

LEA\_h\_gem\_d2: elm correlation matrix

elm1: *_Blautia	1.00	1.00	0.94	0.23	0.86	0.60	0.80	0.90	0.64	0.24	0.91	0.97	0.99	1.00	0.99
elm2: *_	1.00	1.00	0.96	0.28	0.89	0.63	0.83	0.89	0.66	0.26	0.90	0.98	0.99	0.99	0.99
elm3: *_Lachnospiraceae;Other	0.94	0.96	1.00	0.54	0.98	0.83	0.95	0.91	0.84	0.50	0.89	0.99	0.91	0.91	0.99
elm4: *_Prevotella	0.23	0.28	0.54	1.00	0.69	0.91	0.76	0.38	0.84	0.85	0.31	0.43	0.16	0.16	0.39
elm5: *_	0.86	0.89	0.98	0.69	1.00	0.91	0.99	0.86	0.91	0.62	0.84	0.95	0.82	0.82	0.94
elm6: *_	0.60	0.63	0.83	0.91	0.91	1.00	0.93	0.73	0.98	0.86	0.68	0.76	0.52	0.54	0.72
elm7: *_Ruminococcus	0.80	0.83	0.95	0.76	0.99	0.93	1.00	0.78	0.89	0.62	0.74	0.89	0.77	0.74	0.89
elm8: *_Faecalibacterium	0.90	0.89	0.91	0.38	0.86	0.73	0.78	1.00	0.82	0.57	1.00	0.95	0.82	0.90	0.91
elm9: *_Dialister	0.64	0.66	0.84	0.84	0.91	0.98	0.89	0.82	1.00	0.89	0.78	0.79	0.54	0.60	0.74
elm10: *_Bacteroides	0.24	0.26	0.50	0.85	0.62	0.86	0.62	0.57	0.89	1.00	0.51	0.45	0.11	0.20	0.37
elm11: *_Ruminococcaceae;Other	0.91	0.90	0.89	0.31	0.84	0.68	0.74	1.00	0.78	0.51	1.00	0.94	0.84	0.92	0.91
elm12: *_Streptococcus	0.97	0.98	0.99	0.43	0.95	0.76	0.89	0.95	0.79	0.45	0.94	1.00	0.94	0.96	0.99
elm13: *_Brevibacillus	0.99	0.99	0.91	0.16	0.82	0.52	0.77	0.82	0.54	0.11	0.84	0.94	1.00	0.98	0.97
elm14: *_Erysipelotrichaceae;Other	1.00	0.99	0.91	0.16	0.82	0.54	0.74	0.90	0.60	0.20	0.92	0.96	0.98	1.00	0.97
elm15: *_Collinsella	0.99	0.99	0.99	0.39	0.94	0.72	0.89	0.91	0.74	0.37	0.91	0.99	0.97	0.97	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15