

kwashiorkor\_gen\_h80A: elm correlation matrix

elm1:Prevotella	1.00	0.49	0.38	0.08	0.68	0.62	0.66	0.02	0.70	-0.09	0.04	0.58	0.43	0.40	0.65
elm2:Bacteroides	0.49	1.00	0.97	0.61	-0.03	0.14	-0.21	0.62	0.73	0.16	0.85	0.94	1.00	0.99	0.96
elm3:Faecalibacterium	0.38	0.97	1.00	0.51	-0.06	0.16	-0.27	0.77	0.64	0.25	0.90	0.83	0.98	0.99	0.93
elm4:Bifidobacterium	0.08	0.61	0.51	1.00	-0.20	-0.05	-0.25	0.15	0.70	-0.05	0.59	0.69	0.61	0.56	0.44
elm5:Streptococcus	0.68	-0.03	-0.06	-0.20	1.00	0.93	0.88	-0.20	0.37	0.24	-0.31	0.03	-0.11	-0.12	0.17
elm6:Blautia	0.62	0.14	0.16	-0.05	0.93	1.00	0.71	0.02	0.50	0.24	-0.11	0.15	0.08	0.07	0.32
elm7:Eubacterium	0.66	-0.21	-0.27	-0.25	0.88	0.71	1.00	-0.28	0.32	0.05	-0.48	-0.14	-0.27	-0.29	-0.04
elm8:Mitsuokella	0.02	0.62	0.77	0.15	-0.20	0.02	-0.28	1.00	0.27	0.39	0.77	0.31	0.66	0.73	0.54
elm9:Dorea	0.70	0.73	0.64	0.70	0.37	0.50	0.32	0.27	1.00	-0.12	0.42	0.79	0.70	0.66	0.72
elm10:Lactobacillus	-0.09	0.16	0.25	-0.05	0.24	0.24	0.05	0.39	-0.12	1.00	0.46	-0.04	0.13	0.18	0.19
elm11:Megasphaera	0.04	0.85	0.90	0.59	-0.31	-0.11	-0.48	0.77	0.42	0.46	1.00	0.68	0.87	0.90	0.74
elm12:Enterococcus	0.58	0.94	0.83	0.69	0.03	0.15	-0.14	0.31	0.79	-0.04	0.68	1.00	0.92	0.87	0.92
elm13:Barnesiella	0.43	1.00	0.98	0.61	-0.11	0.08	-0.27	0.66	0.70	0.13	0.87	0.92	1.00	0.99	0.94
elm14:Odoribacter	0.40	0.99	0.99	0.56	-0.12	0.07	-0.29	0.73	0.66	0.18	0.90	0.87	0.99	1.00	0.93
elm15:Ruminococcus	0.65	0.96	0.93	0.44	0.17	0.32	-0.04	0.54	0.72	0.19	0.74	0.92	0.94	0.93	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15