

LEA\_gem\_ob\_e2: elm correlation matrix

elm1: *_	1.00	0.84	0.55	0.91	0.89	0.22	0.81	0.40	0.97	-0.15	-0.19	0.78	-0.44	0.27	0.35
elm2: *_	0.84	1.00	0.23	0.73	0.55	0.17	0.86	0.46	0.68	0.11	-0.17	0.41	-0.68	0.71	0.03
elm3: *_Blautia	0.55	0.23	1.00	0.29	0.69	0.81	0.63	0.64	0.69	-0.80	0.59	0.46	0.34	0.03	0.76
elm4: *_Roseburia	0.91	0.73	0.29	1.00	0.88	-0.07	0.59	-0.01	0.87	-0.02	-0.47	0.90	-0.65	0.09	0.03
elm5: *_Faecalibacterium	0.89	0.55	0.69	0.88	1.00	0.31	0.66	0.18	0.95	-0.45	-0.08	0.94	-0.29	-0.04	0.34
elm6: *_Lachnospiraceae;Other	0.22	0.17	0.81	-0.07	0.31	1.00	0.64	0.67	0.28	-0.86	0.91	0.03	0.26	0.40	0.43
elm7: *_Ruminococcus	0.81	0.86	0.63	0.59	0.66	0.64	1.00	0.67	0.73	-0.39	0.31	0.42	-0.39	0.70	0.27
elm8: *_	0.40	0.46	0.64	-0.01	0.18	0.67	0.67	1.00	0.39	-0.27	0.55	-0.14	0.30	0.55	0.73
elm9: *_Bacteroides	0.97	0.68	0.69	0.87	0.95	0.28	0.73	0.39	1.00	-0.29	-0.12	0.85	-0.25	0.07	0.50
elm10: *_Streptococcus	-0.15	0.11	-0.80	-0.02	-0.45	-0.86	-0.39	-0.27	-0.29	1.00	-0.77	-0.30	-0.29	0.03	-0.33
elm11: *_Collinsella	-0.19	-0.17	0.59	-0.47	-0.08	0.91	0.31	0.55	-0.12	-0.77	1.00	-0.33	0.49	0.29	0.35
elm12: *_Lachnospira	0.78	0.41	0.46	0.90	0.94	0.03	0.42	-0.14	0.85	-0.30	-0.33	1.00	-0.38	-0.25	0.14
elm13: *_Lactococcus	-0.44	-0.68	0.34	-0.65	-0.29	0.26	-0.39	0.30	-0.25	-0.29	0.49	-0.38	1.00	-0.48	0.67
elm14: *_Ruminococcaceae;Other	0.27	0.71	0.03	0.09	-0.04	0.40	0.70	0.55	0.07	0.03	0.29	-0.25	-0.48	1.00	-0.17
elm15: *_Turicibacter	0.35	0.03	0.76	0.03	0.34	0.43	0.27	0.73	0.50	-0.33	0.35	0.14	0.67	-0.17	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15