antibiotics_patF_Cp1_CPW_TAIL: elm correlation matrix

G 11		-			_~~	`	-· · ·			O		, <u> </u>		O	
elm1:_*_	1.00	-0.36	0.54	0.63	-0.33	0.76	0.99	0.82	0.41	0.17	0.84	-0.15	0.54	0.80	0.20
elm2:_*_Dialister	-0.36	1.00	-0.32	-0.31	0.60	-0.34	-0.35	-0.41	-0.29	-0.22	-0.35	-0.04	-0.37	-0.30	-0.27
elm3:_*_	0.54	-0.32	1.00	0.98	-0.29	0.94	0.59	0.86	0.98	0.91	0.89	0.59	0.83	0.84	0.82
elm4:_*_Sutterella	0.63	-0.31	0.98	1.00	-0.28	0.98	0.69	0.84	0.92	0.81	0.95	0.49	0.72	0.93	0.68
elm5:_*_Veillonella	-0.33	0.60	-0.29	-0.28	1.00	-0.31	-0.32	-0.38	-0.27	-0.21	-0.32	-0.23	-0.34	-0.28	-0.25
elm6:_*_	0.76	-0.34	0.94	0.98	-0.31	1.00	0.81	0.89	0.86	0.72	0.99	0.37	0.73	0.97	0.61
elm7:_*_Butyricimonas	0.99	-0.35	0.59	0.69	-0.32	0.81	1.00	0.82	0.45	0.21	0.88	-0.11	0.52	0.86	0.20
elm8:_*_	0.82	-0.41	0.86	0.84	-0.38	0.89	0.82	1.00	0.81	0.66	0.89	0.29	0.91	0.79	0.72
elm9:_*_Odoribacter	0.41	-0.29	0.98	0.92	-0.27	0.86	0.45	0.81	1.00	0.97	0.79	0.67	0.86	0.72	0.91
elm10:_*_	0.17	-0.22	0.91	0.81	-0.21	0.72	0.21	0.66	0.97	1.00	0.61	0.76	0.80	0.55	0.94
elm11:_*_	0.84	-0.35	0.89	0.95	-0.32	0.99	0.88	0.89	0.79	0.61	1.00	0.27	0.69	0.98	0.52
elm12:_*_Granulicatella	-0.15	-0.04	0.59	0.49	-0.23	0.37	-0.11	0.29	0.67	0.76	0.27	1.00	0.47	0.23	0.69
elm13:_*_Lachnobacterium	0.54	-0.37	0.83	0.72	-0.34	0.73	0.52	0.91	0.86	0.80	0.69	0.47	1.00	0.54	0.92
elm14:_*_Bilophila	0.80	-0.30	0.84	0.93	-0.28	0.97	0.86	0.79	0.72	0.55	0.98	0.23	0.54	1.00	0.39
elm15:_*_Turicibacter	0.20	-0.27	0.82	0.68	-0.25	0.61	0.20	0.72	0.91	0.94	0.52	0.69	0.92	0.39	
	TU/S	Eu/vo	e/h3	sup4	e/ns	94/10	<u></u>	84/18	64/18	o _{tujo}	elm ₁	Stuys	elm ₁₃	elm ₁₄	emis