

kwashiorkor\_gen\_k188A: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.01	-0.09	0.77	-0.05	0.06	-0.23	0.80	0.52	0.86	0.08	-0.18	0.39	-0.32	0.26
elm2:Prevotella	-0.01	1.00	0.30	0.26	0.35	0.62	0.32	0.01	0.57	-0.11	0.49	0.66	-0.21	0.33	0.26
elm3:Streptococcus	-0.09	0.30	1.00	-0.12	0.87	0.20	0.47	-0.06	0.14	-0.14	0.38	0.28	-0.17	-0.03	0.04
elm4:Bacteroides	0.77	0.26	-0.12	1.00	-0.01	0.51	0.05	0.84	0.75	0.89	0.46	-0.04	0.12	0.02	0.04
elm5:Eubacterium	-0.05	0.35	0.87	-0.01	1.00	0.30	0.46	-0.13	0.37	-0.11	0.33	0.00	-0.13	0.06	0.07
elm6:Faecalibacterium	0.06	0.62	0.20	0.51	0.30	1.00	0.65	0.14	0.68	0.23	0.73	0.31	-0.38	0.46	0.09
elm7:Blautia	-0.23	0.32	0.47	0.05	0.46	0.65	1.00	-0.15	0.30	-0.07	0.83	0.42	-0.31	0.53	0.18
elm8:Lactobacillus	0.80	0.01	-0.06	0.84	-0.13	0.14	-0.15	1.00	0.42	0.91	0.26	-0.06	0.34	-0.21	-0.10
elm9:Collinsella	0.52	0.57	0.14	0.75	0.37	0.68	0.30	0.42	1.00	0.54	0.52	0.10	0.04	0.09	0.28
elm10:Megasphaera	0.86	-0.11	-0.14	0.89	-0.11	0.23	-0.07	0.91	0.54	1.00	0.28	-0.21	0.32	-0.18	0.09
elm11:Dorea	0.08	0.49	0.38	0.46	0.33	0.73	0.83	0.26	0.52	0.28	1.00	0.55	-0.29	0.49	0.17
elm12:Roseburia	-0.18	0.66	0.28	-0.04	0.00	0.31	0.42	-0.06	0.10	-0.21	0.55	1.00	-0.28	0.29	0.27
elm13:Escherichia	0.39	-0.21	-0.17	0.12	-0.13	-0.38	-0.31	0.34	0.04	0.32	-0.29	-0.28	1.00	-0.34	0.40
elm14:Ruminococcus	-0.32	0.33	-0.03	0.02	0.06	0.46	0.53	-0.21	0.09	-0.18	0.49	0.29	-0.34	1.00	0.13
elm15:Clostridium	0.26	0.26	0.04	0.04	0.07	0.09	0.18	-0.10	0.28	0.09	0.17	0.27	0.40	0.13	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15