# T. D. nº 2 Analyse Factorielle des Correspondances et Analyse des Correspondances Multiples

#### Résumé

Ce document est le TD  $n^{\rm o}$  2 du module Analyse exploratoire. Il reprend rapidement des éléments du cours et propose une mise en pratique interactive de l'AFC et de l'ACM.

# 1 Tâches ménagères

if by "happy"
you mean trapped
with no means of escape...?

then yes, I'm happy

Anne Taintor. Inc.

source:http://www.annetaintor.com/

# 1.1 Chargement des données

Après avoir téléchargé le fichier  $afc_tache_menageres.csv$  dans R. Associez ces données à un dataframe et appliquez la fonction summary(). Il est également possible de télécharger le fichier  $afc_taches_menageres.csv$  depuis le dataframe factoextra: https://cran.r-project.org/web/packages/factoextra/factoextra.pdf. À partir de votre dataframe DataP représentez par un diagramme en bâtons les

À partir de votre dataframe DataP représentez par un diagramme en bâtons les nombres de voix obtenues pour chaque partenaire (Épouse/Époux) selon les différentes tâches ménagères.

- > dataP<- read.csv('C:/Users/claey/Documents/cour/My TD/TD2/
   afc\_tache\_menageres.csv', sep =';')</pre>
- > barplot(t(dataP[,-1]),beside=T,names=dataP\$Task, col = c("
   lightblue", "mistyrose","lightcyan", "lavender"),legend =
   colnames(dataP[,2:5]))

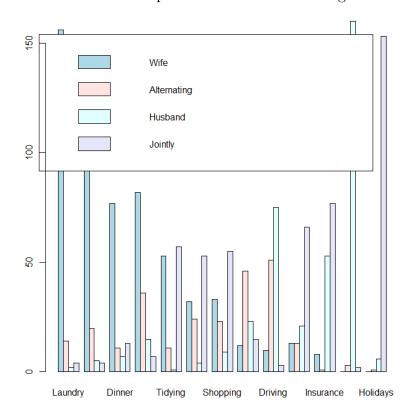


FIGURE 2 – Répartitions des tâches ménagères

## À vous!

- a) Commentez ces résultats.
- b) Réalisez le test du chi2 permettant d'étudier le lien de dépendance entre les 13 tâches ménagères et les personnes affectées à ces tâches.
- c) Concluez sur le résultat du test du chi2.
- d) Quels sont les prérequis pour faire une analyse factorielle des correspondances?

#### 1.2 AFC

FactoMineR est un package  ${\bf R}$  dédié à l'analyse exploratoire multidimensionnelle de données (à la française). FactoMineR présente de nombreux avantages :

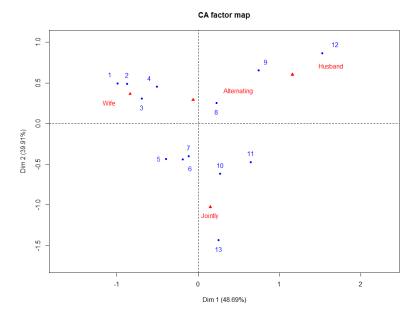
- il permet de réaliser des analyses classiques telles que l'analyse en composantes principales (ACP), l'analyse des correspondances (AC), l'analyse des correspondances multiples (ACM) ainsi que des analyses plus avancées.
- il permet l'ajout d'information supplémentaire telle que des individus et/ou des variables supplémentaires.
- il fournit un point de vue géométrique et de nombreuses sorties graphiques.
- il fournit de nombreuses aides à l'interprétation (description automatique des axes, nombreux indicateurs, ...).
- il peut prendre en compte diverses structures sur les données (structure sur les variables, hiérarchie sur les variables, structure sur les individus).
- une interface graphique est disponible.

Effectuez l'analyse factorielle des correspondances (AFC) du tableau à l'aide du package FactoMineR que vous aurez installé. Faites les choix suivants :

- lignes actives = les 13 tâches ménagères listées
- colonnes actives = les 4 possibilités

Créez un diagramme en bâtons pour étudier la décroissance de l'inertie des axes.

FIGURE 3 – AFC des tâches ménagères



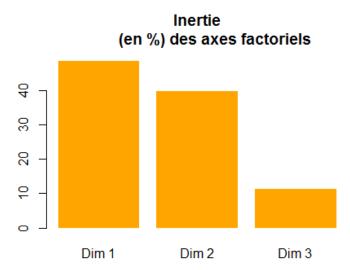


FIGURE 4 - Inertie des axes

La Figure 4 met en évidence deux axes prédominants, cumulant environ 85% de l'inertie. Comme en A.C.P, le premier axe est celui qui restitue la plus grande quantité d'inertie; le deuxième est celui qui, tout en étant orthogonal au premier (au sens de la métrique du khi-deux), en restitue aussi le maximum, et ainsi de suite. Vous pouvez également retenir les axes cumulant au moins 80% de l'inertie. Vous observez souvent de fortes valeurs propres au départ puis ensuite de faibles valeurs avec un décrochage dans le diagramme. Retenez les axes avant le décrochage. (Cette technique s'appelle la règle du coude). Vos pouvez retrouver l'inertie totale de deux façons, la première se fait à partir du test du Chi2. L'inertie en AFC est égale au Phi2, c'est-à-dire la valeur statistique du test du Chi2 divisée par l'effectif total du tableau de contingence :

```
> resu.chi2$statistic/sum(dataP[1:13,2:5])
X-squared
1.11494
```

- a) Affichez l'AFC avec les tâches à la place des numéros.
- b) Commentez les résultats de ce nouveau graphique.
- c) Retrouvez l'inertie totale en calculant la somme des inerties de tous les axes factoriels issus de l'AFC.
- d) Calculez le V de Cramer.
- e) Expliquez l'intérêt de cette valeur.
- f) Vérifiez cette valeur à l'aide de la fonction *cramer.v()* du package *questionr* (que vous devrez installer).

#### 1.3 ACM

Calculez la valeur propre moyenne. Déduisez-en le nombre d'axes dont l'inertie est supérieure à l'inertie moyenne par axe. Le nombre d'axes étant donné par min(ligne, colonne)-1 =3, l'inertie moyenne est calculée par :

```
> sum(res_exo2$eig[,1])/3
[1] 0.3716468
```

Or, les inerties des axes sont données par :

```
res_exo2$eig[,1]
[1] 0.5428893 0.4450028 0.1270484
```

Seules les deux premières dimensions ont donc une inertie supérieure à la moyenne.

```
res_exo2$eig
         eigenvalue
                                  percentage of variance
                percentage of variance cumulative
dim 1
       0.5428893
                                48.69222
                                   48.69222
dim 2
      0.4450028
                                39.91269
                                   88.60491
dim 3
      0.1270484
                                11.39509
                                   100.00000
```

En observant les eigen value, seules les deux premières dimensions sont donc potentiellement intéressantes. Le pourcentage de la variance cumulée est en effet de 88% ce qui est suffisant. Notez que par défaut, FactoMineR sort les deux premiers axes.

- a) Représentez l'AFC avec la troisième dimension.
- b) Affichez les coordonnées des modalités colonnes.
- c) Affichez la qualité de projection des modalités colonnes.
- d) Affichez la contribution des modalités colonnes aux axes factoriels.
- e) Affichez les coordonnées des modalités lignes dans le plan factoriel.
- f) Affichez la qualité de représentation des modalités lignes.
- g) Affichez les contribution des modalités lignes aux axes factoriels.

### 2 Pokemon

FIGURE 5 – Chasseur de pokemon douteux



source: https://elliemaloney.wordpress.com

## 2.1 Chargement des données

Commencez par charger les données du fichier *pokemon.csv*. Associez ces données à un dataframe, créez un sous ensemble composé exclusivement des informations suivantes : Type\_1, génération et légendaire. Transformez la colonne légendaire en type facteur, appliquez la fonction *summary()*. Il est également possible de télécharger le fichier *pokemon.csv* depuis la plate-forme Kaggle : https://www.kaggle.com/abcsds/pokemon.

```
> library(ade4)
> library(adegraphics)
 poke <- read.csv('C:/Users/claey/Documents/cour/My TD/TD2/pokemon
   .csv', na.strings=c("","NA"), sep =',')
> poke <- as.data.frame(poke)</pre>
> poke$Generation <- as.factor(poke$Generation)
> poke.x <- poke[,c(3,12,13)]
> summary(poke)
      Х.
                                    Name
      : 1.0
Min.
                Abomasnow
1st Qu.:184.8
                AbomasnowMega Abomasnow:
Median :364.5
                Abra
Mean :362.8
                Absol
 3rd Qu.:539.2 AbsolMega Absol
                                         1
Max. :721.0
                Accelgor
                (Other)
                                      :794
                   Type_2
                                Total
    Type_1
              Flying : 97
 Water :112
                           Min. :180.0
 Normal: 98
              Ground : 35
                            1st Qu.:330.0
 Grass : 70
              Poison : 34
                            Median :450.0
              Psychic : 33
                                   :435.1
 Bug
      : 69
                           Mean
 Psychic: 57 Fighting: 26
                             3rd Qu.:515.0
      : 52 (Other) :189
                                   :780.0
 Fire
                            Max.
 (Other):342 NA's
                     :386
      HР
                     Attack
                                Defense
```

```
Min. : 5
Min. : 1.00
                            Min. : 5.00
1st Qu.: 50.00
               1st Qu.: 55
                            1st Qu.: 50.00
Median : 65.00
               Median : 75
                            Median : 70.00
Mean : 69.26
                            Mean : 73.84
              Mean : 79
3rd Qu.: 80.00
              3rd Qu.:100
                            3rd Qu.: 90.00
Max. :255.00
              Max. :190
                            Max. :230.00
                  Sp..Def
  Sp..Atk
                                  Speed
Min. : 10.00
               Min. : 20.0
                              Min. : 5.00
1st Qu.: 49.75
               1st Qu.: 50.0
                              1st Qu.: 45.00
Median : 65.00
               Median : 70.0
                              Median : 65.00
Mean : 72.82
               Mean : 71.9
                              Mean : 68.28
               3rd Qu.: 90.0
3rd Qu.: 95.00
                              3rd Qu.: 90.00
Max. :194.00
               Max. :230.0
                              Max. :180.00
 Generation
               Legendary
Min. :1.000
               False:735
1st Qu.:2.000
               True : 65
Median :3.000
Mean :3.324
3rd Qu.:5.000
Max. :6.000
```

#### 2.2 ACM avec ade4

A l'aide de la librairie ade4 et adegraphics, appliquez la fonction dudi.acm() à votre sous jeu de données. Affichez les valeurs propres.

```
> install.packages("ade4")
> library(ade4)
> acmtot <- dudi.acm(poke.x,scannf=FALSE)
> barplot(acmtot$eig)
```

0.0 0.1 0.2 0.3 0.4

FIGURE 6 – Valeurs propres de l' ACM

Le nombre important des valeurs propres (liées, non aux variables mais aux modalités de ces variables) ne permet pas d'énoncer un critères de sélection du nombre de facteurs à conserver. Conservez 5 valeurs propres mais ne détaillez dans le TD que les deux premières. Vous pouvez cependant regarder les facteurs 3 et 4 et 5. La fonction score() permet de visualiser les variables qualitatives avec un facteur. Pour chaque variable, les individus sont positionnés sur l'axe des abscisses par leur score sur l'axe factoriel considéré, et sur l'axe des ordonnées par le score de la moda-

lité qu'ils portent. Le score d'une modalité est la moyenne des scores des individus

portant cette modalité, ce qui est mis en évidence par la première bissectrice.

> score(acmtot, xax=1)

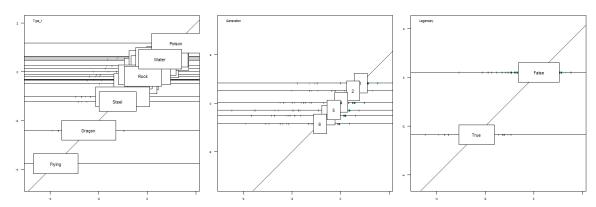
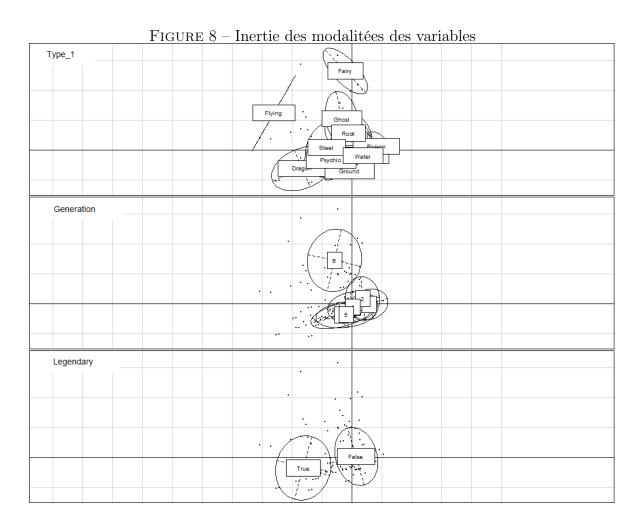


FIGURE 7 – Variables qualitatives avec un facteur sur deux axes

En gardant les quatre premiers facteurs, vous ne conservez que 16.06% de l'inertie

totale. Mais en pratique ce pourcentage est relativement courant. Vous pouvez représenter simultanément les individus et les modalités des variables sur un même graphique, démarche classique en analyse des données.

> scatter(acmtot)



- a) Affichez les rapports de corrélation pour le premier et deuxième facteur (en utilisant la liste de l'objet *acmtot*).
- b) Quelles modalités décrivent le mieux chaque axe?

> install.packages("PCAmixdata")

- c) À l'aide de la librarie vcd, utilisez la fonction assocstats() sur votre sous jeu de données (attention il faut le transformer en tableau de contingence avant). Commentez.
- d) Affichez la matrice de corrélation sur les variables quantitatives suivantes : Attack, Defense, Sp..Atk, Sp..Def et Speed.

#### 2.3 ACP mixte

Grâce à la librairie PCAmixdata, il est possible de réaliser une analyse en composantes principales sur un ensemble d'individus décris par un mélange de variables qualitatives et quantitatives. PCAmix() effectue une analyse ordinaire en composantes principales (ACP) et y associe une analyse de correspondance multiple (ACM). PCAmix utilise les rapports de corrélation au carré entre la variable qualitative et les composantes principales. Appliquez la fonction PCAmix() sur les variables quantitatives : Attack, Defense, Sp.. Atk , Sp.. Def et Speed ; et qualitatives : Type\_1.

```
> library(PCAmixdata)
> pcamix.temp<- PCAmix(subset(poke,select=c(7:11)) , subset(poke,</pre>
   select=c(3)))
#valeurs propres
> print(round(pcamix.temp$eig))
> print(round(pcamix.temp$eig))
       Eigenvalue Proportion Cumulative
dim 1
                 3
                            12
dim 2
                 2
                             7
                                         19
dim 3
                 1
                              6
                                         24
                              5
                                         29
dim 4
                 1
dim 5
                 1
                              5
                                         34
dim 6
                 1
                              5
                                         38
dim 7
                 1
                              5
                                         43
dim 8
                 1
                              5
                                         47
dim 9
                 1
                              5
                                         52
dim 10
                              5
                 1
                                         56
dim 11
                              5
                 1
                                         61
dim 12
                              5
                                         65
                 1
dim 13
                 1
                              5
                                         70
dim 14
                 1
                              5
                                         75
dim 15
                 1
                              5
                                         79
dim 16
                 1
                              5
                                         84
dim 17
                 1
                              5
                                         88
dim 18
                 1
                              4
                                         92
dim 19
                 1
                              3
                                         95
                 0
dim 20
                              2
                                         97
dim 21
                 0
                              2
                                         99
dim 22
                                        100
```

<sup>&</sup>gt; #correlations

<sup>&</sup>gt; print(round(pcamix.temp\$quanti.cor))

```
      dim1
      dim2
      dim3
      dim4
      dim5

      Attack
      1
      0
      0
      0
      0

      Defense
      1
      1
      0
      0
      0
      0

      Sp..Atk
      1
      0
      0
      0
      0
      0

      Sp..Def
      1
      -1
      0
      0
      0
      0

      Speed
      1
      -1
      0
      0
      0
      0
```

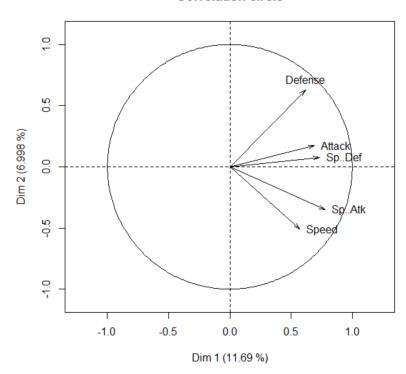
#coord. des modalites dudi.mix de ADE4
> print(round(pcamix.temp\$categ.coord))

> print(round(pcamix.temp\$categ.coord))

	dim1	dim2	dim3	dim4	dim5	
Bug	- 1	0	0	- 1	1	
Dark	0	0	1	0	0	
Dragon	1	0	1	1	1	
Electric	0	- 1	0	-2	- 1	
Fairy	0	0	-3	2	3	
Fighting	0	0	2	2	1	
Fire	0	- 1	0	1	- 1	
Flying	1	-2	1	-3	- 1	
Ghost	0	0	-1	0	0	
Grass	0	0	-1	1	- 1	
Ground	0	1	2	0	- 1	
Ice	0	0	-1	1	1	
Normal	-1	0	1	-1	1	
Poison	0	0	0	0	0	
Psychic	1	- 1	-1	- 1	1	
Rock	0	2	0	0	0	
Steel	1	3	-1	-2	- 1	
Water	0	0	0	0	- 1	

FIGURE 9 – Cercle de corrélation de pcamix.temp

#### **Correlation circle**



Pour une variable quantitative, les rapport de corrélation au carré sont la corrélation au carré entre la variable et les composantes principales.

FIGURE 10 – Rapports de corrélation de pcamix.temp

## **Squared loadings**

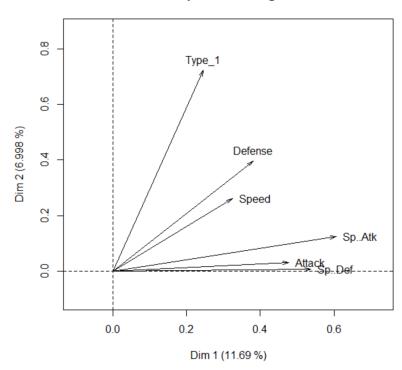
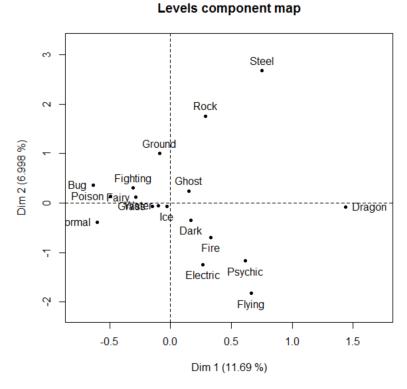


FIGURE 11 – Carte des composante de *pcamix.temp* 



- a) Réalisez cette ACP mixe en remplaçant le *Type\_1* par le nom des pokemons.
- b) Observez et commentez les coordonnées du pokemon Pikachu sur l'ACP mixte.
- c) Appliquez la fonction FAMD() à votre dataframe poke. Observez le résultat avec la fonction smmary().
- d) Expliquez ce qu'est la fonction *FAMD()* et son utilité.