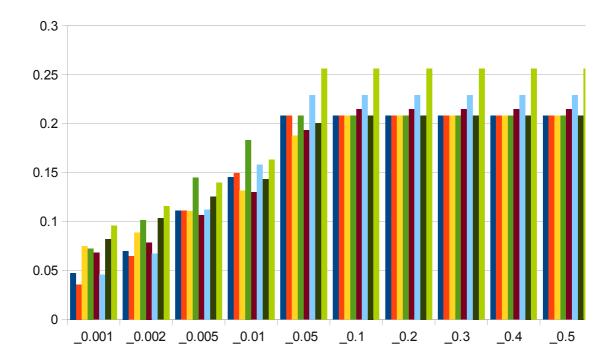
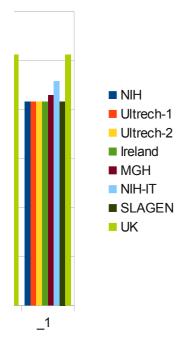
Sheet1

Whole genome, prevalence 10^-4

p_thres	NIH	Ultrech-1	Ultrech-2	Ireland	MGH	NIH-IT
_0.001	0.047644	0.035806	0.074994	0.072498	0.068301	0.04568
_0.002	0.07005	0.064544	0.088855	0.101747	0.078663	0.067017
_0.005	0.111213	0.110895	0.110603	0.145122	0.106517	0.112023
_0.01	0.145431	0.149489	0.131609	0.183402	0.129904	0.157858
_0.05	0.20812	0.20816	0.187639	0.208162	0.193298	0.229099
_0.1	0.20812	0.20816	0.208119	0.208162	0.214771	0.229099
_0.2	0.20812	0.20816	0.208119	0.208162	0.214771	0.229099
_0.3	0.20812	0.20816	0.208119	0.208162	0.214771	0.229099
_0.4	0.20812	0.20816	0.208119	0.208162	0.214771	0.229099
_0.5	0.20812	0.20816	0.208119	0.208162	0.214771	0.229099
_1	0.20812	0.20816	0.208119	0.208162	0.214771	0.229099



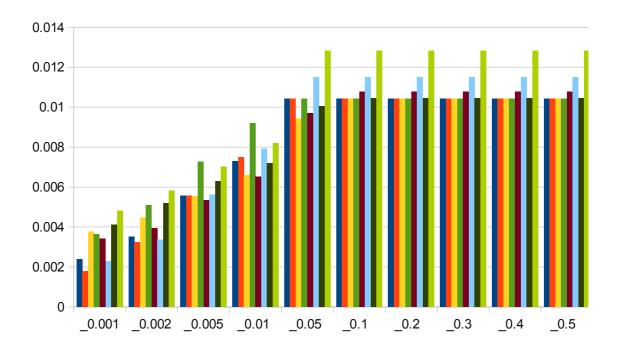
SLAGEN	UK	
0.082118		0.095856
0.103607		0.115972
0.125465		0.139839
0.143317		0.163434
0.20044		0.255958
0.208455		0.255958
0.208455		0.255958
0.208455		0.255958
0.208455		0.255958
0.208455		0.255958
0.208455		0.255958



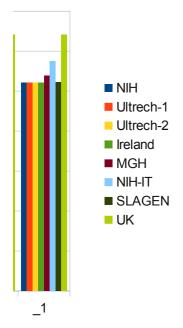
Sheet2

Whole genome,	preva	lence	10′	^-5
---------------	-------	-------	-----	-----

p_thres	NIH	Ultrech-1	Ultrech-2	Ireland	MGH	NIH-IT
_0.001	0.002388	0.001795	0.003759	0.003634	0.003423	0.002289
_0.002	0.003511	0.003235	0.004453	0.005099	0.003943	0.003359
_0.005	0.005574	0.005558	0.005543	0.007273	0.005339	0.005615
_0.01	0.007289	0.007492	0.006596	0.009192	0.006511	0.007912
_0.05	0.010431	0.010433	0.009404	0.010433	0.009688	0.011482
_0.1	0.010431	0.010433	0.010431	0.010433	0.010764	0.011482
_0.2	0.010431	0.010433	0.010431	0.010433	0.010764	0.011482
_0.3	0.010431	0.010433	0.010431	0.010433	0.010764	0.011482
_0.4	0.010431	0.010433	0.010431	0.010433	0.010764	0.011482
_0.5	0.010431	0.010433	0.010431	0.010433	0.010764	0.011482
_1	0.010431	0.010433	0.010431	0.010433	0.010764	0.011482



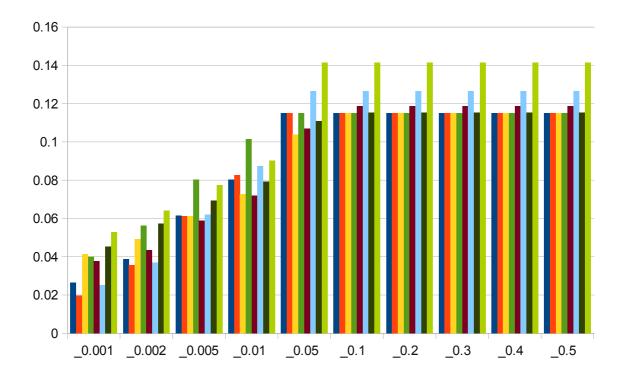
SLAGEN	UK	
0.004116		0.004804
0.005193		0.005812
0.006288		0.007009
0.007183		0.008191
0.010046		0.012828
0.010448		0.012828
0.010448		0.012828
0.010448		0.012828
0.010448		0.012828
0.010448		0.012828
0.010448		0.012828



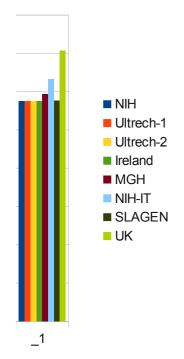
Sheet3

	Whole	genome,	preva	lence	5 :	x 10	^-5
--	-------	---------	-------	-------	-----	------	-----

p_thres	NIH	Ultrech-1	Ultrech-2	Ireland	MGH	NIH-IT
_0.001	0.026331	0.019789	0.041446	0.040067	0.037747	0.025245
_0.002	0.038714	0.035671	0.049106	0.056231	0.043474	0.037038
_0.005	0.061463	0.061287	0.061126	0.080203	0.058868	0.061911
_0.01	0.080374	0.082616	0.072735	0.101359	0.071793	0.087242
_0.05	0.11502	0.115042	0.1037	0.115043	0.106828	0.126614
_0.1	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_0.2	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_0.3	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_0.4	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_0.5	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_1	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614



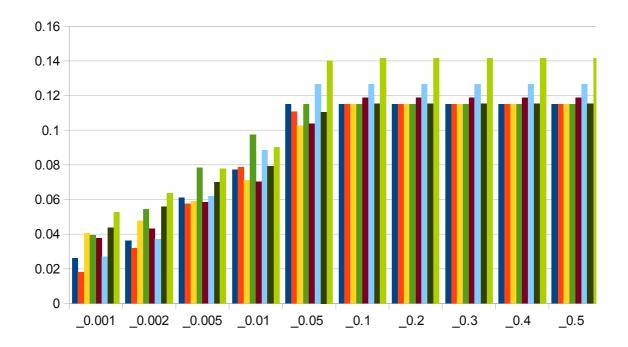
SLAGEN	UK	
0.045383		0.052976
0.05726		0.064093
0.06934		0.077283
0.079205		0.090324
0.110775		0.141458
0.115205		0.141458
0.115205		0.141458
0.115205		0.141458
0.115205		0.141458
0.115205		0.141458
0.115205		0.141458



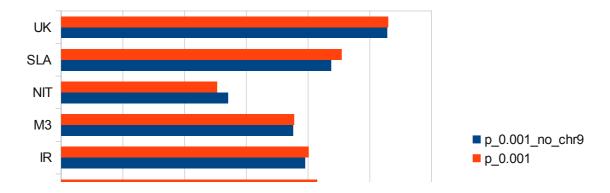
Sheet4

Whole genome -chr 9, prevalence 5 >

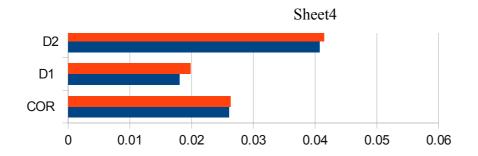
p_thres	NIH	Ultrech-1	Ultrech-2	Ireland	MGH	NIH-IT
_0.001	0.026057	0.018074	0.040703	0.039464	0.037572	0.027024
_0.002	0.03613	0.031887	0.047773	0.054438	0.043276	0.037207
_0.005	0.061	0.057508	0.058983	0.078417	0.058481	0.061896
_0.01	0.077144	0.078706	0.071167	0.097471	0.070193	0.088416
_0.05	0.11502	0.110654	0.102588	0.115043	0.103811	0.126614
_0.1	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_0.2	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_0.3	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_0.4	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_0.5	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614
_1	0.11502	0.115042	0.115019	0.115043	0.118695	0.126614



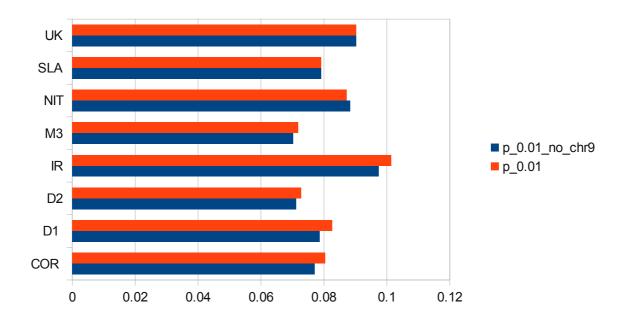
p_thres	COR	D1	D2	IF	₹	М3	N	IIT
p_0.001_no_	c 0.026057	7 0.	.018074	0.040703	0.039464	(0.037572	0.027024
p_0.001	0.02633	1 0.	.019789	0.041446	0.040067	(0.037747	0.025245



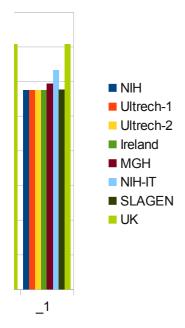
Page 7



p_thres	COR	D1	D2	IR	M3	NIT
p_0.01_no_ch	0.077144	0.07870	6 0.07°	1167 0.097	7471 0.07019	3 0.088416
p_0.01	0.080374	0.08261	6 0.072	2735 0.10°	1359 0.07179	3 0.087242



UK	
	0.052785
	0.063732
	0.077726
	0.090243
	0.140195
	0.141458
	0.141458
	0.141458
	0.141458
	0.141458
	0.141458
	UK

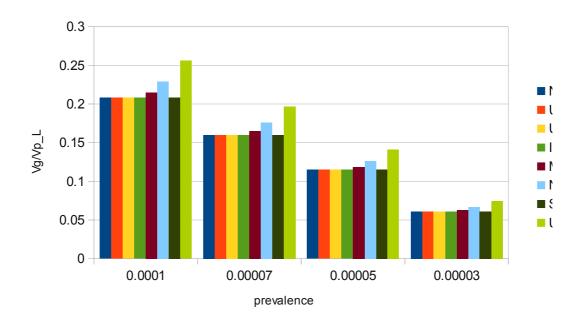


SLA UK 0.043731 0.052785 0.045383 0.052976

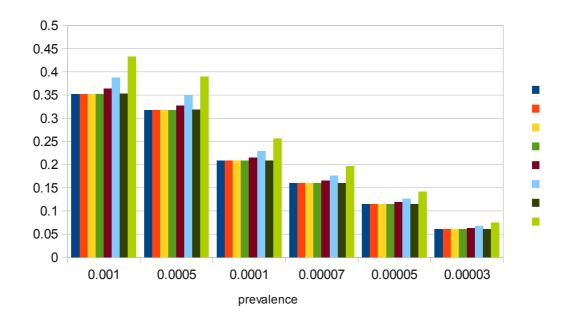
SLA UK

0.079184 0.090243 0.079205 0.090324

prevalence	0.001				0.0005	
	Vg/Vp_L s	е	ci_l	ci_u	Vg/Vp_L	se
NIH	0.352099	0.133991	0.08947664	0.61472136	0.317433	0.120799
Ultrech-1	0.352168	0.083079	0.18933316	0.51500284	0.317495	0.074899
Ultrech-2	0.352098	0.026425	0.300305	0.403891	0.317432	0.023823
Ireland	0.35217	0.176428	0.00637112	0.69796888	0.317497	0.159058
MGH	0.363352	0.028372	0.30774288	0.41896112	0.327578	0.025578
NIH-IT	0.387591	0.127247	0.13818688	0.63699512	0.349431	0.114719
SLAGEN	0.352666	0.021576	0.31037704	0.39495496	0.317945	0.019452
UK	0.433033	0.042472	0.34978788	0.51627812	0.390399	0.03829
prevalence	0.001	0.0005	0.0001	0.00007	0.00005	
NIH	0.352099	0.317433	0.20812	0.159936	0.11502	0.060841
Ultrech-1	0.352168	0.317495	0.20816	0.159967	0.115042	0.060853
Ultrech-2	0.352098	0.317432	0.208119	0.159936	0.115019	0.060841
Ireland	0.35217	0.317497	0.208162	0.159968	0.115043	0.060854
MGH	0.363352	0.327578	0.214771	0.165048	0.118695	0.062786
NIH-IT	0.387591	0.349431	0.229099	0.176058	0.126614	0.066974
SLAGEN	0.352666	0.317945	0.208455	0.160194	0.115205	0.060939
UK	0.433033	0.390399	0.255958	0.196699	0.141458	0.074826



		0.0001				0.00007
ci_l	ci_u	Vg/Vp_L se)	ci_l	ci_u	Vg/Vp_L
0.08066696	0.55419904	0.20812	0.0792	0.052888	0.363352	0.159936
0.17069296	0.46429704	0.20816	0.049107	0.11191028	0.30440972	0.159967
0.27073892	0.36412508	0.208119	0.015619	0.17750576	0.23873224	0.159936
0.00574332	0.62925068	0.208162	0.104284	0.00376536	0.41255864	0.159968
0.27744512	0.37771088	0.214771	0.01677	0.1819018	0.2476402	0.165048
0.12458176	0.57428024	0.229099	0.075213	0.08168152	0.37651648	0.176058
0.27981908	0.35607092	0.208455	0.012753	0.18345912	0.23345088	0.160194
0.3153506	0.4654474	0.255958	0.025104	0.20675416	0.30516184	0.196699



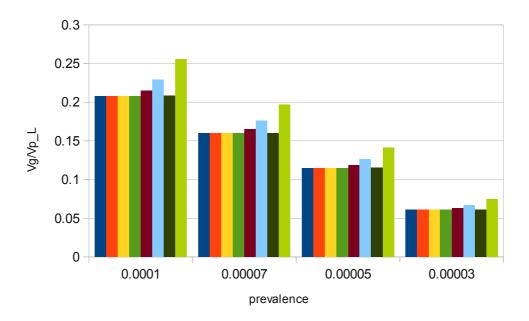
VIH Jltrech-1 Jltrech-2 reland VIGH VIH-IT SLAGEN JK

0.00005

se		ci_l	ci_u	Vg/Vp_L	se		ci_l	ci_u
	0.060863	0.04064452	0.27922748	0.11502		0.04377	0.0292308	0.2008092
	0.037737	0.08600248	0.23393152	0.115042		0.027139	0.06184956	0.16823444
	0.012003	0.13641012	0.18346188	0.115019		0.008632	0.09810028	0.13193772
	0.08014	0.0028936	0.3170424	0.115043		0.057633	0.00208232	0.22800368
	0.012887	0.13978948	0.19030652	0.118695		0.009268	0.10052972	0.13686028
	0.0578	0.06277	0.289346	0.126614		0.041567	0.04514268	0.20808532
	0.009801	0.14098404	0.17940396	0.115205		0.007048	0.10139092	0.12901908
	0.019292	0.15888668	0.23451132	0.141458		0.013874	0.11426496	0.16865104

- INIH
- I Ultrech-1
- Ultrech-2
- I Ireland
- IMGH
- NIH-IT
- ISLAGEN
- **I** UK

0.00003					
Vg/Vp_L	se	ci_l		ci_u	
0.060841		0.023153	0.01546112	0.10622088	
0.060853		0.014356	0.03271524	0.08899076	
0.060841		0.004566	0.05189164	0.06979036	
0.060854		0.030486	0.00110144	0.12060656	
0.062786		0.004903	0.05317612	0.07239588	
0.066974		0.021988	0.02387752	0.11007048	
0.060939		0.003728	0.05363212	0.06824588	
0.074826		0.007339	0.06044156	0.08921044	



- NIH
- Ultrech-1
- Ultrech-2
- Ireland
- MGH
- NIH-IT
- SLAGEN
- UK