PROJEKT K-means Clustering z wykorzystaniem CUDA

K-means Clustering służy do grupowania podobnych do siebie punktów w zbiorze danych. Wykorzystuje w tym celu prosty algorytm:

- 1. Losowo wybieramy k punktów "znaczniki". Następnie przypisujemy każdemu punktowi jego grupę (1,2...,k). Punkt należy do grupy I, jeśli jego odległość do znacznika I jest najmniejsza spośród k znaczników.
- 2. Obliczamy centroid każdej grupy (środek masy punktów)
- 3. Ponownie przypisujemy każdemu punktowi ze zbioru jego grupę, wg. zasady w punkcie 1.
- 4. Powtarzamy krok 2,3 aż obliczone centroidy w punkcie 2. nie będą się zmieniać.
- 1. Wizualizację i generację punktów zrobiłem przy użyciu skryptu Python.
- 2. Na początku napisałem K-means w cpp. Zaimplementowałem powyżej opisany algorytm. Być może małym usprawnieniem, jest liczenie średniej podczas przypisywania punktowi grupy. Tzn. trzymamy specjalną tablicę w której sumujemy wartości poszczególnych współrzędnych i utrzymujemy liczbę punktów w danej grupie. Następnie w prosty sposób obliczamy średnią arytmetyczną.
- 3. Kolejnym etapem było zaimplementowanie K-means z wykorzystanie CUDA. Na GPU przeniosłem klasyfikowanie punktów, oraz uaktualnianie nowych centroidów.
 - a. Klasyfikowanie punktów był to najprostszy i najbardziej naturalny element to zrównoleglenia. Każdy thread obsługuje jeden punkt i uaktualnia jego grupę poprzez porównanie odległości do innych centroidów. Musiałem stworzyć tyle bloków, aby mieć pewność, że każdy punkt otrzyma swój thread (num_of_blocks = (points_num + num_of_threads - 1) / num_of_threads - jest to po prostu sufit ([points_num / num_of_threads]) ((n-1)/m + 1) = sufit(n/m)
 - b. aby nie czytać z pamięci globalnej współrzędnych centroidów, utrzymuję w lokalnej pamięci bloku współrzędne K centroidów
 - c. Następnie uaktualnia globalne przypisanie grupy dla danego punktu
 - d. Kolejnym etapem jest obliczenie centroidów. W tym celu użyłem redukcji. Jednak nie jest to klasyczny problem sumowania tablicy na GPU, ponieważ chcemy zsumować tylko współrzędne w obrębie danego klastra.
 - e. Moje podejście polegało na tym, aby w każdym bloku zsumować współrzędne wszystkich punktów w obrębie tego bloku, z zachowaniem podziału na klastry. Pod koniec otrzymamy tablicę o rozmiarze CLUSTERS_NUM * BLOCKS_NUM, gdzie każdym elementem jest krotka (x,y,count). W ten sposób każdy blok zapisze swoją sumę współrzędnych dla danej grupy, oraz liczbę punktów w tej grupie. Na koniec wystarczy dodać odpowiadające wartości z różnch bloków i otrzymamy środek masy dla klastra. Na obrazku poniżej widać efekt końcowy każdy blok (jest ich 4) ma zapisaną krotkę (x,y,count) dla każdej grupy.

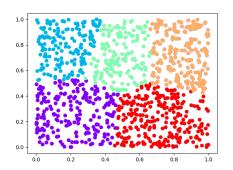


f. Aby uzyskać taki efekt, każdy blok sumuje wartości punktów poprzez redukcje. Ponieważ chcemy sumować wartości w obrębie klastru,

przeprowadzamy redukcję K razy (gdzie K to liczba klastrów). Wystarczy jedynie uaktualnić lokalną pamięć bloku dla każdej grupy:

```
temp[3 * local_tid] = (assigned_cluster == c) ? x : 0;
temp[3 * local_tid + 1] = (assigned_cluster == c) ? y : 0;
temp[3 * local_tid + 2] = (assigned_cluster == c) ? 1 : 0;
__syncthreads();
```

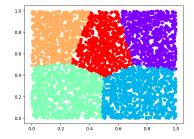
- g. (Używam spłaszczonej tablicy, x,y to współrzędne, a 3 wartość to 1,0 czyli count). Na koniec thread o lokalnym id 0 zapisuje sumy z każdego klastra w odpowiedniej globalnej tablicy (new_markers o wielkości NUM CLASTERS*NUM BLOCKS)
- Kolejnym elementem jest zsumowanie wartości z każdego bloku.
 Wykorzystuję w tym celu osobny kernel, który ma 1 blok i wątków tyle ile grup (K). Każdy wątek sumuje wartości grupy odpowiadającej jego indeksowi.
 Następnie uaktualnia globalne centroidy (markers).
- 4. Wszystkie te kroki wykonujemy max-iter liczbę razy.
- 5. Stworzyłem również makefile poleceniem make wykonujemy cały eksperyment, wg wartości parametrów zdefiniowanych w Makefile. Aby zwizualizować punkty, należy wykonać polecenie make plot data
- 6. Poniżej zamieszczam przykładowe wyniki (z wizualizacją dla małej ilości punktów żeby miało to sens)

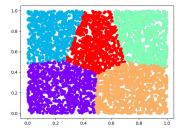


0.8 - 0.4 - 0.2 - 0.4 - 0.6 - 0.8 1.0

Pogrupowanie 1k punktów z CPU

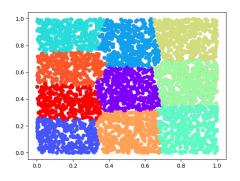
Pogrupowanie 1k punktów z GPU

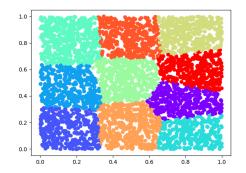




Pogrupowanie 4k punktów z CPU

Pogrupowanie 4k punktów z GPU

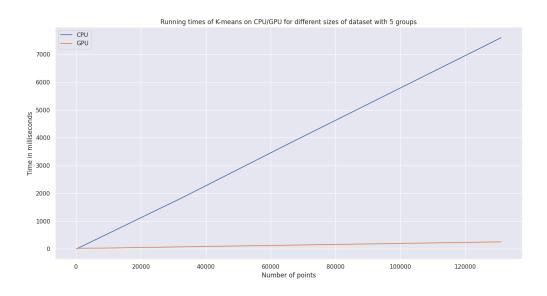




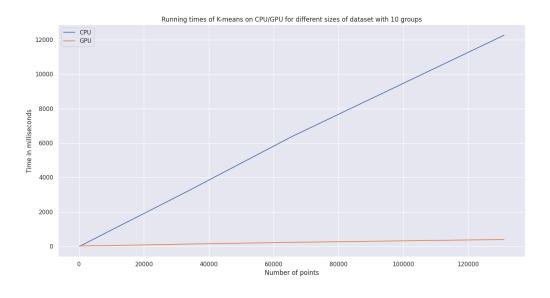
CPU z 10 grupami i z 4k punktów

GPU z 10 grupami i z 4k punktów

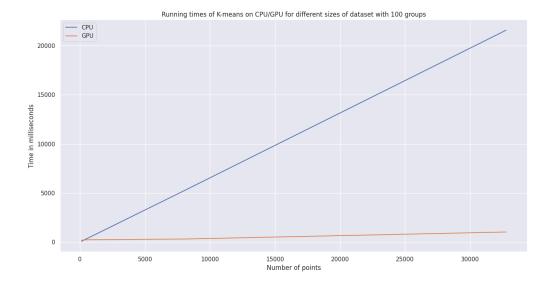
Wyniki eksperymentów: Liczba grup: 5



Liczba grup: 10



Liczba grup: 100



Wnioski:

Dla niewielkiej liczby punktów (~100) różnice w czasie są niezauważalne, a nawet przemawiają na korzyść k-means na CPU. Spowodowane jest prawdopodobnie uruchamianiem kerneli i transferem pamięci. Jednak przy większej ilości punktów i grup, GPU zdecydowanie dominuje.

Przy dużej liczbie punktów (~100 000) punktów działa 30 krotnie szybciej. Przy trudnym problemie (100 grup - bardzo duża złożoność 100^liczbapunktów) program na CPU działał ponad 20 sekund, podczas gdy GPU poniżej sekundy. Warto zauważyć, że czas działania na GPU rośnie zdecydowanie wolniej, niż czas działania na CPU.