## MPHM\_h\_male\_feces: elm correlation matrix

			<u> </u>	<u> </u>		<u>'</u> ~			• • • •						
elm1:_*_Bacteroides	1.00	0.26	0.58	-0.18	0.51	0.13	0.08	0.47	-0.64	0.07	0.10	0.22	0.41	-0.22	0.14
elm2:_*_Faecalibacterium	0.26	1.00	0.28	0.11	0.03	0.13	0.18	0.16	-0.28	0.01	0.15	0.27	0.18	-0.08	0.07
elm3:_*_Parabacteroides	0.58	0.28	1.00	0.20	0.31	0.11	0.01	0.67	-0.41	0.23	0.00	0.29	0.21	-0.08	0.28
elm4:_*_	-0.18	0.11	0.20	1.00	-0.19	0.21	0.15	0.35	0.04	0.31	-0.01	0.40	0.14	-0.10	0.28
elm5:_*_	0.51	0.03	0.31	-0.19	1.00	0.11	-0.09	0.25	-0.40	- <b>0.0</b> 9	-0.05	-0.01	0.21	-0.08	0.09
elm6:_*_	0.13	0.13	0.11	0.21	0.11	1.00	0.12	0.20	-0.19	0.16	0.32	0.30	0.10	-0.20	0.12
elm7:_*_Roseburia	0.08	0.18	0.01	0.15	-0.09	0.12	1.00	0.15	-0.19	0.08	0.25	-0.01	0.06	-0.12	0.12
elm8:_*_Alistipes	0.47	0.16	0.67	0.35	0.25	0.20	0.15	1.00	-0.40	0.19	0.19	0.22	0.35	-0.18	0.18
elm9:_*_Prevotella	-0.64	-0.28	-0.41	0.04	-0.40	-0.19	-0.19	-0.40	1.00	-0.05	-0.31	-0.20	-0.29	0.02	-0.03
elm10:_*_Ruminococcus	0.07	0.01	0.23	0.31	-0.09	0.16	0.08	0.19	-0.05	1.00	-0.04	0.19	0.13	-0.12	0.28
elm11:_*_Lachnospira	0.10	0.15	0.00	-0.01	-0.05	0.32	0.25	0.19	-0.31	-0.04	1.00	0.18	0.09	-0.16	-0.10
elm12:_*_Clostridium	0.22	0.27	0.29	0.40	-0.01	0.30	-0.01	0.22	-0.20	0.19	0.18	1.00	0.34	- <b>0.1</b> 3	0.11
elm13:_*_Phascolarctobacterium	0.41	0.18	0.21	0.14	0.21	0.10	0.06	0.35	-0.29	0.13	0.09	0.34	1.00	-0.05	0.05
elm14:_*_Akkermansia	-0.22	-0.08	-0.08	-0.10	-0.08	-0.20	-0.12	-0.18	0.02	-0.12	-0.16	-0.13	-0.05	1.00	-0.16
elm15:_*_	0.14	0.07	0.28	0.28	0.09	0.12	0.12		-0.03				0.05	-0.16	1.00
	Tu <sub>lo</sub>	ç <sub>111/2</sub>	6/11/3	81/J	enns	94/10	<4/1/2	84/18	64/18	o <sub>tujo</sub>	elm1	?TU/0	elm13	6/11/4	6/11/5