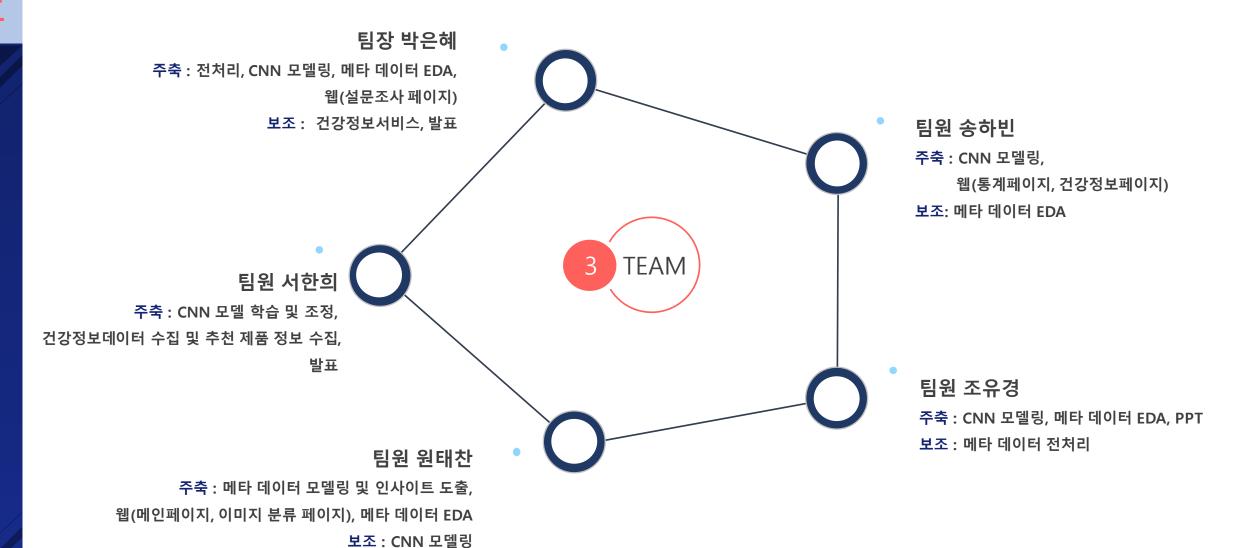
메타적 기술통계 및 두피유형별 세부 기술통계 제공

설문조사로 본인의 두피 관리 상태 자가 검진

두피유형 맞춤 건강정보 제공 및 두피 케어 제품 추천

Slide 5

# Nurdudle Organization Chart



#### 02 데이터 전처리 과정



AI 허브 웹사이트 (aihub.or.kr) > 개방 데이터 > 헬스케어 > 유형별 두피 이미지

- ● 데이터 구성: 1. 전문 진단기기로 촬영한 두피 이미지
  - 2. 어노테이션 데이터 (두피 증상 데이터)
  - 3. 메타 데이터 (설문조사 데이터)

#### ● 어노테이션 파일 구조 (json)

항목	설명		
image_id	이미지아이디		
image_file_name	파일명		
value_1	미세각질(0,1,2,3 중 1개 값)		
value_2	피지과다(0,1,2,3 중 1개 값)		
value_3	모낭사이흥반(0,1,2,3 중 1개 값)		
value_4	모낭흥반/농포(0,1,2,3 중 1개 값)		
value_5	비듬(0,1,2,3 중 1개 값)		
value_6	탈모(0,1,2,3 중 1개 값)		

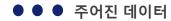
#### 메타 데이터 파일 구조 (json)

항목	설명			
gender	성별			
age	연령대			
location	정수리: TH 좌촉두: LH 우촉두:RH 후두부: BH			
question1	샴푸 사용 빈도			
answers1	답변			
question2	펌주기			
answers2	답변			
Question3	염색 주기 (자가 염색 포함)			
Answers3	답변			
Question4	현재 모발 상태			
Answers4	답변			
Question5	현재 사용하고 있는 두피모발용 제품			
Answers5	답변			
Question6	맞춤두피케어 제품사용을 희망(선호)하시나요			
Answers6	답변			
Question7	샴푸 구매시 중요시 고려하는 부분은 무엇인가요?			
answers	답변			

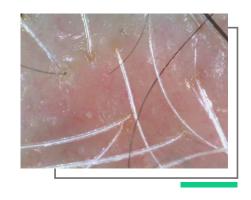


#### 02 데이터 전처리 과정





1. 두피 이미지 촬영



#### ● 주어진 데이터

#### 2. 두피 증상에 대한 중증도

#### • 두피 증상 6가지:

- a. 미세각질
- b. 피지과다
- c. 모낭사이홍반
- d. 모낭홍반/농포
- e. 비듬

f. 탈모

#### · 중증도:

- 가. 양호 (0)
- 나. 경증 (1)
- 다. 중등도 (2)
- 라. 중증 (3)
- (\* 피부과 전문의가 사용하는
- 피부 Grading을 두피에 적용)

#### ● 필요한 데이터

#### 3. 두피유형 분류하는 라벨

#### • 두피유형 9가지:

- A. 양호
- B. 건성
- C. 지성
- D. 민감성
- E. 지루성
- F. 염증성
- G. 비듬성
- H. 탈모성
- I. 복합성

#### 당신의 두피유형은?

라벨링 결과 → "탈모성"

#### 02 데이터 전처리 과정

#### ● ● ● 데이터 구축기관의 [구축 활용 가이드]를 바탕으로 어노테이션 파일 내의 두피 증상 데이터에 대해 라벨링 작업 실행

구분	미세각질	피지과다	모낭사이 홍반	모낭홍반/ 농포	비듬	탈모
양호(정상)	X	X	X	X	X	X
건성	0	X	X	X	X	X
지성	X	0	X	X	X	X
민감성	OX	X	0	X	X	X
지루성	OX	0	0	X	OX	X
염증성	OX	OX	X	0	OX	X
비듬성	OX	OX	X	X	0	X
탈모성	X	X	X	X	X	О
복합성	위의 8가지 두피유형에 해당하지 않는 경우					

(O: 해당 증상이 있음 / X: 해당 증상이 없음 / OX: 해당 증상이 있거나 없을 수 있음)

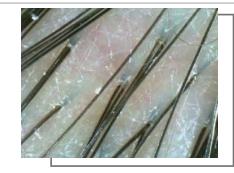
#### # 라벨링 코드

```
# value 1 ~ 6 에 대해0-> 0 / 1,2,3 -> 1 로 변환
formap = {'0':0, '1':1, '2':1, '3':1}
for i in range(1, 7):
  label['value{}'.format(i)] = label['value {}'.format(i)].map(for map)
# for 문으로 모든 행에 대해 두피유형 반환
type = []
for i in range(len(label)):
  v1 = label.iloc[i]['value 1']
  v2 = label.iloc[i]['value 2']
  v3 = label.iloc[i]['value 3']
  v4 = label.iloc[i]['value 4']
  v5 = label.iloc[i]['value 5']
  v6 = label.iloc[i]['value 6']
  # 증상이(+)인조건,(-)인조건확인.(+/-)인조건은확인에서배제가능
  #(+)에 대해선1,(-)에 대해선0으로
  if v1 == 0 and v2 == 0 and v3 == 0 and v4 == 0 and v5 == 0 and v6 == 0: type.append('양호')
  elif v1 == 1 and v2 == 0 and v3 == 0 and v4 == 0 and v5 == 0 and v6 == 0: typeappend('건 d')
  elif v1 == 0 and v2 == 1 and v3 == 0 and v4 == 0 and v5 == 0 and v6 == 0: type.append('지성')
  elif v2 == 0 and v3 == 1 and v4 == 0 and v5 == 0 and v6 == 0: type.append('민감성')
  elif v2 == 1 and v3 == 1 and v4 == 0 and v6 == 0: type.append('지루성')
  elif v3 == 0 and v4 == 1 and v6 == 0: type.append('염증성')
  elif v3 == 0 and v4 == 0 and v5 == 1 and v6 == 0: type.append('비듬성')
  elif v1 == 0 and v2 == 0 and v3 == 0 and v4 == 0 and v5 == 0 and v6 == 1: type.append('탈모')
  else: type.append('복합성')
label['type'] = type # 'type' 열 추가
```

#### Image\_file\_name.json (메타데이터)과 Link

확보한 데이터 label & Image\_file\_name { "gender":"여", "age":"30대", "location":"TH",
 "question1":"샴푸 사용 빈도", "answers1":"1일 1회",
 "question2":"펌 주기", "answers2":"하지않음",
 "question3":"염색 주기 (자가 염색 포함)", "answers3":"하지않음",
 "question4":"현재 모발 상태", "answers4":"기타",
 "question5":"현재 사용하고 있는 두피모발용 제품", "answers5":"샴푸",
 "question6":"맞춤두피케어 제품사용을 희망(선호)하시나요", "answers6":"아니오",
 "question7":"샴푸 구매시 중요시 고려하는 부분은 무엇인가요?", "answers7":"세정력"}

Image\_file\_name.jpg (이미지 데이터)과 Link



# Nurdudle • • •



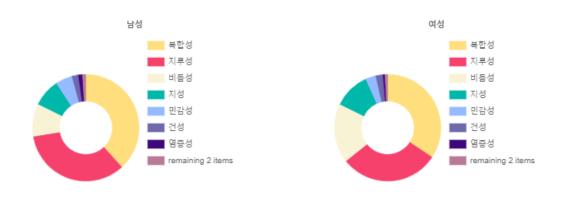
#### 03 메타 데이터

- 1. 메타 데이터 기술 통계
- 2. 메타 데이터 카이제곱 검정
- 3. 메타데이터 Decision Tree, Naïve Bayes
- 4. Nurdudle웹 페이지 구현

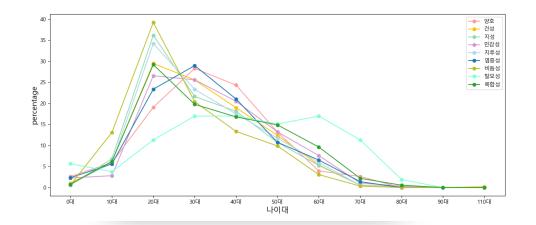
# 03 메타데이터 : 1) 메타데이터기술통계

● ● ● 메타적 기술통계 : 설문조사 데이터인 메타 데이터로 빈도분석을 기반으로 두피유형 전체에 대해 EDA

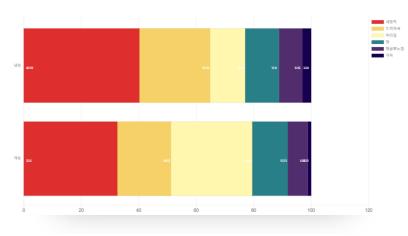
성별 두피유형 분포



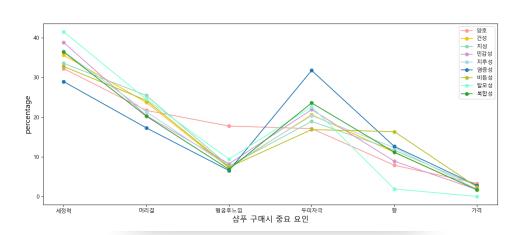
연령별 두피유형 분포



성별 제품 선택 시 중요시하는 요인



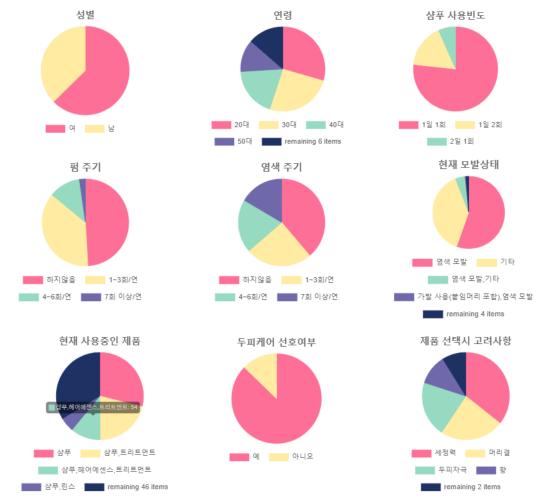
두피유형별 중요시하는 샴푸 요인



#### 03 메타데이터 : 1) 메타데이터기술통계

두피유형별 세부 기술통계: 9가지 두피유형 각각에 대해 빈도분석 진행

+ 두피유형의 인사이트 정보 제공



#### # 빈도분석 시각화 코드

```
for idx, col in enumerate (df4.columns):
  idx += 1
  x = df4[col].value_counts() # value_counts로 빈도 확인
  x topn = x.head(7)
  if len(x) > 7: # 길이가 7을 초과하면 나머지로 통합
    x topn['remaining {0} items'.format(len(x) - 7)] = sum(x[7:]) # "remaining 13 items"
    x = x_{topn}
  plt.subplot(3,3,idx)
  plt.pie(x=x, labels=x.index, autopct='%.1f%%', startangle=90, counterclock=False,\
     shadow=True)
  plt.title(col)
plt.show()
```

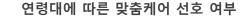
### 03 메타데이터 : 2) 메타데이터 카이제곱 검정

#### ● ● ● 카이제곱 검정 결과 :

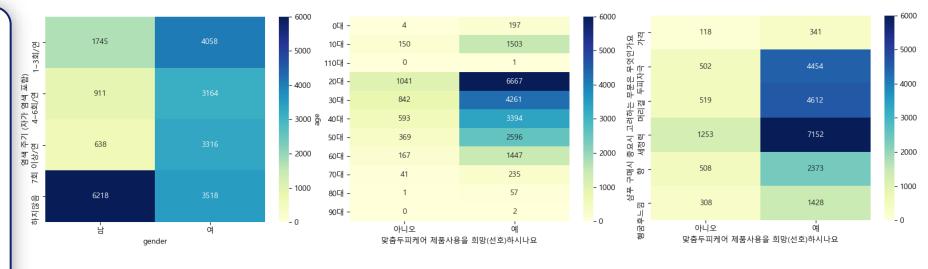
#### # 카이제곱 검정 코드

columns=['gender', 'age', '샴푸 사용 빈도', '펌 주기', '염색 주기(자가 염색 포함)', '현재 모발 상태 ', '현재 사용하고 있는 두피모발용제품', '맞춤두피케어 제품사용을 희망(선호)하시나요' '샴푸 구매시 중요시 고려하는 부분은 무엇인가요','구분'] #for 문으로 모든 변수간 카이제곱 검정 실시 for i in range(9): for j in range(9): if i != j: p = meta\_df[columns[i]] t=meta\_df[columns[j]] # 교차표 ga = pd.crosstab(p,t,margins= False) print(ga) chi2, pvalue, dof, expected = scipy.stats.chi2\_contingency(observed=ga, correction=False) print("1. 카이제곱 통계량:", chi2) print("2. p-value:", pvalue) print("3. df:", dof) #(행의개수-1)\*(열의개수-1) print("4. 기대값 행렬:") print(pd.DataFrame(expected)) # heatmap : 수가 높을수록 색이 짙다. ax = sns.heatmap(ga, cmap = "YlGnBu",vmin = 0,vmax = 6000,annot = True, plt.title('교차표', fontsize=20) plt.savefig("교차\_"+columns[i]+"\_"+columns[j]+".png") plt.show() print("요거는패스 ~~~")

#### 성별에 따른 염색 주기



#### 맞춤케어 선호 여부에 따른 샴푸 선택 요인



남성은 염색 '하지않음'이 높으며 여성은 골고루 분포되어 있음

연령대가 높을수록 맞춤케어를 선호하는 경향이 있음

맞춤케어를 선호하는 그룹은 세정력, 머리결, 두피자극 3가지를 중심으로 다양한 요인을 고려함

맞춤케어를 선호하지 않는 그룹은 세정력 가장 중요시 (feat. 가격)



### 03 메타데이터 : 3) 메타데이터 Decision Tree, Naïve Bayes

#### # Decision Tree 코드 # 분류 정확도 : 0.370

```
om sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
model = DecisionTreeClassifier(criterion = 'entropy', \
   max depth = 6, min samples split = 2, random state = 1)
parameters = {'max depth':[1,2,3,4,5,6,7],\
   'min_samples_split':[1,2,3,4,5,6,7],\
   'random_state':[1,2,3,4,5,6,7,8,9,10,11,12,13,14,15,16,17,18,19,20,\
  21,22,23,24,25,26,27,28,29,30,31,32,33,34,35,36,37,38,39,40,\
  41,42,43,44,45,46,47,48,49,50,123]}
grid_dtree = GridSearchCV(model, param_grid=parameters,\
  cv = 5, refit = True)
grid dtree.fit(x train, y train)
# print(grid dtree.cv results )
score df = pd.DataFrame(grid dtree.cv results )
print(score df)
print('GridSearchCV의 최적 파라미터 : ', grid_dtree.best_params_)
print('GridSearchCV의 최고 정확도:', grid dtree.best score)
# 분류 정확도 확인
y pred = grid dtree.predict(x test)
print('%.3f'%accuracy_score(y_test, y_pred))
```

#### # Naïve Bayes 코드 # 분류 정확도 : 0.367

```
# x 정규화
scaler = MinMaxScaler()
scaler.fit(x)
# 나중에 새로운 값 입력 시 같은 척도로 정규화 하기위해 fit, transform 분리
x = scaler.transform(x)
print(x[:3])
# train / test 로 분리 (7:3)
x_train, x_test, y_train, y_test = train_test_split(x, y, test_size = 0.3,\
random state = 1) #random_state 는 seed와 같음
print(x_train.shape, x_test.shape, y_train.shape, y_test.shape)
# (16497, 3) (7071, 3) (16497,) (7071,)
from sklearn.naive bayes import GaussianNB
model = GaussianNB()
print(model)
model.fit(x train, y train) # 학습 진행
# 분류 정확도 확인
y pred = model.predict(x test)
print('%.3f'%accuracy_score(y_test, y_pred))
```

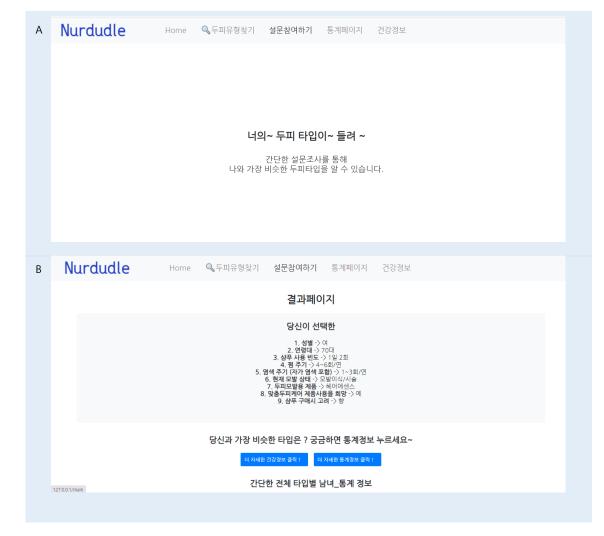


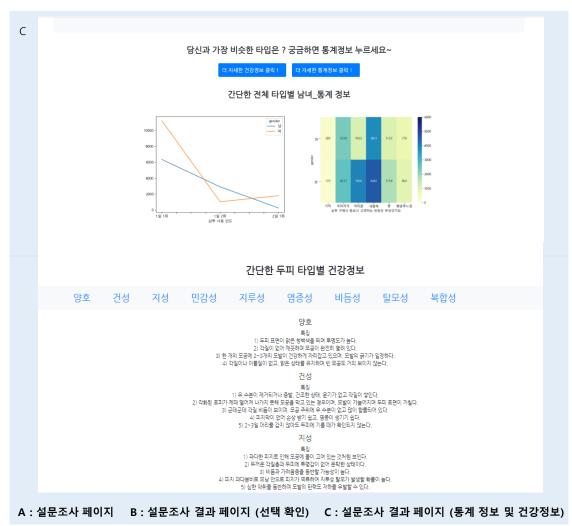
이용 목적 : 분류 예측 모델을 이용해 개인의 설문조사 답변을 바탕으로 두피유형 예측 결과 제공

최종 결정 : 분석 모델 돌린 결과, GridSearchCV를 했음에도 분류 정확도가 낮아 분류예측 서비스 제공 X

### 03 메타데이터 : 4) Nurdudle 웹 페이지 구현







#### 03 메타데이터 : 4) Nurdudle 웹 페이지 구현

#### 통계 페이지와 건강정보 페이지를 통해 다양한 두피 관련 정보 제공





Nurdudle • • •



#### 04 이미지 분류

- 1. 두피 이미지 분류 CNN 모델
- 2. Nurdudle웹 페이지 구현





● ● ● 이미지 결정 초기 단계

- Aihub에서의 원본 데이터 : **11만개** (Training Data, Validation Data로 구분)
- 원본 Training Data의 불완전함 & 제한적 개발환경 고려
- Validation Data(원본 데이터의 20%) 사용 후 추가적인 이미지 보강 통해 데이터 양 보완

당신의 두피유형은 무엇입니까?

이미지의 라벨링 결과 (ex. "탈모성")을 불러와

Tensorflow의 CNN 딥러닝 알고리즘으로 모델링

CNN 이란? Convolutional Neural Network의 약자로 일반 Deep Neural Network에서 이미지나 영상과 같은 데이터를 처리할 때 발생하는 문제점들을 보완한 방법

- ● 이미지 결정 최종 단계
- 현재의 개발환경에서 학습 가능한 이미지 데이터 : 10000장
- CNN 학습 시 사용할 원본 데이터 : 9가지 두피유형 X 1100장 = 9900장
- 1100장 이상의 두피유형의 경우: 샘플링으로 1100장 추출
- 1100장 미만의 두피유형의 경우: 이미지 보강으로 1100장 채움



#### # 두피유형별 개수 파악

#### ├ h\_t= {'양호':0, '건성':1, '지성':2, '민감성':3, '지루성′:4,\ '염증성':5, '비듬성':6, '탈모성':7, '복합성':8}

## 줄여야하는 유형: 8(8453), 4(7483), 6(3462), 2(2344) ## 늘려야하는 유형: 3(922), 1(485), 5(214), 0(152), 7(53)

#### #이미지 처리 코드

# import os from keras.preprocessing import image import numpy as np path ='/content/drive/MyDrive/두피데이터/dataset/features' def preprocess\_img(img\_path, target\_size=250): from keras.preprocessing import i mage img = image.load\_img(img\_path, target\_size=(target\_size, target\_size)) img\_tensor = image.img\_to\_array(img) #scaling into [0, 1] img\_tensor /= 255. return img\_tensor file\_list = 라벨링\_df["image\_file\_name"] # print(file\_list) path='/content/drive/MyDrive/두피데이터/dataset/features' for i in file\_list: img\_path = os.path.join(path,i) x.append(preprocess\_img(img\_path))

#### # 두피유형을 1100장으로 줄이는 코드

```
## 1. 줄이기 타입 변수담고 줄이기 -> 합치고 -> 이미지로드 -> 나머지랑 합치기
### 변수담고 줄이기 라벨링_df[라벨링_df["label"]==4][:1100]
# 줄여야 하는 유형 → 8,4,6,2
# 제한시켜서 넣는다 -> 나중에 한꺼번에 합칠 예정
복합성= 라벨링 df[라벨링 df["label"]==8][:1100]
지루성= 라벨링 df[라벨링 df["label"]==4][:1100]
비듬성= 라벨링 df[라벨링 df["label"]==6][:1100]
지성= 라벨링 df[라벨링 df["label"]==2][:1100]
# 줄인 유형들 합치기
줄이기 df = pd.concat([복합성, 지루성,비듬성,지성])
### 줄이기 이미지 로드 후 array화4400개
file list = 줄이기 df["image file name"]
x 줄이기 = [] #x 줄이기 → x 줄이기 타입이미지가 담긴 변수
path = '/content/drive/MyDrive/validation_image'
for i in file list:
  img path = os.path.join(path, i)
 x 줄이기.append(preprocess img(img path))
#arrav 형태로 바꾸기
y 줄이기 = np.array(줄이기 df["label"])
x 줄이기 = np.array(x 줄이기)
print(len(x 줄이기), x 줄이기[0].shape,x 줄이기.shape,x 줄이기[0])
# 4400 (250, 250, 3) (4400, 250, 250, 3) [[[0.458823530.3725...
```

#### # 두피유형을 1100장으로 늘리는 코드

```
## 2. 늘리기타입 변수에 담기 → 이미지로드 → 증강 → 합치기→ 나머지랑 합치기
### 늘리기 컬럼변수에 담기
# 늘리야 하는 유형들: 7,0,5,1,3
# 건성을 예시로 ----
# 건성: 485 -> 1100로 늘려야 하는 상황
건성= 라벨링 df[라벨링 df["label"]==1]
file list = 건성["image file name"]
x 건성 = [] #x 건성 : 건성이미지가 담긴 변수
path = '/content/drive/MyDrive/validation image'
for i in file list:
  img path = os.path.join(path, i)
  x 건성.append(preprocess img(img path))
#array 형태로 바꾸기
y 건성 = np.array(건성["label"])
x 건성 = np.array(x 건성)
# 이미지 보강
import numpy as np
from tensorflow.keras.preprocessing.image import ImageDataGenerator
img gen = ImageDataGenerator(
 rotation range = 10, # 램덤하게 회전 변형
 zoom range = 0.1, # 확대 축소
 shear range = 0.5, # 축을 기준으로 회전
  width shift range = 0.1,
 horizontal_flip=True, #좌우반전
 vertical flip = True, # 상하반전
```

```
#건성 이미지 보강
augment size = 1100-485
randidx = np.random.randint(x_건성.shape[0], size = augment_size)
print("randidx : ", len(randidx))
print(randidx[1])
print(x 건성.shape[0])
y augment = y 건성[randidx].copy()
x augment = x 건성[randidx].copy() # 인덱스를 램덤하게 뽑아내고 복사해서 변수넣는다
#x 값만 증식
x augment = img gen.flow(
  x augment,
  np.zeros(augment size),
  batch size = augment size,
  shuffle = False).next()[0] # 값만 뽑기 위해
x 건성 = np.concatenate((x_건성, x_augment)) # 기존 485 + 615 = 1100
y 건성 = np.concatenate((y 건성, y augment))
## 이미지 증강 후 합치기
y 늘리기 = np.concatenate((y 탈모성, y 민감성, y 건성, y 양호, y 염증성))
x 늘리기 = np.concatenate((x 탈모성, x 민감성, x 건성, x 양호, x 염증성))
## 3.x 늘리기 &x 줄이기 합치기
x = np.concatenate((x_놀리기,x_줄이기))
y = np.concatenate((y 늘리기,y 줄이기))
```



#### # 전이학습 전 모델

# 분류 정확도 : 0.389

```
from tens or flow.keras.models import Sequential
from tensorflow.keras.layers import Dense, Conv2D, MaxPool2D, Dropout, Flatten
n classes = 9
model = Sequential()
#conv1
model.add(Conv2D(128, kernel size=(3,3), input shape=(250,250,3), padding='same',
  activation='relu'))
model.add(MaxPool2D(pool size=(2,2)))
model.add(Dropout(0.3))
#conv2
model.add(Conv2D(64, kernel_size=(3,3), padding='same', activation='relu'))
model.add(MaxPool2D(pool size=(2,2)))
model.add(Dropout(0.3))
#Flatten
model.add(Flatten())
#Dense
model.add(Dense(128, activation='relu'))
model.add(Dense(64, activation='relu'))
model.add(Dense(32, activation='relu'))
model.add(Dense(n classes, activation='softmax'))
```

#### # 전이학습 후 모델 1 - VGG # 분류 정확도 : 0.542

```
from tensorflow.python.keras.applications.vgg16import VGG16
from tensorflow.keras.models import Sequential
from tensorflow.keras.layers import Dense, Conv2D, MaxPool2D, Dropout, Flatten
n classes = 9 # 복합성포함
transfer model = VGG16(weights='imagenet', include top=False, input shape=(250, 250,
3))
transfer model.trainable=False
model = Sequential([
  transfer_model,
  Conv2D(256, kernel size=(3,3), input shape=(250,250,3), padding='same',
          activation='relu'),
  MaxPool2D(pool size=(2,2)),
  Dropout(0.5),
  Flatten(),
  Dense(512, activation='relu'),
  Dense(256, activation='relu'),
  Dense(128, activation='relu'),
  Dense(64, activation='relu'),
  Dense(32, activation='relu'),
  Dense(n_classes, 's oftmax')
```



#### # 전이학습 후 모델 2 - MobileNet # 분류 정확도 : 0.623

```
from tens or flow.keras.applications import MobileNetV2
from tens or flow. keras. models import Sequential
from tensorflow.keras.layers import Dense, Conv2D, MaxPool2D, Dropout, Flatten
n classes = 9 # 복합성포함
transfer model = MobileNetV2(input shape=(250, 250, 3), include top=False,
weights='imagenet')
transfer model.trainable=False
model = Sequential([
  transfer model,
  Conv2D(256, kernel size=(3,3), input shape=(250,250,3), padding='same',
          activation='relu'),
  MaxPool2D(pool size=(2,2)),
  Dropout(0.5),
  Flatten(),
  Dense(512, activation='relu'),
  Dense(256, activation='relu'),
  Dense(128, activation='relu'),
  Dense(64, activation='relu'),
  Dense(32, activation='relu'),
  Dense(n classes, 'softmax')
```

#### #모델 학습 코드

- from tens or flow.keras.optimizers import Adam

  optimizer = Adam(learning\_rate=0.001)
  model.compile(optimizer=optimizer, loss='sparse\_categorical\_crossentropy', metrics=['acc'])

  #EarlyStopping
  from tens or flow.keras.callbacks import EarlyStopping, Model Checkpoint
  earlystop = EarlyStopping(monitor='val\_loss', mode='auto', patience=3)

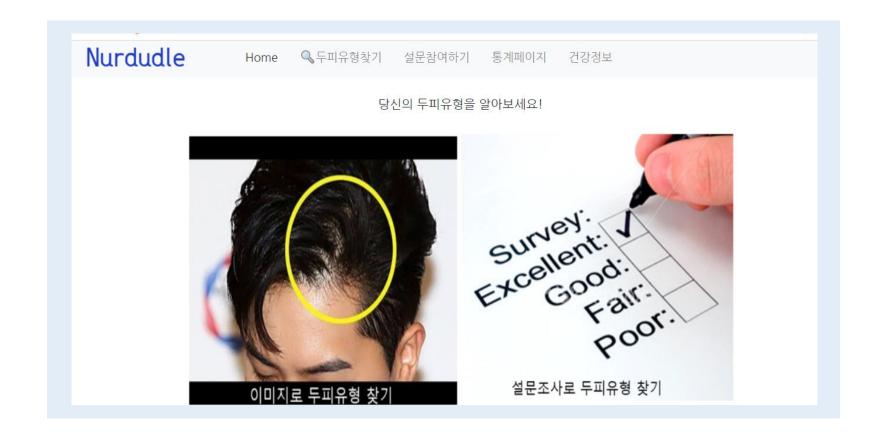
  history = model.fit(x\_train, y\_train, epochs=100, batch\_size=64, verbose=1,\
  callbacks=[earlystop], validation\_split=0.2)

  print(model.evaluate(x\_test,y\_test))
- ● 가장 높은 분류 정확도가 나온 [전이학습 후 모델 2 MobileNet] 최종 이미지 분류 모델로 확정
- ✓ Dense Layer를 쌓을수록 분류 정확도가 올랐으나, 일정 수준을 넘어서면 학습 속도가 느려지며, 정확도에 큰 차이가 발생하지 않았음
- ✓ Adam의 learning\_rate로 0.001일 설정했을 때 결과가 가장 좋았음
- ✓ 학습 시 batch\_size 또한 중요한 영향 요인이었으며, 64, 128일 때 가장 적합했음

三

**04 이미지 분류** : 2) Nurdudle 웹 페이지 구현

● ● Nurdudle 메인 페이지에서 [이미지로 두피유형 찾기], [설문조사로 두피유형 찾기] 선택





04 이미지 분류 : 2) Nurdudle 웹 페이지 구현

● ● ● [두피유형 찾기] 페이지

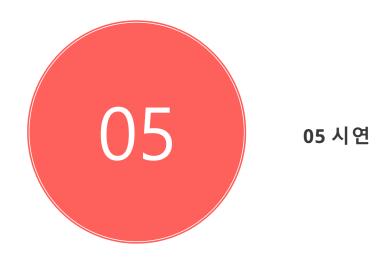


**04 이미지 분류** : 2) Nurdudle 웹 페이지 구현

[두피유형 찾기] 결과 페이지



Nurdudle • • •



● ● 기대효과:

개인 이용자 측면

이미지 업로드라는 간편한 방식으로 본인 두피유형 파악 가능

기업 이용자 측면

협업 기업의 두피모발용 제품에 대해

더욱 상세한 추천 서비스를 제공함으로써 Nurdudle 서비스의 상업성 보장

● ● ● 한계점:

장비 측면

전문 두피 진단기기에 대해 개인의 접근성 낮음

서비스 측면

전문 두피 진단기기로 촬영된 두피 이미지로 이미지 분류가 이뤄지고 있어, 개개인의 현 두피 상태에 대한 진단 X

개발환경 측면

개발환경으로 인해 모델 학습 시 들어가는 이미지 데이터 양이 제한적

# Nurdudle • • •



100 일 800 시간 동안 다들 고생 많으셨습니다.