

diets\_an\_6\_diet: elm correlation matrix

elm1:p_Bacteroidetes*;g_Prevotella	1.00	-0.65	0.66	0.73	0.32	0.47	0.48	0.08	0.74	0.65	0.42	0.68	-0.04	0.92	0.80
elm2:p_Bacteroidetes*;g_Bacteroides	-0.65	1.00	-0.94	-0.07	-0.44	-0.85	-0.83	-0.55	-0.89	-0.87	-0.72	-0.56	-0.35	-0.45	-0.93
elm3:p_Firmicutes*;g_	0.66	-0.94	1.00	0.25	0.69	0.79	0.78	0.52	0.98	0.96	0.71	0.67	0.17	0.59	0.90
elm4:p_Bacteroidetes*;g_[Prevotella]	0.73	-0.07	0.25	1.00	0.38	-0.08	-0.05	-0.31	0.42	0.34	-0.01	0.62	-0.41	0.92	0.29
elm5:p_Firmicutes*;g_	0.32	-0.44	0.69	0.38	1.00	0.55	0.57	0.57	0.71	0.62	0.66	0.34	-0.49	0.51	0.54
elm6:p_Firmicutes*;g_Ruminococcus	0.47	-0.85	0.79	-0.08	0.55	1.00	1.00	0.89	0.69	0.58	0.97	0.11	-0.05	0.28	0.90
elm7:p_Firmicutes*;g_Faecalibacterium	0.48	-0.83	0.78	-0.05	0.57	1.00	1.00	0.90	0.69	0.57	0.98	0.10	-0.10	0.30	0.90
elm8:p_Firmicutes*;g_Catenibacterium	0.08	-0.55	0.52	-0.31	0.57	0.89	0.90	1.00	0.40	0.27	0.94	-0.27	-0.28	-0.04	0.62
elm9:p_Firmicutes*;g_	0.74	-0.89	0.98	0.42	0.71	0.69	0.69	0.40	1.00	0.97	0.63	0.77	0.11	0.72	0.88
elm10:p_Firmicutes*;Other	0.65	-0.87	0.96	0.34	0.62	0.58	0.57	0.27	0.97	1.00	0.48	0.84	0.30	0.63	0.78
elm11:p_Firmicutes*;g_Coprococcus	0.42	-0.72	0.71	-0.01	0.66	0.97	0.98	0.94	0.63	0.48	1.00	-0.00	-0.29	0.30	0.84
elm12:p_Bacteroidetes*;g_	0.68	-0.56	0.67	0.62	0.34	0.11	0.10	-0.27	0.77	0.84	-0.00	1.00	0.35	0.74	0.48
elm13:p_Proteobacteria*;g_Sutterella	-0.04	-0.35	0.17	-0.41	-0.49	-0.05	-0.10	-0.28	0.11	0.30	-0.29	0.35	1.00	-0.26	0.03
elm14:Other*;Other	0.92	-0.45	0.59	0.92	0.51	0.28	0.30	-0.04	0.72	0.63	0.30	0.74	-0.26	1.00	0.63
elm15:p_Firmicutes*;g_Lachnospira	0.80	-0.93	0.90	0.29	0.54	0.90	0.90	0.62	0.88	0.78	0.84	0.48	0.03	0.63	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15