

LEA_obeso_d: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	0.47	0.27	0.71	0.81	0.74	-0.19	0.44	0.10	0.60	0.73	0.08	0.91	0.65	-0.09
elm2: *_	0.47	1.00	0.46	0.37	0.81	0.66	-0.36	0.73	0.39	0.35	0.70	0.33	0.49	0.72	-0.35
elm3: *_Blautia	0.27	0.46	1.00	0.30	0.65	0.65	0.60	0.61	0.06	-0.12	0.68	-0.01	0.38	0.69	-0.03
elm4: *_Faecalibacterium	0.71	0.37	0.30	1.00	0.61	0.55	-0.06	0.26	-0.14	0.53	0.62	-0.08	0.77	0.44	-0.28
elm5: *_Parabacteroides	0.81	0.81	0.65	0.61	1.00	0.87	-0.07	0.76	0.20	0.44	0.90	0.25	0.82	0.88	-0.23
elm6: *_Lachnospiraceae;Other	0.74	0.66	0.65	0.55	0.87	1.00	-0.06	0.80	-0.09	0.31	0.91	0.02	0.71	0.92	-0.36
elm7: *_[Eubacterium]	-0.19	-0.36	0.60	-0.06	-0.07	-0.06	1.00	-0.13	-0.11	-0.45	-0.05	-0.23	-0.07	-0.02	0.37
elm8: *_	0.44	0.73	0.61	0.26	0.76	0.80	-0.13	1.00	0.17	0.40	0.76	0.41	0.39	0.82	-0.26
elm9: *_Dorea	0.10	0.39	0.06	-0.14	0.20	-0.09	-0.11	0.17	1.00	0.23	0.13	0.49	-0.12	0.04	0.51
elm10: *_Brevibacillus	0.60	0.35	-0.12	0.53	0.44	0.31	-0.45	0.40	0.23	1.00	0.29	0.65	0.46	0.16	-0.28
elm11: *_Oscillospira	0.73	0.70	0.68	0.62	0.90	0.91	-0.05	0.76	0.13	0.29	1.00	0.05	0.67	0.94	-0.17
elm12: *_Clostridium	0.08	0.33	-0.01	-0.08	0.25	0.02	-0.23	0.41	0.49	0.65	0.05	1.00	-0.06	0.02	-0.19
elm13: *_Sutterella	0.91	0.49	0.38	0.77	0.82	0.71	-0.07	0.39	-0.12	0.46	0.67	-0.06	1.00	0.63	-0.23
elm14: *_	0.65	0.72	0.69	0.44	0.88	0.92	-0.02	0.82	0.04	0.16	0.94	0.02	0.63	1.00	-0.19
elm15: *_Coprobacillus	-0.09	-0.35	-0.03	-0.28	-0.23	-0.36	0.37	-0.26	0.51	-0.28	-0.17	-0.19	-0.23	-0.19	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15