

IBS\_h\_B\_amplicons\_family\_TAIL: elm correlation matrix

elm1:uc_Proteobacteria	1.00	0.45	0.51	0.40	0.55	-0.27	-0.08	-0.23	-0.23	-0.16	0.27	-0.16	-0.16	-0.16
elm2:Leuconostocaceae	0.45	1.00	0.92	-0.18	0.94	0.02	0.04	-0.16	-0.16	-0.11	-0.11	0.19	0.19	0.19
elm3:Streptococcaceae	0.51	0.92	1.00	-0.23	0.98	-0.12	-0.11	-0.13	-0.13	0.06	-0.09	-0.09	-0.09	-0.09
elm4:Oxalobacteraceae	0.40	-0.18	-0.23	1.00	-0.18	-0.31	-0.02	-0.26	-0.26	-0.18	0.58	0.18	0.18	0.18
elm5:Halomonadaceae	0.55	0.94	0.98	-0.18	1.00	-0.12	-0.09	-0.10	-0.10	-0.07	-0.07	-0.07	-0.07	-0.07
elm6:Enterobacteriaceae	-0.27	0.02	-0.12	-0.31	-0.12	1.00	0.86	-0.18	0.03	0.15	-0.12	-0.12	-0.12	-0.12
elm7:Clostridiaceae	-0.08	0.04	-0.11	-0.02	-0.09	0.86	1.00	-0.13	-0.13	-0.09	0.21	-0.09	-0.09	-0.09
elm8:Comamonadaceae	-0.23	-0.16	-0.13	-0.26	-0.10	-0.18	-0.13	1.00	0.31	-0.10	-0.10	-0.10	-0.10	-0.10
elm9:Clostridiales_incertae_sedis_XIII	-0.23	-0.16	-0.13	-0.26	-0.10	0.03	-0.13	0.31	1.00	-0.10	-0.10	-0.10	-0.10	-0.10
elm10:Chloroplast	-0.16	-0.11	0.06	-0.18	-0.07	0.15	-0.09	-0.10	-0.10	1.00	-0.07	-0.07	-0.07	-0.07
elm11:uc_Burkholderiales	0.27	-0.11	-0.09	0.58	-0.07	-0.12	0.21	-0.10	-0.10	-0.07	1.00	-0.07	-0.07	-0.07
elm12:Bacillaceae	-0.16	0.19	-0.09	0.18	-0.07	-0.12	-0.09	-0.10	-0.10	-0.07	-0.07	1.00	1.00	1.00
elm13:Campylobacteraceae	-0.16	0.19	-0.09	0.18	-0.07	-0.12	-0.09	-0.10	-0.10	-0.07	-0.07	1.00	1.00	1.00
elm14:Staphylococcaceae	-0.16	0.19	-0.09	0.18	-0.07	-0.12	-0.09	-0.10	-0.10	-0.07	-0.07	1.00	1.00	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14