

kwashiorkor_gen_h_h95A: elm correlation matrix

elm1:Prevotella	1.00	0.94	-0.38	-1.00	0.93	-0.92	-0.92	1.00	-0.44	-0.72	-0.88	-1.00	-0.99	-0.64	0.73
elm2:Faecalibacterium	0.94	1.00	-0.67	-0.92	1.00	-1.00	-0.73	0.94	-0.72	-0.44	-0.66	-0.95	-0.97	-0.33	0.92
elm3:Eubacterium	-0.38	-0.67	1.00	0.32	-0.69	0.71	-0.01	-0.37	1.00	-0.37	-0.11	0.42	0.49	-0.47	-0.91
elm4:Lactobacillus	-1.00	-0.92	0.32	1.00	-0.91	0.90	0.94	-1.00	0.39	0.76	0.90	0.99	0.98	0.68	-0.69
elm5:Bifidobacterium	0.93	1.00	-0.69	-0.91	1.00	-1.00	-0.71	0.93	-0.74	-0.42	-0.64	-0.95	-0.97	-0.31	0.93
elm6:Bacteroides	-0.92	-1.00	0.71	0.90	-1.00	1.00	0.70	-0.92	0.75	0.40	0.62	0.94	0.96	0.29	-0.94
elm7:Ruminococcus	-0.92	-0.73	-0.01	0.94	-0.71	0.70	1.00	-0.93	0.05	0.93	0.99	0.90	0.87	0.89	-0.41
elm8:Blautia	1.00	0.94	-0.37	-1.00	0.93	-0.92	-0.93	1.00	-0.43	-0.73	-0.88	-1.00	-0.99	-0.64	0.72
elm9:Streptococcus	-0.44	-0.72	1.00	0.39	-0.74	0.75	0.05	-0.43	1.00	-0.31	-0.05	0.48	0.55	-0.41	-0.93
elm10:Mitsuokella	-0.72	-0.44	-0.37	0.76	-0.42	0.40	0.93	-0.73	-0.31	1.00	0.97	0.69	0.63	0.99	-0.05
elm11:Coprococcus	-0.88	-0.66	-0.11	0.90	-0.64	0.62	0.99	-0.88	-0.05	0.97	1.00	0.85	0.81	0.93	-0.31
elm12:Roseburia	-1.00	-0.95	0.42	0.99	-0.95	0.94	0.90	-1.00	0.48	0.69	0.85	1.00	1.00	0.60	-0.76
elm13:Alistipes	-0.99	-0.97	0.49	0.98	-0.97	0.96	0.87	-0.99	0.55	0.63	0.81	1.00	1.00	0.54	-0.81
elm14:Dorea	-0.64	-0.33	-0.47	0.68	-0.31	0.29	0.89	-0.64	-0.41	0.99	0.93	0.60	0.54	1.00	0.06
elm15:Collinsella	0.73	0.92	-0.91	-0.69	0.93	-0.94	-0.41	0.72	-0.93	-0.05	-0.31	-0.76	-0.81	0.06	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15