

Дерева рішень (для проблем регресії)

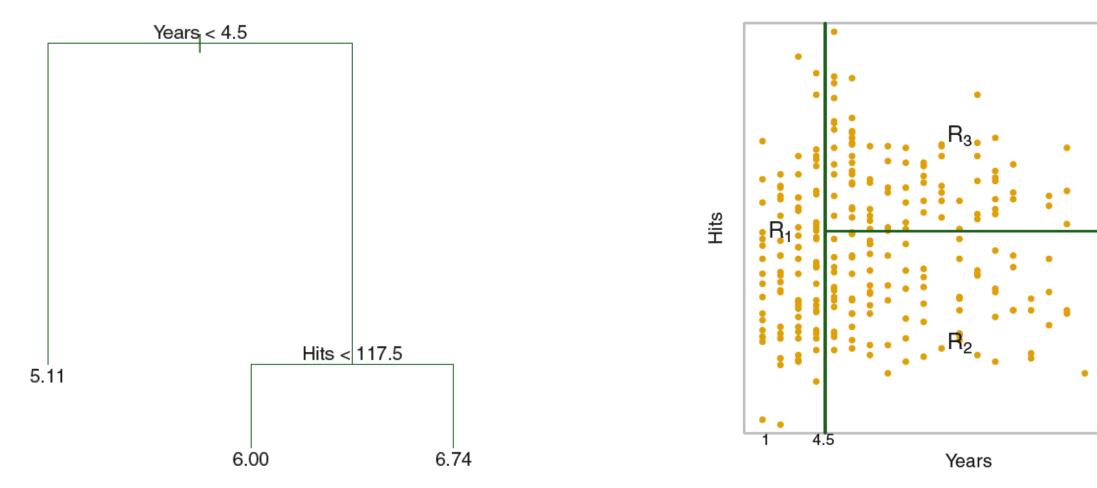
Дерева рішень (для проблем регресії)

Приклад. Передбачення зарплати бейсболістів (Salary) за стажем гравця (Years) та кількістю влучань (Hits), використовуючи набір даних Hitters.

Дерева рішень (для проблем регресії)

Приклад. Передбачення зарплати бейсболістів (Salary) за стажем гравця (Years) та кількістю влучань (Hits), використовуючи набір даних Hitters.

117.5





Інтерпретація: Years ϵ найважливішим фактором при визначенні зарплати: гравці з меншим досвідом отримують істотно нижчі зарплати, ніж досвідченіші гравці.

Інтерпретація: Years ϵ найважливішим фактором при визначенні зарплати: гравці з меншим досвідом отримують істотно нижчі зарплати, ніж досвідченіші гравці. Для менш досвідченого гравця, Hits, які він зробив попереднього року відігра ϵ незначну роль у його зарплаті.

Побудова дерева (два кроки):

Побудова дерева (два кроки):

1. Поділити весь простір предикторів $X_1, X_2, ..., X_p$ на J областей, що не перетинаються $R_1, R_2, ..., R_J$.

Побудова дерева (два кроки):

- 1. Поділити весь простір предикторів $X_1, X_2, ..., X_p$ на J областей, що не перетинаються $R_1, R_2, ..., R_J$.
- 2. Для кожного спостереження, що попадає в R_i ми будуємо однакові передбачення, що дорівнюють, наприклад, середньому значенню залежної змінної в цій області.

$$\sum_{j=1}^{J} \sum_{i \in R_j} (y_i - \hat{y}_{R_j})^2$$

$$\sum_{j=1}^{J} \sum_{i \in R_j} (y_i - \hat{y}_{R_j})^2$$

Рекурсивний бінарний поділ: вибираємо предиктор X_j та точку поділу s так, щоб розбиття на області $R_1(j,s)=\{X\mid X_j< s\}$ та $R_2(j,s)=\{X\mid X_j\geq s\}$ давало найменший RSS, тобто вибираємо j та s так, щоб мінімізувати

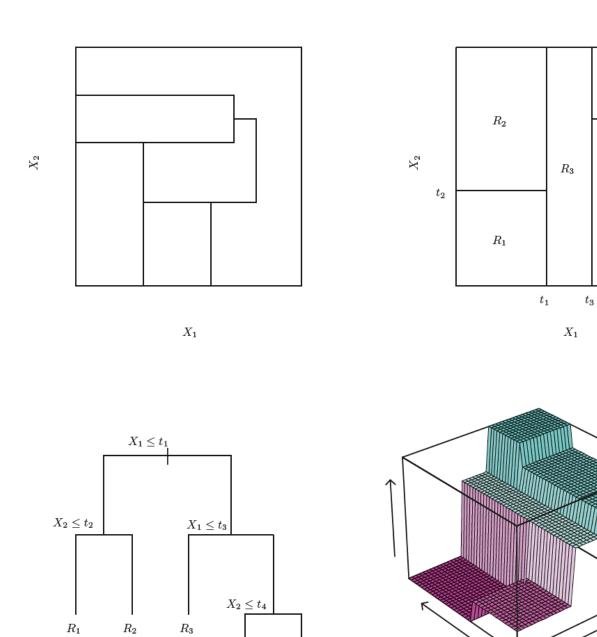
$$\sum_{i: x_i \in R_1(j,s)} (y_i - \hat{y}_{R_1})^2 + \sum_{i: x_i \in R_2(j,s)} (y_i - \hat{y}_{R_2})^2$$

$$\sum_{j=1}^{J} \sum_{i \in R_j} (y_i - \hat{y}_{R_j})^2$$

Рекурсивний бінарний поділ: вибираємо предиктор X_j та точку поділу s так, щоб розбиття на області $R_1(j,s)=\{X\mid X_j< s\}$ та $R_2(j,s)=\{X\mid X_j\geq s\}$ давало найменший RSS, тобто вибираємо j та s так, щоб мінімізувати

$$\sum_{i: x_i \in R_1(j,s)} (y_i - \hat{y}_{R_1})^2 + \sum_{i: x_i \in R_2(j,s)} (y_i - \hat{y}_{R_2})^2$$

Далі продовжуємо так само на одній з областей поки не досягнемо потрібного правила зупинки.



 R_4

 R_5

 X_2

 R_5

 R_4

 X_1

 t_4



Cost complexity pruning:

$$\sum_{m=1}^{|T|} \sum_{i: x_i \in R_m} (y_i - \hat{y}_{R_m})^2 + \alpha |T|$$

Cost complexity pruning:

$$\sum_{m=1}^{|T|} \sum_{i: x_i \in R_m} (y_i - \hat{y}_{R_m})^2 + \alpha |T|$$

Алгоритм:

Cost complexity pruning:

$$\sum_{m=1}^{|T|} \sum_{i: x_i \in R_m} (y_i - \hat{y}_{R_m})^2 + \alpha |T|$$

Алгоритм:

1. Використовуючи рекурсивний бінарний поділ, виростити велике дерево на тренувальних даних, зупинившись лише тоді, коли кожна область містить менше спостережень, ніж деяка мінімальна кількість.

Cost complexity pruning:

$$\sum_{m=1}^{|T|} \sum_{i: x_i \in R_m} (y_i - \hat{y}_{R_m})^2 + \alpha |T|$$

Алгоритм:

- 1. Використовуючи рекурсивний бінарний поділ, виростити велике дерево на тренувальних даних, зупинившись лише тоді, коли кожна область містить менше спостережень, ніж деяка мінімальна кількість.
- 2. Побудувати послідовність «найкращих» піддерев як функцію від α .

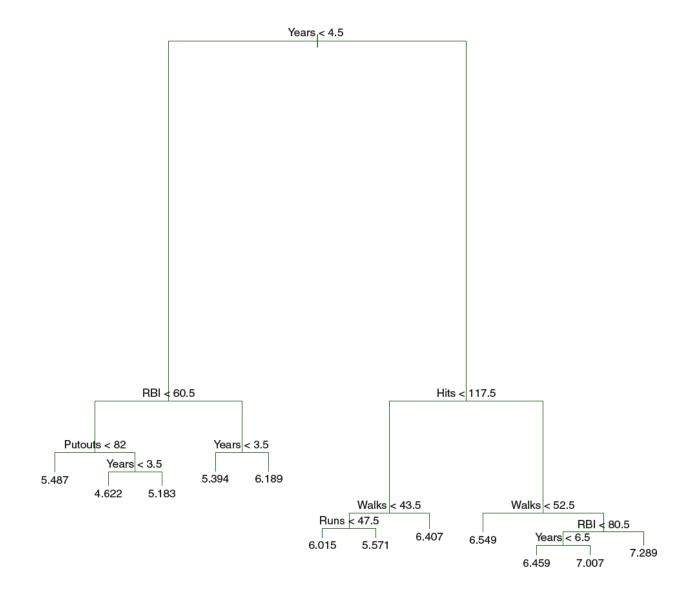
3. Використовуючи перехресну перевірку вибрати α:

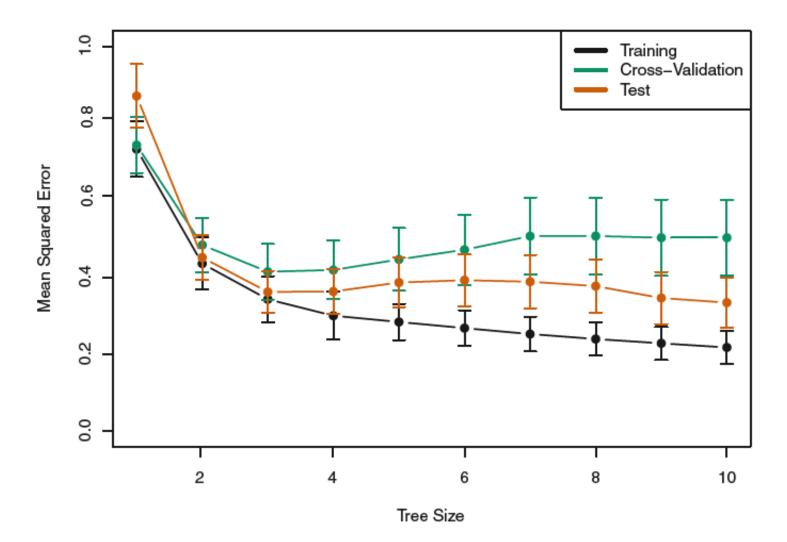
3. Використовуючи перехресну перевірку вибрати α :

4. Повернути піддерево з кроку 2, яке відповідає вибраному значенню α .

3. Використовуючи перехресну перевірку вибрати α :

4. Повернути піддерево з кроку 2, яке відповідає вибраному значенню α .





Критерій для бінарного поділу:

Критерій для бінарного поділу:

Частота помилок класифікації (Classification error rate)

$$E = 1 - \max_{k} (\hat{p}_{mk})$$

Критерій для бінарного поділу:

Частота помилок класифікації (Classification error rate)

$$E = 1 - \max_{k} (\hat{p}_{mk})$$

Індекс Gini (Gini index)

$$G = \sum_{k=1}^{K} \hat{p}_{mk} (1 - \hat{p}_{mk})$$

Критерій для бінарного поділу:

Частота помилок класифікації (Classification error rate)

$$E = 1 - \max_{k} (\hat{p}_{mk})$$

Індекс Gini (Gini index)

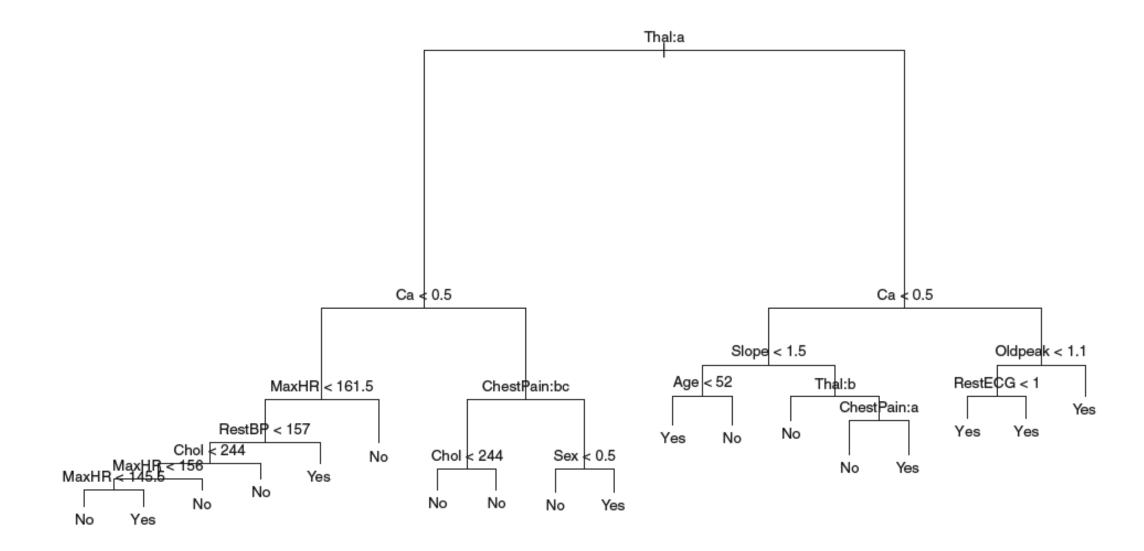
$$G = \sum_{k=1}^{K} \hat{p}_{mk} (1 - \hat{p}_{mk})$$

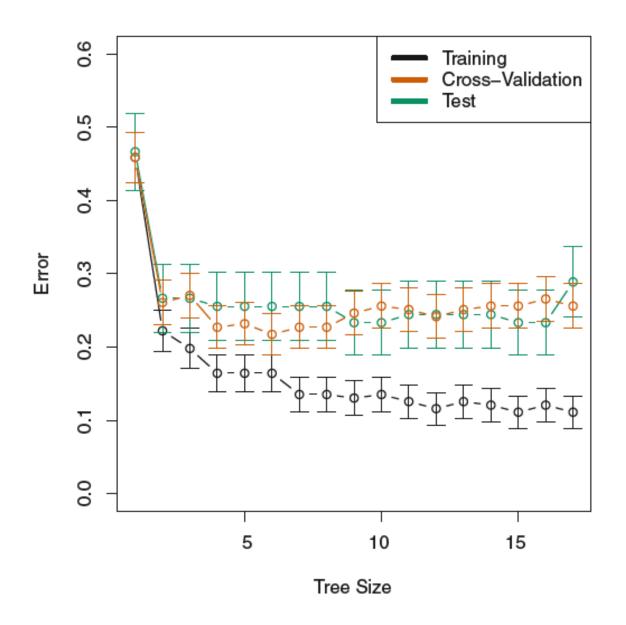
Перехресна ентропія (cross-entropy index)

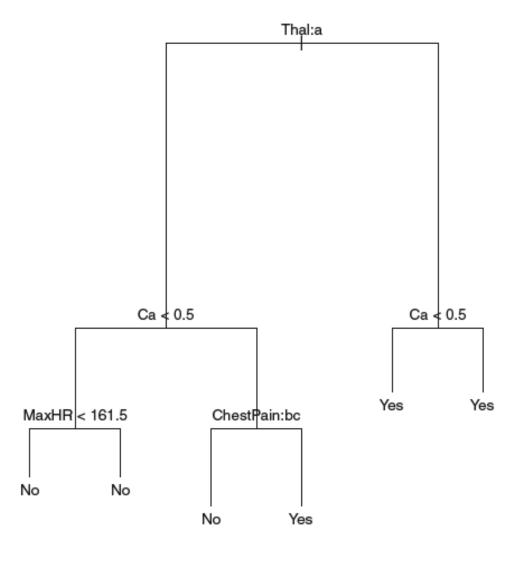
$$D = -\sum_{k=1}^{K} \hat{p}_{mk} \log \hat{p}_{mk}$$

Приклад. Набір даних Heart з 13 предикторами.

Приклад. Набір даних Heart з 13 предикторами.







Порівняння лінійної регресії та дерева рішень.

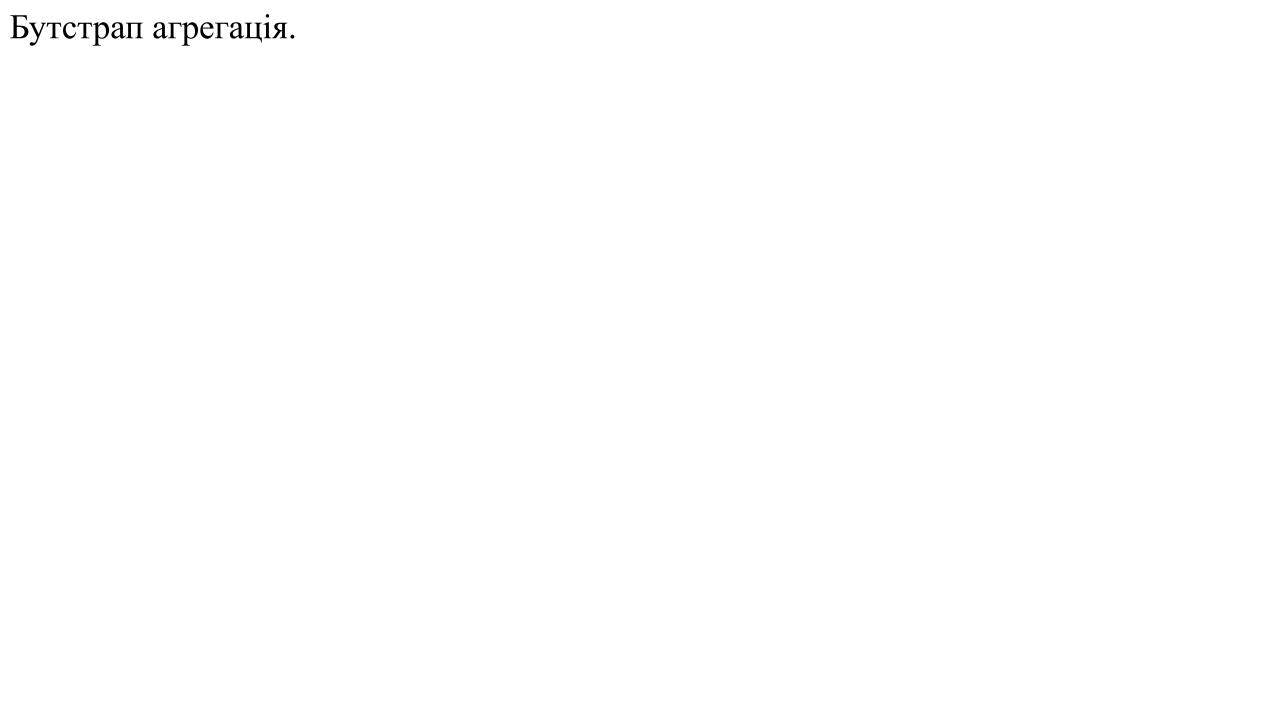
$$f(X) = \beta_0 + \sum_{j=1}^{p} X_j \beta_j$$

$$f(X) = \sum_{m=1}^{M} c_m \cdot 1_{(X \in R_m)}$$

Порівняння лінійної регресії та дерева рішень.

$$f(X) = \beta_0 + \sum_{j=1}^{p} X_j \beta_j$$

$$f(X) = \sum_{m=1}^{M} c_m \cdot 1_{(X \in R_m)}$$



Бутстрап агрегація.

Обчислюємо $\hat{f}^1(x), \hat{f}^{\bar{2}}(x), \dots, \hat{f}^B(x)$ використовуючи B різних навчальних наборів даних і усереднюємо результати

$$\hat{f}_{\text{avg}}(x) = \frac{1}{B} \sum_{b=1}^{B} \hat{f}^b(x)$$

Бутстрап агрегація.

Обчислюємо $\hat{f}^1(x), \hat{f}^2(x), \dots, \hat{f}^B(x)$ використовуючи B різних навчальних наборів даних і усереднюємо результати

$$\hat{f}_{\text{avg}}(x) = \frac{1}{B} \sum_{b=1}^{B} \hat{f}^b(x)$$

ООВ оцінка помилки: в середньому при бутстрапі ми використовуємо 2/3 обсягу усіх даних, отже решту можна розглянути як тестовий набір даних і для всіх дерев, для яких певне спостереження попадає в цей набір можемо оцінити помилку, усереднивши яку за всіма розглянутими деревами, отримаємо оцінку помилки.

Бутстрап агрегація.

Обчислюємо $\hat{f}^1(x), \hat{f}^2(x), \dots, \hat{f}^B(x)$ використовуючи B різних навчальних наборів даних і усереднюємо результати

$$\hat{f}_{\text{avg}}(x) = \frac{1}{B} \sum_{b=1}^{B} \hat{f}^b(x)$$

ООВ оцінка помилки: в середньому при бутстрапі ми використовуємо 2/3 обсягу усіх даних, отже решту можна розглянути як тестовий набір даних і для всіх дерев, для яких певне спостереження попадає в цей набір можемо оцінити помилку, усереднивши яку за всіма розглянутими деревами, отримаємо оцінку помилки.

Також розглянутий метод дозволяє оцінити важливість кожного з предикторів.

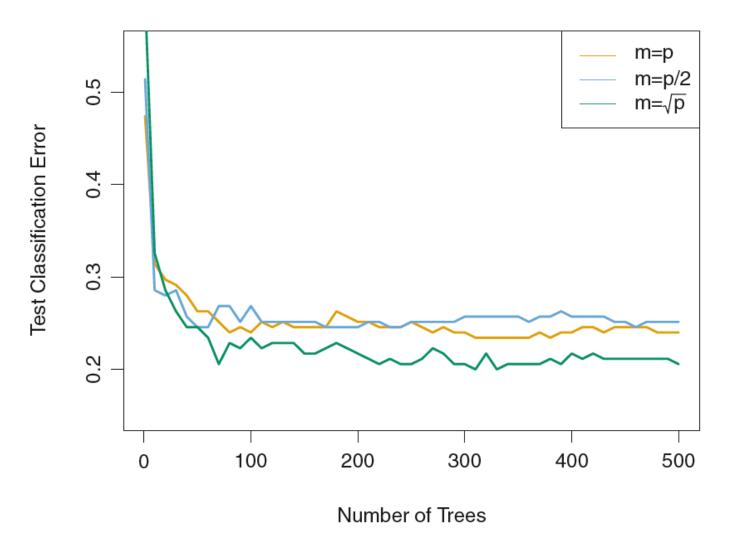
Випадкові ліси.

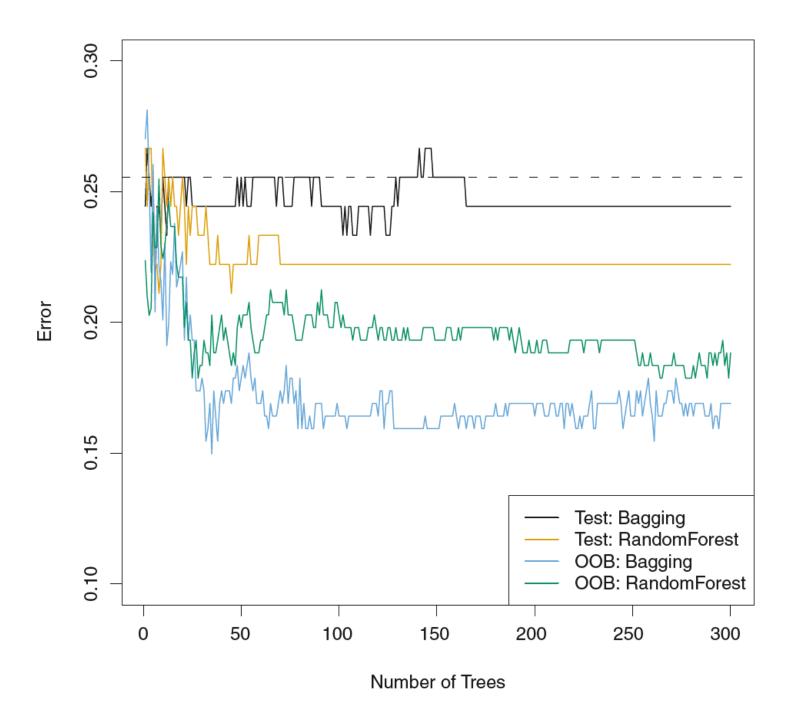
Випадкові ліси.

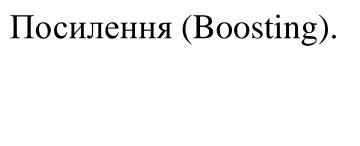
Ідея така ж, як і при бутстрап агрегації за винятком того, що при кожному поділі ми випадковим чином вибираємо m предикторів як кандидатів для поділу.

Випадкові ліси.

Ідея така ж, як і при бутстрап агрегації за винятком того, що при кожному поділі ми випадковим чином вибираємо m предикторів як кандидатів для поділу.







Цей метод не використовує бутстрап, кожне наступне дерево будується на модифікованій множині початкових даних.

Цей метод не використовує бутстрап, кожне наступне дерево будується на модифікованій множині початкових даних.

Алгоритм.

1. Покласти $\hat{f}(x) = 0$ та $r_i = y_i$ для всіх i з навчального набору.

Цей метод не використовує бутстрап, кожне наступне дерево будується на модифікованій множині початкових даних.

Алгоритм.

- 1. Покласти $\hat{f}(x) = 0$ та $r_i = y_i$ для всіх i з навчального набору.
- 2. Для b = 1, 2, ..., B повторити
- 2.1. Побудувати дерево \hat{f}^b використовуючи d поділів на даних (X, r)

Цей метод не використовує бутстрап, кожне наступне дерево будується на модифікованій множині початкових даних.

Алгоритм.

- 1. Покласти $\hat{f}(x) = 0$ та $r_i = y_i$ для всіх i з навчального набору.
- 2. Для b = 1, 2, ..., B повторити
- 2.1. Побудувати дерево \hat{f}^b використовуючи d поділів на даних (X, r)
- 2.2. Оновити \hat{f} за правилом

$$\hat{f}(x) \leftarrow \hat{f}(x) + \lambda \hat{f}^b(x)$$

2.3. Оновити залишки

$$r_i \leftarrow r_i - \lambda \hat{f}^b(x_i)$$

2.3. Оновити залишки

$$r_i \leftarrow r_i - \lambda \hat{f}^b(x_i)$$

3. Вивести підсилену модель

$$\hat{f}(x) = \sum_{b=1}^{B} \lambda \hat{f}^b(x)$$

Метод підсилення грунтується на трьох параметрах:

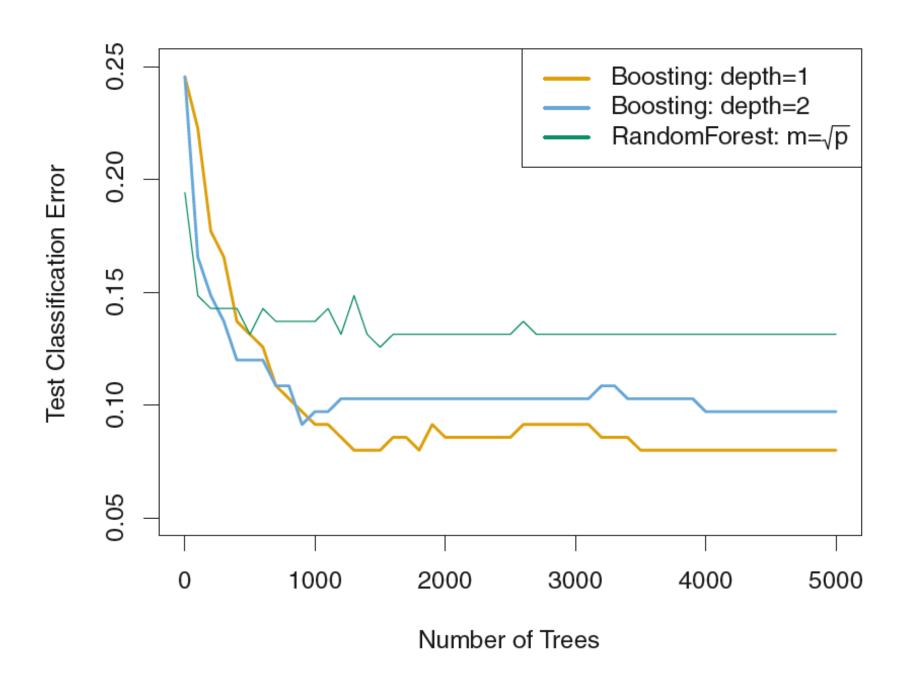
1. Кількість дерев B. На відміну від бутстрап агрегації та випадкових лісів, посилення може призвести до переоцінки, якщо B занадто велике. Ми використовуємо перехресну перевірку для вибору B.

Метод підсилення грунтується на трьох параметрах:

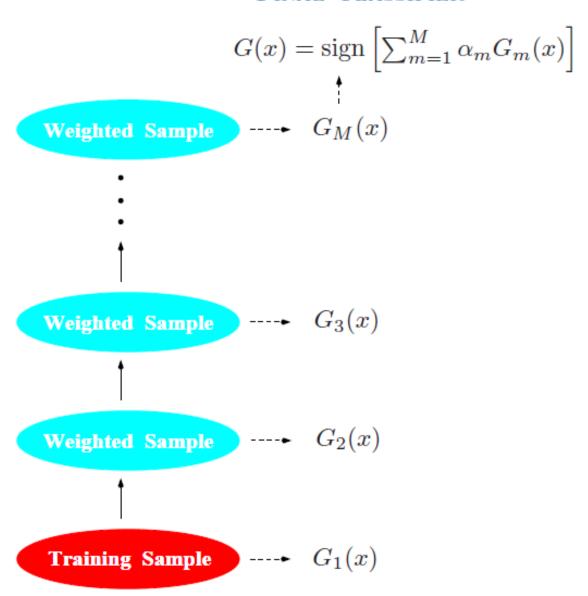
- 1. Кількість дерев B. На відміну від бутстрап агрегації та випадкових лісів, посилення може призвести до переоцінки, якщо B занадто велике. Ми використовуємо перехресну перевірку для вибору B.
- 2. Параметр стиснення λ , невелике додатне число. Цей параметр контролює швидкість, з якою навчається підсилення. Типовими значеннями є 0,01 або 0,001, і правильний вибір може залежати від завдання. Дуже мале значення λ може вимагати використання дуже великого В для досягнення хороших показників.

Метод підсилення грунтується на трьох параметрах:

- 1. Кількість дерев B. На відміну від бутстрап агрегації та випадкових лісів, посилення може призвести до переоцінки, якщо B занадто велике. Ми використовуємо перехресну перевірку для вибору B.
- 2. Параметр стиснення λ , невелике додатне число. Цей параметр контролює швидкість, з якою навчається підсилення. Типовими значеннями є 0,01 або 0,001, і правильний вибір може залежати від завдання. Дуже мале значення λ може вимагати використання дуже великого В для досягнення хороших показників.
- 3. Кількість розділів кожного дерева d контролює складність методу підсилення. Часто d = 1 працює добре, і в цьому випадку кожне дерево складається з єдиного поділу. Більш загально d глибина взаємодії. Цей параметр контролює порядок взаємодії підсиленої моделі, оскільки в цьому випадку розбиття може включати не більше d змінних.



FINAL CLASSIFIER



1. Ініціалізуємо ваги для спостережень $w_i = 1/N, i = 1, 2, ..., N$.

- 1. Ініціалізуємо ваги для спостережень $w_i = 1/N, i = 1, 2, ..., N$.
- 2. Для m = 1 ... M:
- 2.1. Будуємо слабкий класифікатор $G_m(x)$ на тренувальних даних з врахуванням їх ваг w_i .

- 1. Ініціалізуємо ваги для спостережень $w_i = 1/N, i = 1, 2, ..., N$.
- 2. Для m = 1 ... M:
- 2.1. Будуємо слабкий класифікатор $G_m(x)$ на тренувальних даних з врахуванням їх ваг w_i .
 - 2.2. Обчислюємо $\operatorname{err}_m = \frac{\sum_{i=1}^N w_i I(y_i \neq G_m(x_i))}{\sum_{i=1}^N w_i}.$

- 1. Ініціалізуємо ваги для спостережень $w_i = 1/N, i = 1, 2, ..., N$.
- 2. Для m = 1 ... M:
- 2.1. Будуємо слабкий класифікатор $G_m(x)$ на тренувальних даних з врахуванням їх ваг w_i .
 - 2.2. Обчислюємо $\operatorname{err}_m = \frac{\sum_{i=1}^N w_i I(y_i \neq G_m(x_i))}{\sum_{i=1}^N w_i}.$
 - 2.3. Обчислюємо $\alpha_m = \log((1 \text{err}_m)/\text{err}_m)$.

- 1. Ініціалізуємо ваги для спостережень $w_i = 1/N, i = 1, 2, ..., N$.
- 2. Для m = 1 ... M:
- 2.1. Будуємо слабкий класифікатор $G_m(x)$ на тренувальних даних з врахуванням їх ваг w_i .

2.2. Обчислюємо
$$\operatorname{err}_m = \frac{\sum_{i=1}^N w_i I(y_i \neq G_m(x_i))}{\sum_{i=1}^N w_i}.$$

- 2.3. Обчислюємо $\alpha_m = \log((1 \text{err}_m)/\text{err}_m)$.
- 2.4. Модифікуємо ваги $w_i \leftarrow w_i \cdot \exp[\alpha_m \cdot I(y_i \neq G_m(x_i))], i = 1, 2, ..., N.$

- 1. Ініціалізуємо ваги для спостережень $w_i = 1/N, i = 1, 2, ..., N$.
- 2. Для m = 1 ... M:
- 2.1. Будуємо слабкий класифікатор $G_m(x)$ на тренувальних даних з врахуванням їх ваг w_i .

2.2. Обчислюємо
$$\operatorname{err}_m = \frac{\sum_{i=1}^N w_i I(y_i \neq G_m(x_i))}{\sum_{i=1}^N w_i}.$$

- 2.3. Обчислюємо $\alpha_m = \log((1 \text{err}_m)/\text{err}_m)$.
- 2.4. Модифікуємо ваги $w_i \leftarrow w_i \cdot \exp[\alpha_m \cdot I(y_i \neq G_m(x_i))], i = 1, 2, ..., N.$
- 3. Отримуємо $G(x) = \text{sign} \left[\sum_{m=1}^{M} \alpha_m G_m(x) \right].$

Приклад. $X_1, X_2, ..., X_{10}$ – незалежні стандартно нормально розподілені випадкові величини.

$$Y = \begin{cases} 1, & \text{skyo } \sum_{i=1}^{10} X_i^2 > \chi_{10}^2(0.5) \\ -1, & \text{ihakwe} \end{cases}$$

Приклад. $X_1, X_2, ..., X_{10}$ – незалежні стандартно нормально розподілені випадкові величини.

$$Y = \begin{cases} 1, & \text{skyo } \sum_{i=1}^{10} X_i^2 > \chi_{10}^2(0.5) \\ -1, & \text{ihakwe} \end{cases}$$

Тренувальна вибірка складається з 2000 спостережень (близько 1000 спостережень з кожного класу) і 10000 тестових спостережень.

Приклад. $X_1, X_2, ..., X_{10}$ – незалежні стандартно нормально розподілені випадкові величини.

$$Y = \begin{cases} 1, & \text{skyo } \sum_{i=1}^{10} X_i^2 > \chi_{10}^2(0.5) \\ -1, & \text{ihakwe} \end{cases}$$

Тренувальна вибірка складається з 2000 спостережень (близько 1000 спостережень з кожного класу) і 10000 тестових спостережень.

Використання дерева з d=2 вузлами призводить до тестової помилки 45,8%.

Приклад.

