

kwashiorkor_gen_h_h37A: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.03	0.95	-0.73	-0.11	-0.15	-0.15	-0.14	0.07	0.99	1.00	0.39	-0.08	-0.14	0.92
elm2:Prevotella	-0.03	1.00	0.29	-0.65	1.00	0.99	0.99	0.99	0.99	-0.13	0.00	0.91	1.00	0.99	0.36
elm3:Lactobacillus	0.95	0.29	1.00	-0.91	0.22	0.18	0.18	0.19	0.39	0.91	0.96	0.67	0.25	0.19	1.00
elm4:Streptococcus	-0.73	-0.65	-0.91	1.00	-0.60	-0.56	-0.56	-0.57	-0.73	-0.66	-0.76	-0.91	-0.62	-0.57	-0.94
elm5:Faecalibacterium	-0.11	1.00	0.22	-0.60	1.00	1.00	1.00	1.00	0.98	-0.21	-0.08	0.87	1.00	1.00	0.28
elm6:Megasphaera	-0.15	0.99	0.18	-0.56	1.00	1.00	1.00	1.00	0.98	-0.25	-0.12	0.85	1.00	1.00	0.24
elm7:Bacteroides	-0.15	0.99	0.18	-0.56	1.00	1.00	1.00	1.00	0.98	-0.25	-0.11	0.86	1.00	1.00	0.25
elm8:Ruminococcus	-0.14	0.99	0.19	-0.57	1.00	1.00	1.00	1.00	0.98	-0.24	-0.11	0.86	1.00	1.00	0.25
elm9:Mitsuokella	0.07	0.99	0.39	-0.73	0.98	0.98	0.98	0.98	1.00	-0.03	0.10	0.95	0.99	0.98	0.45
elm10:Collinsella	0.99	-0.13	0.91	-0.66	-0.21	-0.25	-0.25	-0.24	-0.03	1.00	0.99	0.29	-0.18	-0.24	0.88
elm11:Veillonella	1.00	0.00	0.96	-0.76	-0.08	-0.12	-0.11	-0.11	0.10	0.99	1.00	0.42	-0.04	-0.11	0.93
elm12:Dorea	0.39	0.91	0.67	-0.91	0.87	0.85	0.86	0.86	0.95	0.29	0.42	1.00	0.89	0.86	0.71
elm13:Blautia	-0.08	1.00	0.25	-0.62	1.00	1.00	1.00	1.00	0.99	-0.18	-0.04	0.89	1.00	1.00	0.32
elm14:Roseburia	-0.14	0.99	0.19	-0.57	1.00	1.00	1.00	1.00	0.98	-0.24	-0.11	0.86	1.00	1.00	0.25
elm15:Clostridium	0.92	0.36	1.00	-0.94	0.28	0.24	0.25	0.25	0.45	0.88	0.93	0.71	0.32	0.25	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15