1. Introducción

En esta práctica he utilizado los algoritmos de clasificación KMeans y DBSCAN sobre un sistema X de 1000 elementos con dos estados cada uno. Para ello he utilizado las implementaciones de estos algoritmos de la librería scikit-learn.

2. Método

El programa está dividido en funciones que aislan las distintas funcionalidades del mismo y permiten la reutilización y variación de parámetros del código:

- kmeans_silhouettes y dbscan_silhouettes: Dado un sistema y un conjunto de parámetros (n para KMeans y ϵ para DBSCAN) calcula las vecindades correspondientes, con sus valores medios de los coeficientes de Silhouette.
- kmeans_elegir_n_clusters y dbscan_elegir_ε: Devuelve el índice del valor máximo de los coeficientes de Silhouette calculados anteriormente. Además también dibuja la gráfica de los distintos valores de los coeficientes de Silhouette al variar el parámetro del algoritmo, destacando el rojo el valor máximo.
- dbscan_cluster_centroids: Calcula los centroides de las vecindades calculadas con *DBSCAN*, útiles para pintar las etiquetas en las gráficas.
- plot_clusters y plot_voronoi: Gráfica de las vecindades y diagrama de Voronoi.
- apartado1 y apartado2: Gestión de los plots y llamadas a las funciones anteriores.

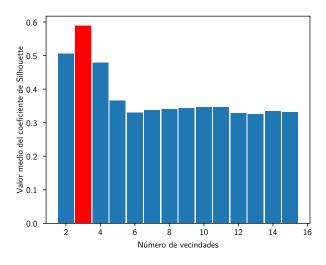
3. Resultados

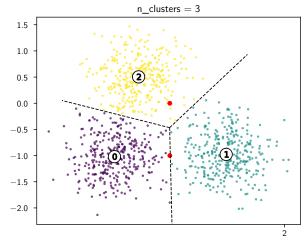
3.1. Clasificación con algoritmo KMeans y predicción de nuevos estados

El número de vecindades con mayor coeficiente de Silhouette para el algoritmo *KMeans* de entre los valores [2,15] es el 3, como se puede ver en la figura de la izquierda. Además es interesante observar que no hay ningún otro valor que proporcione un coeficiente de Silhouette cercano al correspondiente a 3 vecindades. Por otro lado este es precisamente el valor esperado, ya que los estados del sistema han sido generados entorno a tres centros.

En la gráfica de la derecha se pueden observar las vecindades y diagrama correspondientes a este número óptimo de vecindades. Aquí también he dibujado en rojo los elementos a = (0,0) y b = (0,-1) que queremos clasificar. Con esto he podido comparar el resultado esperado visualmente con el obtenido con el método kmeans.predict.

- ullet El punto a está visiblemente en la vecindad 2, lo que coincide con el resultado de kmeans.predict
- El punto b está visiblemente en la frontera entre las regiones de voronoi correspondientes a las vecindades 0 y 1. En este caso el método kmeans.predict nos dice que el elemento pertenece a la vecindad 0, lo que se corresponde con lo esperado, pero quizás es una información un tanto imprecisa, ya que solo con este dato no sabemos que el punto está muy cerca de la vecindad 1.





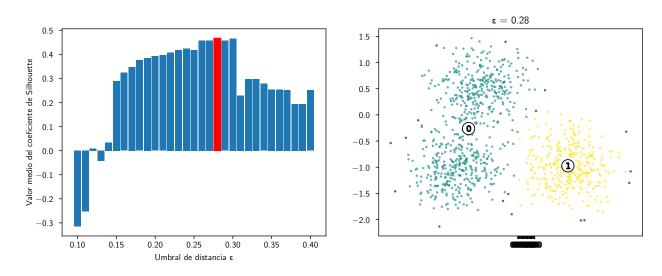
3.2. Clasificación con algoritmo DBSCAN

Al aplicar el algoritmo DBSCAN he fijado el número mínimo de elementos en $n_0 = 10$ y he considerado los coeficientes de Silhouette correspondientes a los valores del umbral de distancia $\varepsilon \in (0.1, 0.4)$, tanto para la métrica euclideana como para la de Manhattan.

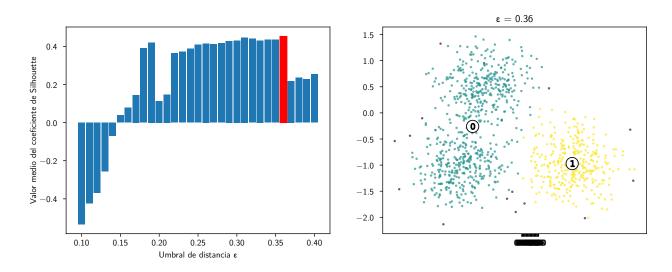
En las gráficas de la izquierda se puede observar que ahora los valores del umbral de distancia con coeficiente de Silhouette máximo no están tan diferenciados como en el caso del algoritmo KMeans. Es decir, se intuye que existe un entorno del valor óptimo ε en el que el coeficiente de Silhouette tiene una variación acotada.

Además, para ambas métricas, los coeficientes de Silhouette máximos son considerablemente menores que en el caso anterior. Esto se refleja también en las gráficas de la derecha, en las que están dibujadas las vecindades. En este caso se han distinguido solo dos vecindades, estando agrupadas las vecindades 0 y 2 del apartado anterior en una sola. Con esto se entiende que el coeficiente medio de Silhouette sea menor, ya que la vecindad 0 ahora es más grande y sus puntos están "más separados entre sí".

3.2.1. DBSCAN con métrica euclideana



3.2.2. DBSCAN con métrica de Manhattan



4. Conclusión

Mi conclusión es que el algoritmo *KMeans* tiene una mayor capacidad para distinguir vecindades de estados que están muy cercanas, pero que se acumulan entorno a puntos concretos, mientras que *DBSCAN* no consigue hacer estas distinciones debido a que está considerando los valores de la bola de radio igual al umbral de distancia.

Además no he notado grandes diferencias entre usar una métrica u otra en el algoritmo DBSCAN.

5. Código

El siguiente código con la implementación también está adjunto en la entrega y disponible, junto con esta memoria, en un repositorio git en el siguiente enlace: github.com/haztecaso/gcomp22.

```
import matplotlib.pyplot as plt
     import numpy as np
     from scipy.spatial import Voronoi, voronoi_plot_2d, qhull
from sklearn.cluster import KMeans, DBSCAN
     from sklearn.datasets import make_blobs
from sklearn.metrics import silhouette_score
13
     from timeit import default_timer as timer
14
15
     def kmeans_silhouettes(X, ns):
17
          silhouettes = []
          clusters = []
for n_clusters in ns:
19
20
                kmeans = KMeans(n_clusters=n_clusters, random_state=0).fit(X)
21
                labels = kmeans.labels
22
                silhouettes.append(silhouette_score(X, labels))
23
24
                clusters.append(kmeans)
25
          return silhouettes, clusters
26
27
     def dbscan silhouettes(X, &s, metric):
28
          silhouettes = []
29
          clusters = []
          for ε in εs:

db = DBSCAN(eps=ε, min_samples=10, metric=metric).fit(X)
31
32
                labels = db.labels
33
                if len(set(labels)) > 1:
34
35
                     silhouettes.append(silhouette_score(X, labels))
                     clusters.append(db)
37
          return silhouettes, clusters
38
39
     def kmeans_elegir_n_clusters(ns, silhouettes, ax = None):
40
          silhouettes_max_index = silhouettes.index(max(silhouettes))
41
               ax.set_xlabel("Número de vecindades")
ax.set_ylabel("Valor medio del coeficiente de Silhouette")
bars = ax.bar(ns, silhouettes, width=(ns[1]-ns[0])*.9)
bars[silhouettes_max_index].set_color('r')
43
44
45
46
47
                plt.xticks(ns)
          return silhouettes_max_index
48
49
50
     def dbscan_elegir_\epsilon(\epsilon s, silhouettes, metric, ax = None):
51
          silhouettes_max_index = silhouettes.index(max(silhouettes))
52
          if ax:
53
                ax.set_xlabel("Umbral de distancia ε")
ax.set_ylabel("Valor medio del coeficiente de Silhouette")
55
               bars = ax.bar(\epsilon s, silhouettes, width=(\epsilon s[1]-\epsilon s[0])*.9)
bars[silhouettes_max_index].set_color('r')
56
57
                plt.xticks(es)
58
          return silhouettes max index
59
60
62
     def dbscan_cluster_centroids(X, clusters):
          labels = set(clusters.labels_)
core_samples_mask = np.zeros_like(clusters.labels_, dtype=bool)
core_samples_mask[clusters.core_sample_indices_] = True
63
64
65
          return np.asarray([np.mean(X[(clusters.labels\_==l)], axis=0) for l in labels if not l == -1])
66
67
     def plot_clusters(X, clusters, centers, ax = None):
69
          if ax is None:
70
                   ax = plt.subplots()
71
          labels = clusters.labels_
72
          ax.scatter(
73
                     X[:, 0],
X[:, 1],
marker=".",
74
75
76
                     s=30,
77
                     lw=0,
78
                     alpha=0.7,
79
                     c=labels.astype(float),
81
                     edgecolor="k
82
83
          # Etiquetas de los clusters
84
          ax.scatter(
85
               centers[:, 0],
centers[:, 1],
marker="o",
c="white",
87
88
89
                s=200,
90
                edgecolor="k",
91
```

```
for i, c in enumerate(centers):
 93
                 ax.scatter(c[0],\ c[1],\ marker=f"\$\{i\}\$",\ alpha=1,\ s=50,\ edgecolor="k")
 94
 95
      def plot_voronoi(clusters, centers, ax = None):
 96
            if ax is None:
 97
                  _, ax = plt.subplots()
            lims = (ax.get_xlim(), ax.get_ylim()) # Hack para que voronoi_plot_2d no cambie la escala de la gráfica.
100
101
                 # Diagrama de voronoi construido a partir de los centros de las vecindades
102
                  vor = Voronoi(centers)
103
                  voronoi_plot_2d(vor, show_vertices = False, point_size=0, ax=ax)
104
105
                 ax.set_xlim(*lims[0]); ax.set_ylim(*lims[1]) # Hack para que voronoi_plot_2d no cambie la escala de la gráfica.
106
107
            except qhull.QhullError:
                 print("ERROR: No se ha podido crear el diagrama de Voronoi, quizás debido a se hayan proporcionado menos de 3 vecindades."
108
109
110
      def apartado1(X):
111
            fig, (ax1, ax2) = plt.subplots(1,2)
fig.suptitle(f"KMeans", fontweight="bold")
# Posibles valores de vecindades
113
114
            ns = range(2.16)
115
116
            t1 = timer()
117
            # Cálculo del coeficiente de silhouette de cada n
silhouettes, kmeans_clusters_list = kmeans_silhouettes(X, ns)
118
119
120
            t2 = timer()
121
            # Selecciono el valor de n con mayor coeficiente de silhouette
n_clusters_index = kmeans_elegir_n_clusters(ns, silhouettes, ax1)
kmeans_clusters = kmeans_clusters_list[n_clusters_index]
122
123
125
            t3 = t\overline{i}mer()
126
            # Gráfica de la clasificación, con colores y líneas de separación del diagrama de Voronoi
127
            centers = kmeans_clusters.cluster_centers_
128
            ax2.set_title(f"n_clusters = {ns[n_clusters_index]}")
129
            plot_clusters(X, kmeans_clusters, centers, ax2) # Vecindades
t4 = timer()
130
            plot_voronoi(kmeans_clusters, centers, ax2)
132
                                                                                  # Diagrama de Voronoi
133
            t5 = timer()
134
            # Apartado 3
135
            test_{data} = [[0,0], [0, -1]]
            fest_data = [[0,0], [0, -1]]
print("Apartado 3:")
for x, label in zip(test_data, kmeans_clusters.predict(test_data)):
    ax2.scatter(x[0], x[1], alpha=1, s=20, color="r")
    print(f"- El punto {x} pertenece a la vecindad {label}")
137
138
139
140
            print()
141
            t6 = timer()
142
            # Tiempos de ejecución
print(f"""Tiempos KMeans
144
145
146
      Cálculo de los coeficientes de silhouette:
                                                                                  {t2-t1}
147
      Seleccionando el valor de n:
                                                                                   {t3-t2}
148
      Gráfica de la clasificación y diagrama de Voronoi:
                                                                                  {t4-t3}
      Gráfica del diagrama de Voronoi:
                                                                                   \{t5-t4\}
150
      Predicción de 3 estados nuevos:
151
                                                                                  {t6-t5}
      TOTAL:
                                                                                  {t6-t1}
152
153
154
      def apartado2(X, metric):
156
            fig, (ax1, ax2) = plt.subplots(1,2) fig.suptitle(f"DBSCAN (métrica {metric})", fontweight="bold") # Posibles umbrales de distancia \varepsilon
157
158
159
            \epsilon s = np.linspace(0.1, 0.4, 31)
160
161
            t1 = timer()
            # Cálculo del coeficiente de silhouette de cada \varepsilon silhouettes, dbscan_clusters_list = dbscan_silhouettes(X, \varepsilons, metric)
163
164
            t2 = timer()
165
166
167
            # Selecciono el valor de arepsilon con mayor coeficiente de silhouette
168
            \epsilon_{\rm index} = {\rm dbscan\_elegir\_\epsilon}(\epsilon s, {\rm silhouettes}, {\rm metric}, {\rm ax1}) dbscan_clusters = dbscan_clusters_list[\epsilon_{\rm index}]
169
170
            t3 = timer()
171
172
            centers = dbscan_cluster_centroids(X, dbscan_clusters)
173
            # Gráfica de la clasificación, con colores y líneas de separación del diagrama de Voronoi ax2.set_title(f"\epsilon = {\epsilons[\epsilon_index]:.2f}") centers = dbscan_cluster_centroids(X, dbscan_clusters) plot_clusters(X, dbscan_clusters, centers, ax2)
175
176
177
178
            t4 = timer()
179
180
            # Tiempos de ejecución
print(f""Tiempos DBSCAN (métrica {metric})
182
183
```

```
185
186
187
188
189
190
191
     def main():
    # Datos
192
193
          centers = [[-0.5, 0.5], [-1, -1], [1, -1]]

X, _ = make_blobs(n_samples=1000, centers=centers, cluster_std=0.4, random_state=0)
194
195
196
          apartado1(X)
apartado2(X, 'euclidean')
apartado2(X, 'manhattan')
197
198
199
200
          plt.show()
201
202
203
     if __name__ == "__main__":
204
205
```