kwashiorkor_gen_k57A: elm correlation matrix

	K	was	SHILO	IKU	۰ <u>_</u> 9۰	='''_	K J /	А. (=1111	COI	1610	acio	11 11	ıatı	IX
elm1:Prevotella	1.00	0.50	- 0.1 7	0.53	-0.33	0.38	-0.65	-0.33	0.18	0.02	-0.58	0.11	-0.01	0.75	0.32
elm2:Eubacterium	0.50	1.00	0.14	-0.10	0.13	0.70	-0.20	0.50	-0.30	0.19	- 0.1 3	0.60	0.82	0.20	-0.24
elm3:Faecalibacterium	- 0.1 7	0.14	1.00	-0.38	0.92	-0.25	0.48	0.69	-0.03	-0.01	0.86	0.04	0.19	- 0.1 7	-0.49
elm4:Bifidobacterium	0.53	-0.10	-0.38	1.00	-0.56	0.36	-0.73	-0.42	0.35	0.54	-0.48	0.19	-0.31	0.71	-0.00
elm5:Bacteroides	-0.33	0.13	0.92	-0.56	1.00	-0.26	0.59	0.73	-0.25	-0.04	0.92	0.14	0.19	-0.32	-0.40
elm6:Blautia	0.38	0.70	-0.25	0.36	-0.26	1.00	-0.67	0.20	-0.12	0.52	-0.36	0.80	0.62	0.47	-0.32
elm7:Roseburia	-0.65	-0.20	0.48	-0.73	0.59	-0.67	1.00	0.51	-0.17	-0.21	0.69	-0.31	0.11	-0.88	-0.13
elm8:Ruminococcus	-0.33	0.50	0.69	-0.42	0.73	0.20	0.51	1.00	-0.30	0.37	0.73	0.51	0.73	-0.41	-0.71
elm9:Clostridium	0.18	-0.30	-0.03	0.35	-0.25	-0.12	-0.17	-0.30	1.00	0.28	-0.04	-0.04	-0.26	-0.01	0.39
elm10:Dorea	0.02	0.19	-0.01	0.54	-0.04	0.52	-0.21	0.37	0.28	1.00	0.15	0.77	0.30	0.07	-0.37
elm11:Butyrivibrio	-0.58	-0.13	0.86	-0.48	0.92	-0.36	0.69	0.73	-0.04	0.15	1.00	0.12	0.12	-0.51	-0.45
elm12:Streptococcus	0.11	0.60	0.04	0.19	0.14	0.80	-0.31	0.51	-0.04	0.77	0.12	1.00	0.60	0.13	-0.33
elm13:Coprococcus	-0.01	0.82	0.19	-0.31	0.19	0.62	0.11	0.73	-0.26	0.30	0.12	0.60	1.00	-0.23	-0.51
elm14:Catenibacterium	0.75	0.20	- 0.1 7	0.71	-0.32	0.47	-0.88	-0.41	-0.01	0.07	-0.51	0.13	-0.23	1.00	-0.01
elm15:Brachyspira	0.32	-0.24	-0.49	-0.00	-0.40	-0.32	- 0.1 3	-0.71	0.39	-0.37	-0.45	-0.33	-0.51	-0.01	1.00
	TU/S	24/18	8/1/13	BU/S	elms	94/10	<44/ ₁₀	84/18	64/18	o _{turo}	FTW/S	STUJS	eln ₁₃	e/n14	em15