IBS_h_A_amplicons_family_TAILLESS: elm correlation matrix

וםס_ו	<u>'</u> _^_	_aii	ibiid	COIT	>_+c	311111	ıı	AIL	LLJ	ال		COI	1610	atio	11 1110
elm1:Rikenellaceae	1.00	-0.46	-0.17	0.45	0.21	-0.23	-0.20	-0.09	-0.44	-0.16	-0.48	-0.15	-0.08	-0.30	-0.11
elm2:Bacteroidaceae	-0.46	1.00	-0.45	-0.72	-0.26	0.04	-0.00	0.07	-0.37	-0.07	0.29	-0.16	-0.19	0.09	0.19
elm3:Porphyromonadaceae	- 0.1 7	-0.45	1.00	0.24	0.02	-0.27	-0.23	-0.16	0.79	-0.04	-0.07	-0.18	0.16	0.01	-0.10
elm4:uc_Bacteria	0.45	-0.72	0.24	1.00	0.18	-0.38	-0.20	-0.20	0.07	-0.15	-0.52	0.02	0.30	-0.18	-0.16
elm5:Ruminococcaceae	0.21	-0.26	0.02	0.18	1.00	-0.10	-0.17	0.01	-0.17	0.19	-0.10	-0.14	0.04	-0.20	-0.06
elm6:uc_Clostridiales	-0.23	0.04	-0.27	-0.38	-0.10	1.00	0.01	0.21	-0.05	0.59	0.58	0.00	0.07	0.25	0.39
elm7:uc_Clostridia	-0.20	-0.00	-0.23	-0.20	-0.17	0.01	1.00	-0.18	0.05	-0.37	-0.23	0.77	-0.36	-0.22	-0.32
elm8:uc_Bacteroidetes	-0.09	0.07	-0.16	-0.20	0.01	0.21	-0.18	1.00	-0.02	0.20	0.30	-0.25	0.25	0.30	0.09
elm9:uc_Bacteroidales	-0.44	-0.37	0.79	0.07	-0.17	-0.05	0.05	-0.02	1.00	-0.01	0.09	0.07	0.18	0.14	-0.12
elm10:Lachnospiraceae	-0.16	-0.07	-0.04	-0.15	0.19	0.59	-0.37	0.20	-0.01	1.00	0.66	-0.22	0.02	0.55	0.25
elm11:Prevotellaceae	-0.48	0.29	-0.07	-0.52	-0.10	0.58	-0.23	0.30	0.09	0.66	1.00	-0.06	0.05	0.66	0.32
elm12:uc_Firmicutes	-0.15	-0.16	-0.18	0.02	-0.14	0.00	0.77	-0.25	0.07	-0.22	-0.06	1.00	-0.28	-0.06	-0.40
elm13:uc_Proteobacteria	-0.08	-0.19	0.16	0.30	0.04	0.07	-0.36	0.25	0.18	0.02	0.05	-0.28	1.00	0.01	0.18
elm14:Veillonellaceae	-0.30	0.09	0.01	-0.18	-0.20	0.25	-0.22	0.30	0.14	0.55	0.66	-0.06	0.01	1.00	-0.06
elm15:Clostridiales_incertae_sedis_XIV	-0.11		-0.10		-0.06		-0.32		-0.12	0.25	0.32	_		-0.06	
	tu _{lo}	5U/19	6/11/3	enn4	enns	94/10	<4/1/9	841/18	64/18	orus	ttu _{llo}	574/2	6/1/13	6/11/4	elm ₁₅
										-	-	-	•	-	-