TDU.

Introduction à R pour les enquêtes de santé publique

Cahier d'exercices pour le Jour 3



Contenu

Exercice de mise en pratique	2
Consignes	2
Introduction	3
Tâches initiales	Error! Bookmark not defined.
Dans R Studio	Error! Bookmark not defined.
Fonctions vedettes	39

EXERCICE DE MISE EN PRATIQUE

Consignes

Durée : 4 heures et 10 minutes

Les apprenants et apprenantes ont un scénario, des questions et des tâches avec le code associé pour effectuer chaque tâche. Nous recommandons aux :

<u>Utilisateurs et utilisatrices novices (maîtres d'équipage)</u>: Utilisez ce cahier d'exercices ainsi que le ou les scripts R fournis par le biais de GitHub. En vous servant de ce cahier d'exercices comme guide, exécutez le code que nous vous avons fourni étape par étape pour comprendre ce à quoi chaque partie du code sert et ce que font les différentes fonctions. À ce stade-ci, ne vous préoccupez pas de rédiger ou de corriger le code.

<u>Utilisateurs et utilisatrices de niveau débutant/intermédiaire (seconds capitaines et secondes capitaines)</u>: Le code R est fourni sous forme de capture d'écran dans ce cahier d'exercices. Vous devriez avoir une assez bonne compréhension du codage pour avoir une idée générale du code en le lisant (avec la documentation d'aide, quelques recherches Google au besoin et les commentaires se trouvant dans les scripts fournis par l'entremise de GitHub). Notre but est de vous faire écrire le code à partir du guide à mesure que vous avancez dans le scénario. Consultez les scripts fournis dans GitHub si vous rencontrez des problèmes.

<u>Utilisateurs et utilisatrices avancés (capitaines au long cours)</u>: Nous vous encourageons à essayer d'écrire votre propre code où vous voulez ainsi qu'à le contraster avec le code utilisé pour l'exercice et à aider vos pairs si des questions surviennent. Consultez les scripts fournis dans GitHub si vous rencontrez des problèmes.

Avancez autant que vous le pouvez dans cet exercice en quatre heures et dix minutes (maximum). Ne vous en faites pas si vous avez besoin de plus de temps. La courbe d'apprentissage pour R est abrupte et les apprenants ainsi que les apprenantes bénéficieront encore plus du temps consacré à la mise en pratique. Nous planifierons un webinaire de suivi d'une durée d'une heure après le cours pour faire le point sur les exercices (date à venir). Avant cela, si vous avez besoin d'aide avec le matériel de cours, contactez les personnes responsables de l'animation de votre cours par le biais de Slack ou par courriel.

Introduction

Au cours de cette session, vous mettrez en pratique vos compétences en lien avec R et la gestion des données afin de préparer et de recueillir les données provenant de plusieurs ensembles de données, d'appliquer un algorithme d'identification des cas et d'effectuer une analyse épidémiologique descriptive de base. On vous a fourni cinq ensembles de données qui sont des extraits <u>fictifs</u> d'ensembles de données administratifs (factures de médecins, autorisations de sortie de l'hôpital et liste de clients de l'assurance maladie provinciale) et qui ont été simplifiés à des fins de formation. Ces ensembles de données doivent être combinés afin d'appliquer efficacement les définitions de cas administratives (algorithmes) pour que vous puissiez décrire la fréquence de l'utilisation des services de santé pour les maladies chroniques parmi les résidents d'une petite province. Les ensembles de données et la définition de cas suivants vous ont été fournis :

<u>Factures de médecins</u>: Les ensembles de données *msp1213* et *msp1314* comprennent des informations provenant de factures de la rémunération à l'acte des médecins (médecins généralistes et spécialistes) pour les années financières 2012-2013 ainsi que 2013-2014 respectivement. Chaque dossier correspond à une visite chez un médecin, à la date de la visite et à un seul code de diagnostic. Bien que des personnes puissent avoir besoin de discuter de plusieurs problèmes de santé lors de leur rendez-vous avec leur médecin, ce dernier sélectionne le problème de santé « le plus responsable » pour la facturation.

<u>Autorisations de sortie de l'hôpital</u>: Les ensembles de données *dad1213* et *dad1314* comprennent des informations à propos du résumé d'autorisation produit à la sortie de l'hôpital. Les données comprennent seulement les hospitalisations de soins actifs. Les autres hospitalisations, comme les services hospitaliers ambulatoires ou de soins de longue durée, sont exclues. Les diagnostics multiples sont inclus dans le résumé d'autorisation de sortie de l'hôpital, avec les dates d'admission et de sortie de l'individu.

<u>Liste de clients de l'assurance maladie provinciale :</u> L'ensemble de données *reg1314* comprend une liste de toutes les personnes inscrites à l'assurance maladie provinciale (p. ex. Régime de service médical, Assurance-santé de l'Ontario, régime d'assurance maladie, etc.). L'inscription est automatique lors de la délivrance d'un certificat de naissance pour les résidents de la province (dans le cas de nouvelles naissances) ou la demande est effectuée lors d'un déménagement dans la province. L'inscription est annulée en cas de déménagement, de décès ou d'inscription à l'assurance maladie provinciale dans une nouvelle province. Les services de soins de santé financés par l'État sont facturés à la province de résidence ou au programme

fédéral offrant une couverture d'assurance maladie. Pour les personnes qui ne sont pas inscrites, ceux-ci doivent être payés de leur poche ou par une assurance privée. Quoi qu'il en soit, les personnes inscrites qui ne résident pas dans la province ainsi que celles ayant accès aux services de soins de santé et n'étant pas inscrites au Régime de service médical provincial ont été exclues de cet ensemble de données.

Tableau 1 : Contenu des ensembles de données fournis pour le Jour 3 du cours *Introduction à R*

Ensemble de données	Champs	Туре	Définition
msp1213.csv	uniqueid	Chaîne	Identifiant unique (personne)
	servdat	Date	Date de la visite chez le médecin
	diag1	Chaîne	Code de diagnostic (ICD9) apparaissant sur la facture
msp1314.csv	uniqueid	Chaîne	Identifiant unique (personne)
	servdat	Date	Date de la visite chez le médecin
	diag1	Chaîne	Code de diagnostic (ICD9) apparaissant sur la facture
dad1213.csv	uniqueid	Chaîne	Identifiant unique (personne)
	admitdat	Date	Date d'admission à l'hôpital
	sepdat	Date	Date d'autorisation de sortie de l'hôpital
	diag1	Chaîne	Code de diagnostic (ICD9) apparaissant sur l'autorisation de sortie
	diag2	Chaîne	Code de diagnostic (ICD9) apparaissant sur l'autorisation de sortie
	diag3	Chaîne	Code de diagnostic (ICD9) apparaissant sur l'autorisation de sortie
dad1314.csv	uniqueid	Chaîne	Identifiant unique (personne)

	admitdat	Date	Date d'admission à l'hôpital
	sepdat	Date	Date d'autorisation de sortie de l'hôpital
	diag1	Chaîne	Code de diagnostic (ICD9) apparaissant sur l'autorisation de sortie
	diag2	Chaîne	Code de diagnostic (ICD9) apparaissant sur l'autorisation de sortie
	diag3	Chaîne	Code de diagnostic (ICD9) apparaissant sur l'autorisation de sortie
reg1314.csv	uniqueid	Chaîne	Identifiant unique (personne)
	dob	Date	Date de naissance
	sex	Numérique	F = 1, M = 2

Définition de l'asthme selon le SCSMC¹: La définition de cas de l'asthme diagnostiqué est la suivante : une personne âgée d'un an ou plus ayant au moins deux réclamations de facturation de médecin sur une période de deux ans avec un diagnostic d'asthme dans le premier champ de diagnostic, ou ayant au moins une sortie de l'hôpital avec un diagnostic d'asthme dans n'importe quel champ de diagnostic, et dont le code diagnostique était 493 selon la Classification internationale des maladies (CIM), neuvième révision ou CIM-9-CM, ou J45 ou J46 selon la CIM-10-CA. Veuillez noter que la mise en application de la définition de cas dans cet exercice est très simplifiée.

Organisation de votre espace de travail

- 1. Créez de nouveaux dossiers sur votre ordinateur pour organiser les fichiers de l'exercice d'aujourd'hui :
 - a. À l'intérieur du dossier *IntoToR*, créez un sous-dossier pour le Jour 3 et nommez-le *Exercise Day3*.
 - b. À l'intérieur du dossier *Exercise_Day3*, créez les nouveaux dossiers suivants:
 - i. data

¹ https://www.canada.ca/fr/sante-publique/services/publications/maladies-et-affections/asthme-maladie-pulmonaire-obstructive-chronique-canada-2018.html

ii. scripts

iii. output

c. Déplacez les fichiers pour le Jour 3 vers leurs dossiers respectifs.

Remarque : Pour le Jour 3, plutôt que d'écrire plusieurs scripts individuels, nous allons travailler à partir d'un seul fichier .Rmd dans votre dossier de scripts pour cet exercice.

2. Maintenant que vous avez organisé vos dossiers de projet :

Ouvrez les ensembles de données dans Excel (msp1213.csv, msp1314.csv, dad1213.csv, dad1314.csv, reg1314.csv).

- a. Est-ce qu'*uniqueid* est réellement unique? Que représente chaque dossier selon vous?
- b. Selon vous, quels champs pourraient être utiles pour relier les données entre les tableaux?
- c. Reportez-vous à la définition de cas administrative. Selon vous, quels sont les ensembles de données et les champs qui pourraient être nécessaires pour identifier les cas d'asthme et leurs dates?
- d. Compte tenu de la définition de cas administrative et des données que vous avez, quels calculs épidémiologiques descriptifs aimeriez-vous effectuer pour décrire la présence de l'asthme dans cette population?
- e. Considérant le fait que *reg1314* est un registre de clients du Régime de service médical pour l'année financière 2013-2014, pensez-vous qu'il est acceptable de l'utiliser comme registre de population? Pourquoi ou pourquoi pas? Quelles pourraient être les limites s'il devait être utilisé comme registre de population?

- f. Quelles sont les informations supplémentaires dont vous avez besoin de la part des quatre autres tableaux afin de les ajouter à l'ensemble de données *reg1314* dans le but d'effectuer votre analyse descriptive de l'asthme?
- g. Comment ces informations doivent-elles être présentées sous forme de champs de données dans l'ensemble de données reg1314 pour que vous puissiez effectuer votre analyse descriptive? Quelles sont les étapes à suivre pendant le traitement des données pour inclure ces champs de données dans l'ensemble de données reg1314?

Indice: dessinez le fichier de résultat. En ayant clairement en tête votre point de départ (c.-à-d. les ensembles de données fournis) et votre point final (c.-à-d. le fichier plat final), vous pourrez identifier les étapes précises que vous devez suivre pendant le traitement des données.

										,	e	
1)ans	le cadre	de cet	exercice	165	etanes	suivantes	Seront	291//112	nour	creer	ce tichier	niat :
Dano	io oddio	ac cci	CACIOICO,	100	Olupoo	Jaivantoo	001011	Odivioo	Pour	01001		piat.

uniqueid 📩	dob	age [‡]	sex [‡]	asthma_case	asthma_casedate	popn_1plus
1	1936-09-21	76	1	0	NA	1
2	1916-04-08	97	2	1	2012-09-24	1
3	1924-10-17	88	1	0	NA	1
4	1995-04-01	18	2	0	NA	1
5	1997-06-28	16	1	0	NA	1

Aperçu des étapes de cet exercice :

- Annexez DAD.
- Indiquez le tri effectué à l'hôpital en lien avec les diagnostics d'asthme
 - Gardez seulement les hospitalisations liées à l'asthme
 - Identifiez les doublons
 - Identifiez et comptez les dossiers en double pour chaque uniqueid, conservez uniquement le plus ancien sepdat.
- Sauvegardez les données DAD en tant que nouveau fichier annexé.
- Annexez MSP.
- Indiquez les diagnostics d'asthme découlant de visites chez le médecin
 - Gardez seulement les visites chez le médecin liées à l'asthme
 - Identifiez les doublons
 - Identifiez et comptez les dossiers en doubles pour chaque uniqueid, conservez uniquement le plus ancien servdat.
- Sauvegarder les données MSP en tant que nouveau fichier annexé
- Fusionnez le registre aux données DAD et MSP
 - Fusionnez DAD et Registry (full join, uniqueid)
 - Fusionnez MSP et Registry (full join, uniqueid)
 - Fusionnez les deux fichiers de résultat (full join, uniqueid dob sex).
- Sauvegardez-le en tant que nouveau fichier de registre avec des informations sur l'état de la maladie chronique.
- Appliquez la définition de cas : indiquez les personnes qui répondent à la définition de cas.
- Calculez la date du cas (plus ancien service de santé codé pour l'asthme)
- Préparez le registre pour les calculs d'épidémiologie descriptive
 - Calculez l'âge au milieu de l'année 2013.
 - Indiquez les personnes faisant partie du dénominateur.
 - Appliquez les catégories de groupes d'âge.
- Analysez les données
 - Additionnez l'indicateur de définition de cas (numérateur) et l'indicateur de dénominateur, calculez le taux.

INTRODUCTION À R - CAHIER D'EXERCICES POUR LE JOUR 3

- Additionnez l'indicateur de définition de cas (numérateur) et l'indicateur de dénominateur (par groupe d'âge et/ou sexe), calculez les taux.
- Créez les figures.

3. Configurez votre session R Studio

Remarque: Essayez d'ajouter vos propres commentaires au code pour garder des traces des choses essentielles telles que le nombre de dossiers et de variables (afin de vous assurer que les opérations se déroulent comme prévu) et pour clarifier le code pour votre compréhension (afin de vous assurer que, dans plusieurs semaines, vous pourrez comprendre ce que vous avez produit dans le cadre de cet exercice). Veuillez noter qu'un fichier .rmd principal est fourni pour cet exercice (avec commentaires) afin de vous aider si vous rencontrez des problèmes. Comme cet exercice est compliqué, n'hésitez surtout pas à consulter le fichier .rmd fourni pour réaliser l'exercice. Vous pouvez suivre le fichier .rmd principal si vous cherchez à développer votre compréhension en effectuant un copier-coller du code dans votre propre fichier .rmd ou vous pouvez taper votre propre code à partir des images fournies dans votre nouveau fichier .rmd. Quelle que soit votre approche dans le cadre de cet exercice, il est essentiel que vous portiez une attention aux changements dans vos fichiers (par exemple, le nombre de variables et d'observations) afin de vous assurer que les liens s'effectuent comme prévu.

Tâche	Code
Ouvrez un nouveau fichier R Markdown, sélectionnez HTML comme format d'extrant par défaut et nommez-le : Day3_Exercise_script.Rmd.	R RStudio File Edit Code View Plots Session Build Debug Profile Tools Help New File
Notez que pour l'exercice du Jour 3, nous allons travailler à partir d'un seul fichier R Markdown plutôt que de travailler avec plusieurs fichiers en même temps et d'utiliser notre fichier R Markdown comme un carnet de notes en	title: "Day3_Exercise_Script" output: html_document

```
format HTML. D'abord,
vous allez devoir préciser
ce format dans l'en-tête
YAML située dans le haut.
Ensuite, vous aurez besoin
                             ### Setup
d'un bout de code pour
                             ```{r setup, include=FALSE}
configurer votre document
 require("knitr")
pour les analyses. Ici, nous
 library(tidyverse)
chargerons directement les
 library(here)
librairies que nous
prévoyons d'utiliser, nous
initialiserons l'emplacement
 knitr::opts chunk$set(echo = TRUE)
du script .Rmd actuel et
 here::i am("Exercise Day3/scripts/Exercise Day3.Rmd")
nous définirons
 output_folder <- here::here("Exercise_Day3", "output")</pre>
l'emplacement du chemin
d'accès au dossier output
pour une utilisation
ultérieure.
```

### 4. Préparez les données :

Chargez les ensembles de données d'hospitalisation (dad1213.csv et dad1314.csv) et conservez-les en tant qu'objets en mémoire. Notez le nombre d'observations et de variables pour chacun d'eux.

Remarque: Si vous avez besoin d'ajouter des bouts supplémentaires à votre fichier R Markdown, vous pouvez cliquer sur *Insert -> R* au haut de la barre d'outils Markdown ou utiliser le raccourci clavier Ctrl + Alt + I (Cmd + Option + I pour macOS).

```
'``{r}
dad1213 <- read_csv(here("Exercise_Day3", "data", "dad1213.csv"))
dad1314 <- read_csv(here("Exercise_Day3", "data", "dad1314.csv"))</pre>
```

Annexez les ensembles de données d'hospitalisation (en utilisant *bind\_rows*). Combien d'hospitalisations y a-t-il dans chaque fichier?

Confirmez les dates de sorties d'hôpital tombant dans la

#### ##### Append DAD datasets:

```
'``{r}
dad_appnd <- bind_rows(dad1213, dad1314) %>%
 mutate(sepdat = as.Date(sepdat, "%d-%b-%Y")) %>%
 filter(sepdat > "2012-04-01" & sepdat < "2014-03-31")|
</pre>
```

bonne année financière. Combien de dossiers doivent être supprimés?

Remarque: Si vous voulez seulement exécuter une partie du code, utilisez le menu déroulant *Run* au haut de la barre d'outils Markdown.

Indice : essayez de mettre print(unique(dad\_appnd\$sepdat)) dans la fenêtre de commandes

Ou, consultez et triez le fichier en double-cliquant sur le fichier dans le panneau d'environnement et en cliquant sur l'ensemble de triangles à côté du nom de la variable :

₽ Filter					
uniqueid	admitdat <sup>‡</sup>	sepdat 🍈	diag1 <sup>‡</sup>	diag2 <sup>‡</sup>	diag3 <sup>‡</sup>
1779	29-Mar-2012	2012-04-02	1011	9500	2790
3016	02-Apr-2012	2012-04-02	1080	6230	8850
102/	02-Δnr-2012	2012_0/1_02	1100	1100	ΝΔ

#### INTRODUCTION À R - CAHIER D'EXERCICES POUR LE JOUR 3

Indiquez et gardez les hospitalisations pour lesquelles un diagnostic d'asthme a été confirmé. Comme nous nous intéressons à l'ensemble du bloc de code du diagnostic 493, nous prendrons une sous-chaîne de code pour filtrer. Combien d'hospitalisations liées à l'asthme y a-t-il eu en 2013-2014 et 2012-2013?

Pour s'exercer : combien y a-til de personnes uniques (indice : taille du fichier à la fin de ce code)? Quel est le nombre maximal d'hospitalisations par personne durant la période d'intérêt (indice : fonctions view et sort, table ou count)?

Comme certains individus ont été hospitalisés plus d'une fois au cours de cette période, conservez uniquement la plus ancienne date de sortie.

Comment la fonction distinct supprime-t-elle les doublons?

Les données doivent-elles être triées avant d'utiliser cette fonction? Les données devraient-elles être triées par ordre croissant ou décroissant, et selon quelles variables?

Gardez et renommez seulement les variables dont vous aurez besoin plus tard (c.-à-d. uniqueid, sepdat, count\_duplicates).

Organisez les données et l'environnement de travail.

```
#keep unique asthma-related hosps
#####Step 1: Keep only asthma related events.
#####Step 2: Group by unique ID (a) and count how many uniqueIDs appear in each group (b)
#####Step 3: Keep only earliest sepdat where unique persons are duplicated.
#####Step 4: Keep (a) and rename (b) only the variables you need for your analysis.
dad_appnd_asthma <- dad_appnd %>%
 filter(dad_appnd$flag == 1) %>% #Step 1
 group_by(uniqueid) %>% #Step 2 (a)
 add_tally(name = "count_duplicates") %>% #Step 2 (b)
 arrange(uniqueid, sepdat) %>% #Step 3 (a)
 distinct(uniqueid, sepdat) %>% #Step 3 (b)
 select(uniqueid, sepdat, count_duplicates) %>% #Step 4 (a)
 rename(dad_sepdat_asthma = sepdat, dad_count_asthma=count_duplicates) #Step 4 (b)
#tidy workspace
rm(dad_appnd, dad1213,dad1314)
...
```

Remarque : Le nombre de dossiers restants devrait être égal au nombre d'individus uniques obtenus ci-dessus.

```
Annexer les ensembles de données des médecins (msp1213.csv et msp1314.csv). Combien de visites de médecins y a-t-il dans chaque fichier? Combien y en a-t-il dans le fichier annexé?
```

```
Prepare MSP datasets
```{r}
##load files
msp1213 <- read_csv(here("Exercise_Day3", "data", "msp1213.csv"))
msp1314 <- read_csv(here("Exercise_Day3", "data", "msp1314.csv"))
##append datasets
msp_appnd <- bind_rows(msp1213, msp1314)</pre>
```

Conseil : Si vous partez de zéro, pensez à réutiliser le code DAD.

Comme nous l'avons fait pour les ensembles de données *DAD*, nous devons maintenant procéder au traitement des ensembles de données *MSP*.

Traitez les ensembles de données MSP :

```
Pour ce faire, nous voulons
formater à nouveau servdat en
une variable date-classe à
utiliser pour le filtrage; gardez
les dates entre le 1<sup>er</sup> avril 2012
et le 13 mars 2014, puis
utilisez les codes des
médecins en commençant par
```

```
### process MSP.
#######Step 1 - Reformat servdat to date-class variable.
########Step 2 - Filter by servdat: keep if servdat between Apr 1 2012 & Mar 13
########Step 3 - Extract first three digits from diag1.
########Step 4 - Create new flag variable, 1=asthma, 0=no asthma; code block 493

msp_appnd <- msp_appnd %>%
   mutate(servdat = as.Date(servdat, "%d%b%Y")) %>% #Step 1
   filter(servdat >= "2012-04-01" & servdat <= "2014-03-31") %>% #Step 2
   Imutate(diag1_sbstr = as.numeric(str_sub(diag1, end=3))) %>% #Step 3
   mutate(flag = case_when(diag1_sbstr == "493" ~ 1, TRUE ~ 0)) #Step 4
```

493 afin de créer un indicateur pour l'asthme. Laissez tomber toutes les #Step 1 - Keep & count phys visits for asthma visites chez les médecins qui #Step 2 - Identify and count how many observations per uniqueid ne sont pas liées à l'asthme. #Step 3 - keep only earliest servdat where unique persons are duplicated msp_appnd_asthma <- msp_appnd %>% filter(msp_appnd\$flag == 1) %>% #Step 1 Combien y a-t-il group by(uniqueid) %>% add tally(name="count duplicates") %>% #Step 2 d'observations restantes arrange(uniqueid, servdat) %>% distinct(uniqueid, .keep all = TRUE) #Step 3 (indice: taille du fichier)? Quel est le nombre maximal de visites chez les médecins codées pour l'asthme par personne (indice: fonctions view et sort ou table et count)? Comme certains individus ont consulté leur médecin plus d'une fois au cours de cette période, gardez seulement la plus ancienne date de visite. Parmi les individus uniques qui ont consulté leur médecin. combien de visites ont été codées pour l'asthme (indice : fonctions view et sort ou table et count)?

```
Organisez les données et l'environnement de travail.

Gardez et renommez seulement les variables dont vous aurez besoin plus tard (c.-à-d. uniqueid, servdat, count_duplicates).

#Tidy the data.

msp_appnd_asthma <- msp_appnd_asthma %>%

select(uniqueid, servdat, count_duplicates) %>%

rename(msp_servdat_asthma = servdat, msp_count_asthma = count_duplicates)

#clear work environment.|

rm(msp_appnd, msp1213, msp1314)

**Count_duplicates*).
```

5. Rassemblez les données :

Tâche	Code
Chargez reg1314. Combien de déclarants y a-t-il?	<pre>###### Registry Dataset ```{r} #####Load registry file reg1314 <- read_csv(here("Exercise_Day3", "data", "reg1314.csv"))</pre>
Afin de rassembler les données de MSP, de DAD et du registre, de quels	

types de fusion aurez-vous besoin? Comment fusionnerez-vous les trois fichiers (c.-à-d. quelles variables clés) et quelles seront les étapes de cette action? Justifiez. Conseil: Passez en revue les types de jointures dans votre Guide du participant ou de la participante. ##### Merge the dad dataset with the registry: Fusionnez les ```{r} données #--- Merge dad to reg asthma_dad_reg1314 <- full_join(reg1314, dad_appnd_asthma, by=c("uniqueid"="uniqueid")) d'hospitalisation avec le registre. #--- Frequency of each result in dad_count_asthma Combien de asthma_dad_reg1314 %>% dossiers y a-t-il count(dad_count_asthma) dans le fichier de données fusionné? Indice : Vous pouvez trouver le nombre d'observations dans le fichier fusionné de résultat dans la fenêtre Combien de d'environnement. Consultez le fichier fusionné et voyez le nombre d'individus qui ont des données relatives déclarants ont été aux hospitalisations pour l'asthme. Le nombre de personnes devrait être égal au nombre de personnes hospitalisés en

2013-2014 avec
un diagnostic
d'asthme au
cours des deux
années
précédentes?
Fusionnez les

dans le fichier dad_appnd_asthma. Le fichier fusionné contient également des dossiers relatifs à toutes les autres personnes du registre.

données de visite chez les médecins avec le registre. Combien de dossiers y a-t-il dans le fichier de données fusionné? Combien de déclarants ont consulté leur médecin en 2013-14 et ont reçu une facture codée pour l'asthme au cours des deux années précédentes?

Indice: Vous pouvez trouver le nombre d'observations dans le fichier fusionné de résultat dans la fenêtre d'environnement. Consultez le fichier fusionné et voyez le nombre d'individus ayant des données relatives aux visites pour l'asthme. Le nombre de personnes devrait être égal au nombre de personnes dans le fichier msp_appnd_asthma. Le fichier fusionné contient également des dossiers relatifs à toutes les autres personnes du registre.

Combinez les ensembles de données d'asthme.
Combien d'observations y a-t-il dans le fichier de résultat? Combien de personnes se trouvent dans les deux ensembles de données?

```
##### Merge Asthma-Registry datasets
```{r}
#create combined asthma datasets
asthma_reg1314 <- full_join(asthma_dad_reg1314, asthma_msp_reg1314, by=c("uniqueid"="uniqueid", "sex"="sex", "dob"="dob"))

table(asthma_reg1314$msp_count_asthma, asthma_dad_reg1314$dad_count_asthma)
count(asthma_reg1314, msp_count_asthma)
count(asthma_dad_reg1314, dad_count_asthma)
...</pre>
```

Remarque : Comme sex et dob proviennent du même fichier, de mauvaises correspondances indiqueraient que des erreurs se sont produites – nous ne voulons pas de colonnes qui se répètent.

#### Indice:

- Vous pouvez trouver le nombre d'observations dans le fichier fusionné de résultat dans la fenêtre d'environnement.
- En utilisant la commande table, nous pouvons voir un tableau croisé du nombre d'hospitalisations par visite chez le médecin. Le tableau illustrera les personnes qui sont apparues dans les deux fichiers et leurs habitudes d'utilisation des services de santé pour l'asthme dans la période donnée.
- En utilisant la commande count, nous pouvons voir le nombre de personnes dans l'ensemble de données divisé par le nombre de visites chez le médecin ou d'hospitalisations pour l'asthme.

```
Combien
 ##### Process Asthma-Registry dataset
                      ```{r Flag individuals who meet hospitalisation and physician vist portion of the case definition}
d'individus
répondent à la
                      # 1H Ever or 2P in 2Y
                      asthma_reg1314 <- asthma_reg1314 %>%
composante
                        mutate(PH_flag = case_when(dad_count_asthma >= 1 ~ 1,
                                                   msp\_count\_asthma >= 2 \sim 1,
d'hospitalisation
                                                   TRUE~0))
et de consultation
                      asthma_reg1314 %>%
d'un médecin de
                        count(PH_flag)
la définition de
                      # table(asthma_reg1314$PH_flag)
cas pour
l'asthme? Quelles
sont les autres
composantes de
cette définition?
Calculez l'âge du
                         `{r Calculate age}
cas en 2013-
                      asthma_reg1314 <-
                      asthma_reg1314 %>%
2014. Quelle date
                        mutate(dob = as.Date(dob, "%d%b%Y")) %>% # format as date
                        mutate(age = as.numeric(difftime(time1 = as.Date("01jul2013", "%d%b%Y"), time2 = dob, units="days"))/365.25)
de référence
utiliseriez-vous
pour ce calcul?
```

```
Comment
                   #--- Identify asthma cases based on age and case definition
identifierez-vous
                   #143 cases
les personnes qui
                  asthma_reg1314 <- asthma_reg1314 %>%
                     mutate(popn_1plus = case_when(age >= 1 \sim 1,
devraient être
                                                      TRUE ~ 0)) %>%
incluses dans la
                     mutate(asthma_case = case_when(popn_1plus == 1 & PH_flag == 1 ~ 1,
définition de cas
                                                       TRUE~0))
en fonction de
l'âge? N'oubliez
pas que vous
aurez besoin
d'obtenir des
données de
dénominateur du
registre pour vos
calculs
d'épidémiologie
descriptive.
Combien
                      asthma_reg1314 %>%
d'individus ont
                       count(asthma_case)
répondu à la
définition de cas
pour l'asthme en
2013-2014?
```

Précisez la date du cas, ou la date du premier service de santé codé pour l'asthme. Pour ce faire, nous créerons une série d'indicateurs en fonction de la date de sortie de l'hôpital et de la visite chez un ou une médecin. Nous pouvons utiliser ces indicateurs pour identifier puis recoder afin de préciser la date à utiliser comme date du cas ou le premier moment où une personne a correspondu à la définition de cas.

```
{r Process when case met definition}
#identify case date, or the earliest point at which a person met the case definition
asthma_reg1314 <- asthma_reg1314 %>%
  mutate(date_flag = case_when(
    asthma_case ==1 & dad_sepdat_asthma < msp_servdat_asthma ~ 1,
    asthma_case ==1 & dad_sepdat_asthma > msp_servdat_asthma ~ 2,
    asthma_case ==1 & dad_sepdat_asthma == msp_servdat_asthma ~ 3,
    asthma_case ==1 & is.na(dad_sepdat_asthma) == TRUE ~ 4,
    asthma_case ==1 & is.na(msp_servdat_asthma) == TRUE ~ 5,
    TRUE~0))
asthma_reg1314 \leftarrow asthma_reg1314 \%>\%
  mutate(asthma_casedate = case_when(
    date_flag == 1 ~ dad_sepdat_asthma,
    date_flag == 2 ~ msp_servdat_asthma,
    date_flag == 3 ~ msp_servdat_asthma,
    date_flag == 4 ~ msp_servdat_asthma,
    date_flag == 5 ~ dad_sepdat_asthma))
#count asthma case flags
asthma_reg1314 %>%
  count(asthma_case)
#count date flags
asthma_reg1314 %>%
  count(date_flag)
#compare case and date flags
asthma_reg1314 %>%
  count(asthma_case, date_flag)
#compare casedate and case flags
asthma_reg1314 %>%
  count(asthma_casedate, date_flag)
```

Vérifiez vos

énoncés logiques au moyen de tableaux et de tableaux croisés (cà-d. voir les fonctions <i>count</i> à droite et dans le fichier rmd pour cet exercice).	
Le nombre de cas d'asthme reflète-t- il les cas incidents? Pourquoi ou pourquoi pas?	
Rangez le produit final et organisez l'espace de travail au besoin. Gardez seulement les variables dont vous aurez besoin plus tard: uniqueid, dob,	#Tidy data str(asthma_reg1314) #review structure of the data #select variables to keep asthma_reg1314 <- asthma_reg1314 %>% select(uniqueid, dob, age, sex, asthma_case, asthma_casedate, popn_1plus) #clear out work environment rm(asthma_dad_reg1314, asthma_msp_reg1314, dad_appnd_asthma, msp_appnd_asthma, reg1314)

```
age, sex,
asthma_case,
asthma_casedate
, et popn_1plus.
```

6. Analysez les données

Tâche	Code	
Quel était le taux brut de prévalence de l'asthme en 2013-2014?	<pre>#### Data Analysis ```{r Calculate crude prevalence} #crude prevalence: #add up n cases and n population asthma_overall <- asthma_reg1314 %>% summarize(cases = sum(asthma_case), popn = sum(popn_1plus)) asthma_overall <- asthma_reg1314 %>% summarize(cases = sum(asthma_case), popn = sum(popn_1plus)) %>% mutate(crude_rate=(cases/popn)*100000) print(asthma_overall) </pre>	

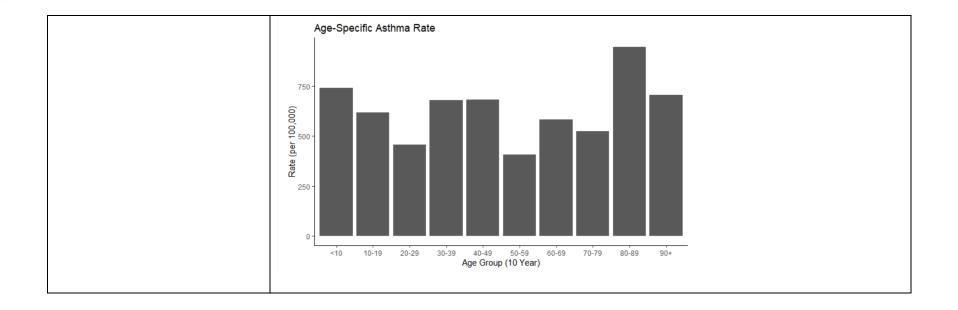
Calculez le nombre de cas d'asthme par âge en créant tout d'abord des catégories d'âge et en classant les cas selon ces catégories. Quels groupes d'âge utiliserez-vous?

Nous allons calculer les taux et créer une figure dans la prochaine étape.

```
fr Calculate age-specific prevalence}
 #age-specific prevalence
 asthma_reg1314 <- asthma_reg1314 %>%
   mutate(agegrp = case_when(
     age >=1 & age <=9 ~ "<10",
     age >= 10 \& age <= 19 \sim "10-19",
     age >= 20 \& age <= 29 \sim "20-29",
     age >= 30 \& age <= 39 \sim "30-39",
     age >= 40 \& age <= 49 \sim "40-49"
     age >= 50 \& age <= 59 \sim "50-59",
     age >= 60 & age <= 69 ~ "60-69",
     age >= 70 \& age <= 79 \sim "70-79",
     age >= 80 \& age <= 89 \sim "80-89",
     age >= 90 \sim "90+"))
 #tabulate age groupings
 asthma_reg1314 %>%
   count(agegrp)
 #tabulate cases per age grouping
 asthma_reg1314 %>%
   count(agegrp,asthma_case) %>%
   pivot_wider(names_from = asthma_case, values_from = n)
```

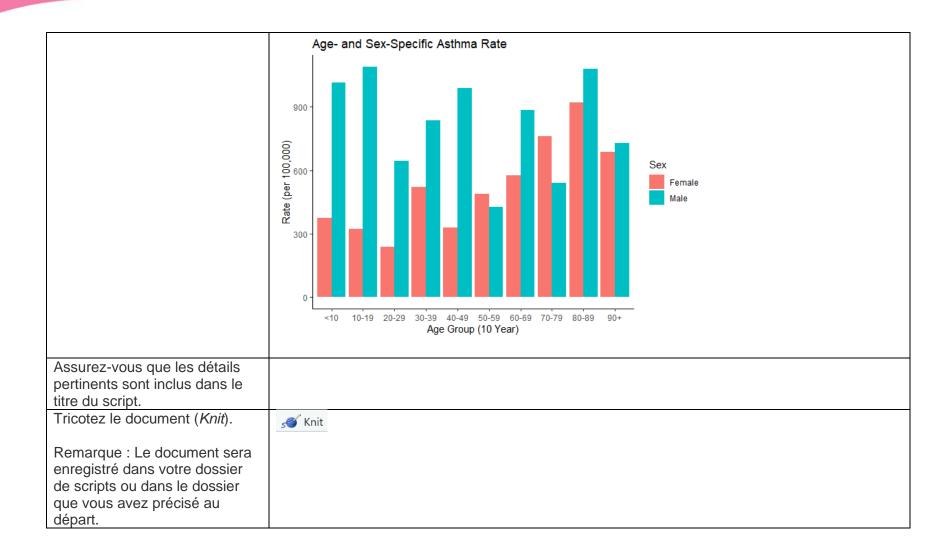
Calculez et tracez les taux d'asthme par âge en utilisant les mêmes groupes d'âge de 10 ans que vous avez créés à l'étape précédente.

```
```{r Age-specific asthma case rate}
Summarize cases and population per age range
asthma_agespecific <- asthma_reg1314 %>%
 group_by(agegrp) %>%
 summarize(cases = sum(asthma_case), popn = sum(popn_1plus), .groups = "drop") %>%
 filter(!is.na(agegrp))
Calculate rates
asthma_agespecific <- asthma_agespecific %>%
 mutate(agespecific_rate=(cases/popn)*100000)
Basic Plot
agespec_barchart <- ggplot(data=asthma_agespecific, aes(x=agegrp, y=agespecific_rate)) +</pre>
geom_bar(stat="identity")
Add simple options to the plot
agespec_barchart <- agespec_barchart +</pre>
labs(title="Age-Specific Asthma Rate", x="Age Group (10 Year)", y = "Rate (per 100,000)")+
theme_classic()
#Call plot
agespec_barchart
```



Calculez et tracez les taux d'asthme par âge et par sexe.

```
```{r Age and sex-specific asthma rates}
# Age and sex-specific prevalence
#add sex variable to the dataset
asthma_reg1314 <- asthma_reg1314 %>%
     mutate(sexchar = case_when(asthma_reg1314$sex == 1 ~ "Female",
                                                                                              asthma_reg1314$sex == 2 ~ "Male",
                                                                                              TRUE~"Unknown"))
#summarize based on age and sex
asthma_as_specific <- asthma_reg1314 %>%
     group_by(agegrp, sexchar) %>%
      summarize(cases = sum(asthma_case), popn = sum(popn_1plus), .groups = "drop") %>%
      filter(!is.na(agegrp))
#calculate rates
asthma_as_specific <- asthma_as_specific %>%
     mutate(as_specific_rate=(cases/popn)*100000)
# Plot age and sex-specific results
agesexspec\_barchart <- ggplot(data=asthma\_as\_specific, aes(fill=sexchar, x=agegrp, y=as\_specific\_rate)) + (aes(fill=sexchar, x=agegrp, y=agegrp, y
geom_bar(position="dodge", stat="identity") +
labs(title="Age- and Sex-Specific Asthma Rate",
               x="Age Group (10 Year)",
y = "Rate (per 100,000)",
                fill="Sex") +
theme_classic()
#Call plot
agesexspec_barchart
```



Voici un exemple de ce à quoi ressemblera votre extrant lorsque vous l'ouvrirez dans votre navigateur Web :

R for Public Health Investigations: Day 3

Script Information:

Purpose: Exercise in advanced data management training for epidemiologists in R by using mock admin datasets to identify cases of Asthma

Author: J. Stares

Date: 26-Oct-2020

Last modified by: B. Hetman

Date last modified: 2020-11-15

Notes:

- Mock admin SAS datasets processed in R and Stata in 2017
- Training module location: Dropbox
- Case definition Asthma: 1 year and older 1H Ever or 2P in 2Y https://www.canada.ca/en/public-health/services/publications/canadianchronic-disease-surveillance-system-factsheet.html

Setup:

INTRODUCTION À R - CAHIER D'EXERCICES POUR LE JOUR 3

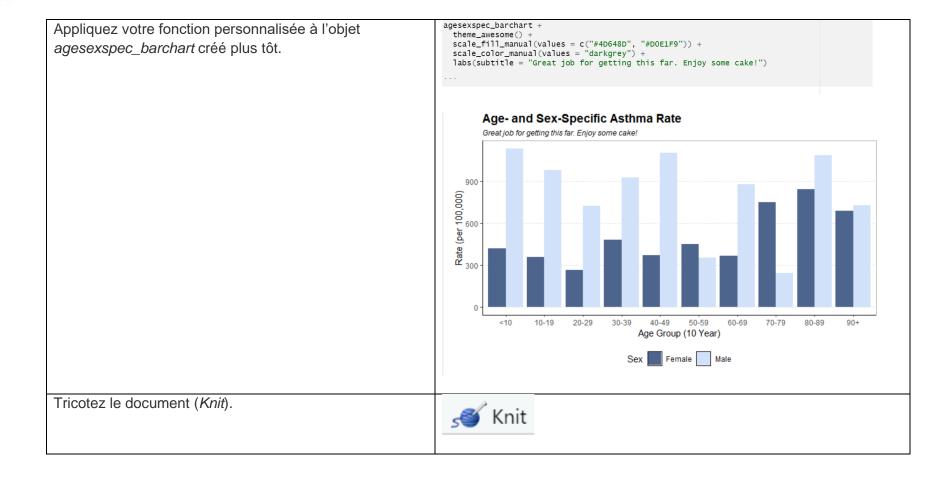
7.	Pourquoi avons-nous construit le produit final sous la forme d'un tableau de registre indiquant les numérateurs et
	dénominateurs pour l'asthme? Y a-t-il un meilleur moyen?

8. Quelles sont les possibles limites de l'approche consistant à utiliser les dossiers médicaux administratifs pour identifier les cas de maladie? Quels sont les avantages de cette approche?

9. Que pensez-vous de la façon dont cet exercice a été structuré en comparaison avec les exercices des deux premiers jours (c.-à-d. plusieurs courts scripts c. un long script, des bouts de code c. un code divisé en lignes et une structure de répertoire de travail)?

10. Contenu avancé en prime! Démonstration des fonctions définies par l'utilisateur :

Tâche	Code
Révisez le matériel suivant sur les fonctions dans R :	##### So many plotting options! ```{r Demonstrating a custom function} # Create your own function to format plot styles!
https://www.tutorialspoint.com/r/r_functions.htm (EN)	<pre>theme_awesome <- function(){ theme_classic() + theme(line = element_line(color="black"),</pre>
https://towardsdatascience.com/your-first-user-defined- function-in-r-1eedc634ead4 (EN)	<pre>panel.background = element_rect(fill = "white", colour = "darkgrey"), panel.grid.major.y = element_line(colour = "grey", linetype = 3, size = 0.5), plot.background = element_rect(fill="white"), strip.background = element_rect(fill = "white"), legend.background = element_rect(fill = "white"),</pre>
https://swcarpentry.github.io/r-novice-inflammation/02-func-R/ (EN)	<pre>legend.background = element_rect(fill = white), legend.key = element_rect(fill = "white"), legend.position = "bottom", plot.title = element_text(size = 14, family = "Helvetica Neue", face = "bold"), plot.subtitle = element_text(size = 9, family = "Helvetica Neue", face = "italic"), axis.title.x = element_text(),</pre>
https://datasciencebeginners.com/2018/11/02/10-user-defined-functions-in-r/ (EN)	<pre>text = element_text(size = 11),) }</pre>
Examinez et exécutez le code de démonstration fourni ici dans votre fichier .rmd.	
Quelles sont les composantes de base d'une fonction définie par l'utilisateur? Quelle partie du code définit le nom de la fonction? Y a-t-il des arguments intrants à cette fonction? Que fait cette fonction?	



11. Contenu avancé en prime! Mieux vivre grâce aux technologies modernes - démonstration des facettes et des boucles :

Tâche Code Passez en revue le tutoriel suivant sur les ##### Demonstrating facets and a simple loop: {r Facetting on sex} facettes pour ggplot dans R. # What if we wanted to compare sexes by themselves? agesexspec_barchart + theme_awesome() + http://www.sthda.com/english/wiki/ggplot2 scale_fill_manual(values = c("#4D648D", "#D0E1F9")) + scale_color_manual(values = "darkgrey") + -facet-split-a-plot-into-a-matrix-of-panels labs(subtitle = "Great job for getting this far. Enjoy some cake!")+ (EN) facet_wrap(~sexchar) Examinez et ajoutez le code de démonstration fourni ici dans votre fichier Age- and Sex-Specific Asthma Rate rmd. Great job for getting this far. Enjoy some cake! Male Qu'est-ce qu'une facette? Que réalise-telle plus précisément? En quoi les Rate (per 100,000) facettes sont-elles applicables à votre travail? Age Group (10 Year)

Passez en revue le tutoriel suivant sur les boucles dans R.

https://www.r-bloggers.com/2015/12/how-to-write-the-first-for-loop-in-r/ (EN)

Examinez et exécutez le code de démonstration fourni ici.

Quelles sont les composantes de base pour une boucle? Quel est le but de l'énoncé « i in unique »? À quoi sert le bloc de code? Quelles fonctionnalités supplémentaires la boucle fournit-elle? En quoi les boucles sont-elles applicables à votre travail?

```
```{r A simple loop}
What if we wanted a separate chart for each age group?
The following code will iterate through each age group created earlier,
and produce a unique chart for that age category only; then save that chart
in your output directory.
Check where your working directory is currently set to:
#getwd()
for (i in unique(asthma_as_specific$agegrp)){
Create titles for the individual plots based on the age group
title <- pasteO("Asthma rate among age group ", i)
Special note: R will fail if the file name includes non-alpha-numeric characters
We use str_replace_all to remove these
title <- str_replace_all(title, "[^[:alnum:]]", " ")
#subset the data we need to plot
loop_plot <- asthma_as_specific %>% filter(agegrp==i)
Now we plot and save the individual files to our working directory
ggplot(data=loop_plot, aes(fill=sexchar, x=agegrp, y=as_specific_rate))+
 geom_bar(position="dodge", stat="identity")+
 labs(title="Age- and Sex-Specific Asthma Rate",
 x=paste0("Age (years)"),
 y="Rate (per 100,000)",
 fill="Sex") +
 theme_awesome() +
 scale_fill_manual(values = c("#4D648D", "#D0E1F9")) +
 scale_color_manual(values = "darkgrey") +
 labs(title = title,
 subtitle = "Great job for getting this far. Enjoy some cake!")
ggsave(path = output_folder, filename = pasteO(title, ".png"), device = "png")
#Check your output directory for the exported plots!
```

# INTRODUCTION À R - CAHIER D'EXERCICES POUR LE JOUR 3

Tricotez le document (Knit).	s <b>∜</b> Knit

#### **FONCTIONS VEDETTES**

En guise de référence, nous vous avons fourni une liste des principales fonctions utilisées dans le cadre de cet exercice. Les fonctions en gras sont les plus grandes vedettes de la journée.

Fonctions vedettes		
bind_rows()	full_join()	
as.numeric()	trunc()	
str_sub()	difftime()	
add_tally	is.na()	
table()		