## LEA\_obeso\_b: elm correlation matrix

elm1:_*_Bacteroides	1.00	-0.14	-0.34	-0.29	-0.23	-0.38	0.38	0.54	-0.01	0.27	0.62	0.62	0.24	0.37	-0.14
elm2:_*_	-0.14	1.00	0.28	0.87	0.76	0.77	0.13	0.52	0.16	0.31	0.17	-0.23	0.17	0.38	0.61
elm3:_*_Lachnospiraceae;Other	-0.34	0.28	1.00	0.49	0.49	0.69	0.24	-0.22	0.16	-0.20	0.41	0.16	0.06	0.12	0.19
elm4:_*_Blautia	-0.29	0.87	0.49	1.00	0.88	0.88	0.28	0.14	0.11	0.14	0.27	-0.13	0.17	0.14	0.64
elm5:_*_[Ruminococcus]	-0.23	0.76	0.49	0.88	1.00	0.89	0.45	0.09	0.54	0.13	0.21	-0.28	0.54	0.35	0.88
elm6:_*_[Eubacterium]	-0.38	0.77	0.69	0.88	0.89	1.00	0.16	0.11	0.40	0.23	0.19	-0.30	0.18	0.21	0.62
elm7:_*_Ruminococcus	0.38	0.13	0.24	0.28	0.45	0.16	1.00	-0.15	0.36	-0.47	0.66	0.50	0.69	0.56	0.48
elm8:_*_Parabacteroides	0.54	0.52	-0.22	0.14	0.09	0.11	-0.15	1.00	0.02	0.72	0.20	0.00	0.07	0.40	0.11
elm9:_*_	-0.01	0.16	0.16	0.11	0.54	0.40	0.36	0.02	1.00	0.06	-0.06	-0.44	0.68	0.59	0.65
elm10:_*_	0.27	0.31	-0.20	0.14	0.13	0.23	-0.47	0.72	0.06	1.00	-0.08	-0.32	-0.14	-0.14	0.06
elm11:_*_Sutterella	0.62	0.17	0.41	0.27	0.21	0.19	0.66	0.20	-0.06	-0.08	1.00	0.84	0.24	0.41	0.05
elm12:_*_Faecalibacterium	0.62	-0.23	0.16	- <b>0.1</b> 3	-0.28	-0.30	0.50	0.00	-0.44	-0.32	0.84	1.00	-0.02	0.14	-0.36
elm13:_*_Streptococcus	0.24	0.17	0.06	0.17	0.54	0.18	0.69	0.07	0.68	-0.14	0.24	-0.02	1.00	0.68	0.81
elm14:_*_Oscillospira	0.37	0.38	0.12	0.14	0.35	0.21	0.56	0.40	0.59	-0.14	0.41	0.14	0.68	1.00	0.51
elm15:_*_Alicyclobacillus	-0.14	0.61	0.19	0.64	0.88	0.62	0.48	0.11	0.65	0.06	0.05	-0.36	0.81	0.51	1.00
	tu <sub>lo</sub>	ζ <sub>1</sub> / <sub>1/0</sub>	em3	8/h4	ems	94/10	<u></u> ///o	84/10	64/10	074/10	emi	?TU/3	elm <sub>13</sub>	e/m <sub>24</sub>	em15