kwashiorkor_gen_k84B: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.85	-0.57	-0.65	-0.84	0.42	0.20	-0.46	-0.60	0.23	-0.63	0.27	0.82	-0.31	-0.46
elm2:Prevotella	-0.85	1.00	0.42	0.77	0.80	0.07	-0.65	0.36	0.81	-0.67	0.83	-0.67	-0.47	0.39	0.37
elm3:Blautia	-0.57	0.42	1.00	0.33	0.60	-0.07	-0.09	0.15	0.73	-0.14	0.23	-0.23	-0.45	0.46	0.10
elm4:Faecalibacterium	-0.65	0.77	0.33	1.00	0.76	0.01	-0.72	0.82	0.64	-0.73	0.64	-0.68	-0.58	0.29	0.82
elm5:Bacteroides	-0.84	0.80	0.60	0.76	1.00	-0.31	-0.33	0.64	0.64	-0.51	0.83	-0.60	-0.74	0.72	0.48
elm6:Collinsella	0.42	0.07	-0.07	0.01	-0.31	1.00	-0.68	-0.41	0.40	-0.58	0.01	-0.51	0.77	-0.04	-0.33
elm7:Lactobacillus	0.20	-0.65	-0.09	-0.72	-0.33	-0.68	1.00	-0.28	-0.70	0.93	-0.53	0.85	-0.12	-0.16	-0.34
elm8:Eubacterium	-0.46	0.36	0.15	0.82	0.64	-0.41	-0.28	1.00	0.15	-0.37	0.38	-0.33	-0.74	0.23	0.93
elm9:Roseburia	-0.60	0.81	0.73	0.64	0.64	0.40	-0.70	0.15	1.00	-0.69	0.58	-0.70	-0.20	0.42	0.17
elm10:Veillonella	0.23	-0.67	-0.14	-0.73	-0.51	-0.58	0.93	-0.37	-0.69	1.00	-0.72	0.98	-0.05	-0.49	-0.30
elm11:Dorea	-0.63	0.83	0.23	0.64	0.83	0.01	-0.53	0.38	0.58	-0.72	1.00	-0.80	-0.35	0.74	0.20
elm12:Mastadenovirus	0.27	-0.67	-0.23	-0.68	-0.60	-0.51	0.85	-0.33	-0.70	0.98	-0.80	1.00	-0.02	-0.65	-0.20
elm13:Streptococcus	0.82	-0.47	-0.45	-0.58	-0.74	0.77	-0.12	-0.74	-0.20	-0 <u>.0</u> 5	-0.35	-0.02	1.00	-0.21	-0.70
elm14:Ruminococcus	-0.31	0.39	0.46	0.29	0.72	-0.04	-0.16	0.23	0.42	-0.49	0.74	-0.65	-0.21	1.00	-0.09
elm15:Phascolarctobacterium	-0.46	0.37	0.10	0.82	0.48	-0.33	-0.34	0.93	0.17	-0.30	0.20		-0.70	-0.09	1.00
	TU/S	54/s	6//19	6/1/2	elms	94/10	<4/1/2	84/18	64/10	oru ₁ 0	elm ₁	<714/18	e/n13	eln14	elm15