

LEA_madre_ob_d: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	0.57	0.91	0.75	-0.09	0.57	0.94	0.83	-0.68	0.99	0.91	1.00	-0.01	0.92	0.92
elm2: *_	0.57	1.00	0.61	0.89	0.68	0.94	0.61	0.93	0.20	0.69	0.46	0.57	0.74	0.85	0.70
elm3: *_	0.91	0.61	1.00	0.89	-0.16	0.74	1.00	0.79	-0.45	0.93	0.98	0.87	-0.08	0.88	0.99
elm4: *_	0.75	0.89	0.89	1.00	0.27	0.97	0.87	0.91	-0.03	0.84	0.79	0.72	0.35	0.91	0.92
elm5: *_Blautia	-0.09	0.68	-0.16	0.27	1.00	0.46	-0.15	0.44	0.60	0.04	-0.32	-0.04	1.00	0.27	-0.03
elm6: *_Roseburia	0.57	0.94	0.74	0.97	0.46	1.00	0.72	0.87	0.21	0.70	0.61	0.55	0.52	0.83	0.80
elm7: *_Faecalibacterium	0.94	0.61	1.00	0.87	-0.15	0.72	1.00	0.81	-0.50	0.95	0.98	0.91	-0.07	0.90	0.99
elm8: *_Lachnospiraceae;Other	0.83	0.93	0.79	0.91	0.44	0.87	0.81	1.00	-0.18	0.91	0.70	0.84	0.52	0.98	0.87
elm9: *_Ruminococcus	-0.68	0.20	-0.45	-0.03	0.60	0.21	-0.50	-0.18	1.00	-0.54	-0.58	-0.69	0.56	-0.33	-0.41
elm10: *_	0.99	0.69	0.93	0.84	0.04	0.70	0.95	0.91	-0.54	1.00	0.90	0.98	0.12	0.97	0.96
elm11: *_Parabacteroides	0.91	0.46	0.98	0.79	-0.32	0.61	0.98	0.70	-0.58	0.90	1.00	0.87	-0.24	0.81	0.96
elm12: *_	1.00	0.57	0.87	0.72	-0.04	0.55	0.91	0.84	-0.69	0.98	0.87	1.00	0.03	0.91	0.89
elm13: *_	-0.01	0.74	-0.08	0.35	1.00	0.52	-0.07	0.52	0.56	0.12	-0.24	0.03	1.00	0.35	0.05
elm14: *_Dorea	0.92	0.85	0.88	0.91	0.27	0.83	0.90	0.98	-0.33	0.97	0.81	0.91	0.35	1.00	0.93
elm15: *_Ruminococcaceae;Other	0.92	0.70	0.99	0.92	-0.03	0.80	0.99	0.87	-0.41	0.96	0.96	0.89	0.05	0.93	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15