机器学习讲义(L17-B): 生成式贝叶斯分类器与线性 判别分析

授课教师: 王贝伦/助教: 张嘉琦, 黄旭, 谈笑, 徐 浩卿

1 高斯朴素贝叶斯分类器

注意到我们在上一节所讲的朴素贝叶斯分类器是针对离散型数据的,我们在这一节介绍一种针对连续型数据的生成式分类器。在朴素贝叶斯的假设下,我们进一步假设在同一类中,各特征服从某些均值、方差未知的高斯分布。既然各特征相互独立,那么同一分类的样本向量就服从一个均值未知,协方差矩阵为对角阵的多维正态分布。即,对标签为 C_i 的样本 $(x_1, x_2, \cdots, x_p)|C_i$

$$x_j|C_i \sim \mathcal{N}(\mu_{ij}, \sigma_{ij}^2) \Rightarrow (x_1, x_2, \cdots, x_p)|C_i \sim \mathcal{N}(\mu_i, \Sigma_i)$$
 (1)

在这种假设下,训练分类器也十分简单,只需要按照最大似然函数的结论,在同一个类的样本点中,对每个特征分量分别计算样本均值 $\hat{\mu}_{ij}$ 、样本方差 $\hat{\sigma}$ 2_{ij} ,即得到高斯朴素贝叶斯分类器对该类的估计:

$$\hat{x}_j | C_i \sim \mathcal{N}(\hat{\mu}_{ij}, \hat{\sigma}_{ij}^2) \tag{2}$$

其中 $\hat{\mu}_{ij} = \frac{1}{n_i} \sum_{k=1}^{n_i} x_{kj}$, $\hat{\sigma}_{ij}^2 = \frac{1}{\frac{n_i}{n_i} - 1} \sum_{k=1}^{n_i} (x_{kj} - \hat{\mu}_{ij})^2$, x_{kj} 是训练集中标签为 C_i 的样本点第 j 个特征值, n_i 为训练集中标签为 C_i 的样本数量。或者写成

$$(\hat{x}_1, \hat{x}_2, \cdots, \hat{x}_p)|C_i \sim \mathcal{N}(\hat{\mu}_i, \hat{\Sigma}_i)$$
(3)

其中 $\hat{\mu}_i = (\hat{\mu}_{i,1}, \hat{\mu}_{i,2}, \cdots, \hat{\mu}_{i,p}), \ \hat{\Sigma}_i = \mathrm{diag}(\hat{\sigma}_{i,1}^2, \hat{\sigma}_{i,2}^2, \cdots, \hat{\sigma}_{i,p}^2)$ 。这里 $\mathrm{diag}(\hat{\sigma}_{i,1}^2, \hat{\sigma}_{i,2}^2, \cdots, \hat{\sigma}_{i,p}^2)$ 表示构建一个对角矩阵且对角线上的元素依次为 $\hat{\sigma}_{i,1}^2, \hat{\sigma}_{i,2}^2, \cdots, \hat{\sigma}_{i,p}^2$ 。与朴素贝叶斯分类器类似,对于先验概率 $P(C=C_i)$,<mark>我们直接将类别频率作为估计值</mark>

$$P(C = C_i) = \frac{n_i}{n} \tag{4}$$

其中 n 为训练集总样本数。

在计算出 μ_{ij} , σ_{ij}^2 后,<mark>对于测试集中的新样本点 x_m ,我们对每个类别 C_i 分别计算</mark>

$$P(C_i|x_m) = P(C = C_i)\hat{f}(x_m|C_i)$$

$$= \frac{n_i}{n} \frac{1}{(2\pi)^{p/2} |\hat{\Sigma}_i|^{1/2}} \exp\left(-\frac{1}{2} (x_m - \hat{\mu}_i)^\top \hat{\Sigma}_i^{-1} (x_m - \hat{\mu}_i)\right)$$
(5)

然后选择一个使得 $P(C_i|x_m)$ 最大的 C_i ,表示高斯朴素贝叶斯分类器对该测试样本点的标签预测结果。

1.1 编程实现

我们这里用 Python 实现一个简单的高斯贝叶斯分类器。

```
    import numpy as np
    data = load_data() # 另外实现的读取数据的函数, 读入的数据 data应该是一个 n x p + 1 的矩阵, 其中最后一列表示样本的标签
```

```
x_train, label_train, x_test, label_test = prepare_dataset(
          data) # 需要另外实现的将数据集划分为训练和测试数据集的函
          数。其中x的每行是一个样本有p个特征; label表示每个对应样本
          的类别
        c = len(set(label_train)) # 类别数
        n, p = x_train.shape # 样本数和特征维数
        # Training, 训练过程
        mu = np.zeros([c,p]) # 样本均值
        sigma = np.zeros([c,p]) # 样本方差
        count = np.zeros([c,1]) # 每个类的样本数
        for i in range(c): # 对每个类
         x_i = x_train[label_train==i] # 选取该类的所有样本
         mu[i] = np.mean(x_i, 0)
         sigma[i] = np.var(x_i, 0, ddof=1)
         count[i] = len(x_i)
        pc = count/len(x_train) # 各类的先验概率
        # Testing, 测试过程
        # 测试过程以一个样本x_test[0]为例
        p_max = 0.0 # 最大的后验概率
        label_predict = -1 # 标签预测值
        for i in range(c): # 计算样本对于每一个类的后验概率
         p_i = pc[i] * np.product(sigma[i])**-0.5
           * np.exp(-0.5*(x_test[0]-mu[i]).dot(
           (x_test[0]-mu[i])/sigma[i]))
          if p_i > p_max:
           p_max = p_i
           label_predict = i
(3) 31
        print('The label prediction is', label_predict) # 预测结果
```

2 非朴素高斯贝叶斯分类器

我们之前介绍的都是基于朴素贝叶斯假设的分类器。这些分类器存在的问题是特征的条件独立性在实际应用中很难满足。虽然这些朴素贝叶斯模型在一些应用上的表现并不差,但是对于数据比较复杂的应用,我们希望能提高生成型贝叶斯分类器的准确率,因此提出了非朴素贝叶斯模型。非朴素贝叶斯模型并不假设特征X1,...,Xp2之间两两相互条件独立,而是假设同一类的样本服从多元高斯分布,不同类别的样本服从不同的高斯分布,那么有

$$P(X_1, X_2, ..., X_p | C) = \mathcal{N}(x | \mu, \Sigma)$$

$$= \frac{1}{(2\pi)^{p/2}} \frac{1}{|\Sigma|^{1/2}} \exp\left(-\frac{1}{2} (x - \mu)^T \Sigma^{-1} (x - \mu)\right)$$
(6)

其中 $\frac{p}{p}$ 为特征的个数, μ 为该类别样本的均值, Σ 为该类别样本的协方差矩阵。 μ 和 Σ 可以通过最大似然估计来计算。

2.1 线性判别分析

线性判别分析假设每个类的样本的协方差矩阵相等,即

$$\forall k, \ \Sigma_k = \Sigma \tag{7}$$

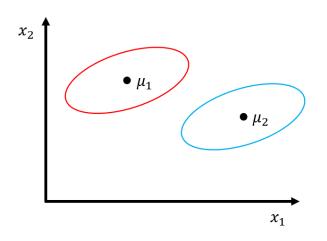


Figure 1: 线性判别分析示意图

图1所示的两个类别分别服从不同的二元高斯分布,两个类别的协方差矩阵相同,均值不同。图2所示的是两个类别的概率密度函数,这两个高斯分布也满足同样的条件。

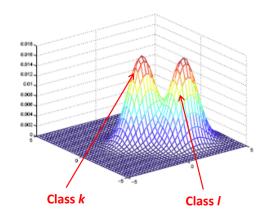


Figure 2: 二元高斯分布的概率密度函数曲面图

与之前的朴素贝叶斯分类器一样,想要预测样本 X 的类别,需要求 $rg \max_k P(C_k|X)$,也就是目标函数。将式子转化可以得到

$$\arg \max_{k} P(C_k|X) = \arg \max_{k} P(X, C_k)$$

$$= \arg \max_{k} P(X|C_k)P(C_k)$$

$$= \arg \max_{k} \log(P(X|C_k)P(C_k))$$

$$= \arg \max_{k} \log P(X|C_k) + \log P(C_k)$$
(8)

接下来我们先分析一下两个类别 k 和 l 的决策边界上的点,决策边界即两个类别的临界面,这样的点满足

$$P(C_k|X) = P(C_l|X) \tag{9}$$

可以得到

$$\log \frac{P(C_k|X)}{P(C_l|X)} = 0 \tag{10}$$

$$\log \frac{P(C_k|X)}{P(C_l|X)} = \log \frac{P(X|C_k)}{P(X|C_l)} + \log \frac{\pi_k}{\pi_l}$$

$$= \log P(X|C_k) - \log P(X|C_l) + \log \frac{\pi_k}{\pi_l}$$
(11)

已知 $P(X|C_k)$ 和 $P(X|C_l)$ 服从多元高斯分布,将其概率密度函

数代入上式,化简可以得到

$$\log \frac{P(C_k|X)}{P(C_l|X)} = \log P(X|C_k) - \log P(X|C_l) + \log \frac{\pi_k}{\pi_l}$$

$$= \log \frac{\pi_k}{\pi_l} - \frac{1}{2} (\mu_k + \mu_l)^T \Sigma^{-1} (\mu_k - \mu_l)$$

$$+ x^T \Sigma^{-1} (\mu_k - \mu_l)$$

$$= 0$$
(12)

令 $\log \frac{\pi_k}{\pi_l} - \frac{1}{2} (\mu_k + \mu_l)^T \Sigma^{-1} (\mu_k - \mu_l) = b$, $\Sigma^{-1} (\mu_k - \mu_l) = a$,那么决策边界的曲线方程的最终形式变为

$$x^T a + b = 0 \tag{13}$$

不难看出,两个类别的决策边界是一个线性方程。最后回到我们的目标函数,将 $P(X|C_k)$ 代入式8,可以得到

$$\arg \max_{k} P(C_{k}|X) = \arg \max_{k} P(X|C_{k})P(C_{k})$$

$$= \arg \max_{k} [-\log((2\pi)^{p/2}|\Sigma|^{1/2})$$

$$-\frac{1}{2}(x - \mu_{k})^{T}\Sigma^{-1}(x - \mu) + \log(\pi_{k})]$$

$$= \arg \max_{k} [-\frac{1}{2}(x - \mu_{k})^{T}\Sigma^{-1}(x - \mu) + \log(\pi_{k})]$$
(14)

也被称为线性判别函数。

2.2 二次判别分析

二次判别分析不需要线性判别分析的假设成立,即每个类别样本的协方差矩阵并不相同,设类别 k 的协方差矩阵为 Σ_k 。类似的,<mark>二次判别函数为</mark>

$$\delta_k(x) = -\frac{1}{2} \log|\Sigma_k| - \frac{1}{2} (x - \mu_k)^T \Sigma_k^{-1} (x - \mu_k) + \log \pi_k$$
 (15)

那么分类规则为

$$\hat{G}(x) = \arg\max_{k} \delta_k(x) \tag{16}$$

与线性判别分析类似地分析边界方程,可以得到它的边界为 x 的 二次函数。二次判别分析可以更好的拟合数据,但是它需要预估的 参数比线性判别分析的更多。

正则判别分析是介于线性判别分析和二次判别分析之间的模型。 它定义了正则协方差矩阵

$$\Sigma_k(\alpha) = \alpha \Sigma_k + (1 - \alpha) \Sigma \tag{17}$$

那么参数 α 决定了每个类别协方差矩阵的收缩程度。二次判别函数 $\delta_k(x)$ 中的协方差矩阵就用正则协方差矩阵 $\Sigma_k(\alpha)$ 代替。参数 α 同时也控制着模型的复杂度。

透过两种判别分析,我们再回过来看一下朴素贝叶斯分类器的 边界。因为朴素贝叶斯方法并没有假设每个类的协方差矩阵相同, 所以一般朴素贝叶斯的边界也是二次的。

3 判别模型 vs 生成模型

对比生成模型与判别模型,生成模型是通过 $P(X|C=c_k)$ 和 $P(C=c_k)$ 计算出联合概率分布 P(X,C),然后根据样本和哪个类别的联合概率最高即分为哪类,比如线性判别分析。而判别模型直接计算条件概率 $P(C=c_k|X)$,可以直接通过 X 来得到所属的类别,比如逻辑回归。对比线性判别分析和逻辑回归:线性判别分析的特点

■ 假设同一类的样本服从高斯分布,且每个类的协方差矩阵相 □

- 模型参数通过最大化全对数似然函数估计,每个类的参数独立估计,共有 $Kp + \frac{p(p+1)}{2} + (K-1)$ 个参数
- 使用了边缘概率 P(x)
- 易于训练,方差较小,如果模型正确的话更高效
- 渐进误差更大,但是收敛的更快

逻辑回归的特点

- 假设同一类的样本服从同一个指数分布
- 模型参数通过最大化条件对数似然函数估计,同时考虑所有 其他类,共有(K-1)(p+1) 个参数
- 没有使用边缘概率 P(x)
- 更难训练,但是对数据生成的过程更具鲁棒性
- 渐进误差较小,但是收敛的更慢

总的来说,从实验中来看,生成模型收敛更快,比较适用于小训练 集,可以很好的处理丢失的数据,而判别模型有更小的渐进误差, 比较适用于大训练集。

引用

- [1] Naïve Bayes and Gaussian Bayes Classifier: https://www.cs.toronto.edu/~urtasun/courses/CSC411/tutorial4. pdf
- [2] Gaussian Bayes Classifier https://www.cs.cmu.edu/~.
 /awm/tutorials/gaussbc.html
- [3] https://www.zhihu.com/question/20446337