

kwashiorkor_gen_h_h209A: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	0.62	0.80	-0.06	-0.73	0.89	0.65	0.69	0.83	-0.17	-0.09	0.16	0.39	0.45	-0.87
elm2:Prevotella	0.62	1.00	0.08	0.02	-0.03	0.90	0.96	0.86	0.90	0.19	0.15	0.68	-0.31	0.07	-0.51
elm3:Lactobacillus	0.80	0.08	1.00	-0.38	-0.74	0.51	0.22	0.39	0.48	-0.60	-0.48	-0.07	0.51	0.75	-0.57
elm4:Streptococcus	-0.06	0.02	-0.38	1.00	-0.35	-0.13	-0.25	-0.47	-0.27	0.94	0.98	-0.61	0.51	-0.89	-0.43
elm5:Faecalibacterium	-0.73	-0.03	-0.74	-0.35	1.00	-0.37	0.02	-0.00	-0.23	-0.07	-0.22	0.56	-0.92	-0.11	0.87
elm6:Veillonella	0.89	0.90	0.51	-0.13	-0.37	1.00	0.92	0.91	0.98	-0.08	-0.07	0.54	-0.03	0.38	-0.71
elm7:Bacteroides	0.65	0.96	0.22	-0.25	0.02	0.92	1.00	0.97	0.96	-0.08	-0.13	0.80	-0.41	0.33	-0.41
elm8:Megamonas	0.69	0.86	0.39	-0.47	-0.00	0.91	0.97	1.00	0.97	-0.33	-0.37	0.83	-0.40	0.56	-0.35
elm9:Collinsella	0.83	0.90	0.48	-0.27	-0.23	0.98	0.96	0.97	1.00	-0.19	-0.20	0.67	-0.18	0.46	-0.58
elm10:Blautia	-0.17	0.19	-0.60	0.94	-0.07	-0.08	-0.08	-0.33	-0.19	1.00	0.99	-0.35	0.20	-0.95	-0.28
elm11:Escherichia	-0.09	0.15	-0.48	0.98	-0.22	-0.07	-0.13	-0.37	-0.20	0.99	1.00	-0.46	0.35	-0.93	-0.39
elm12:Dorea	0.16	0.68	-0.07	-0.61	0.56	0.54	0.80	0.83	0.67	-0.35	-0.46	1.00	-0.85	0.43	0.21
elm13:Clostridium	0.39	-0.31	0.51	0.51	-0.92	-0.03	-0.41	-0.40	-0.18	0.20	0.35	-0.85	1.00	-0.13	-0.66
elm14:Senegalemassilia	0.45	0.07	0.75	-0.89	-0.11	0.38	0.33	0.56	0.46	-0.95	-0.93	0.43	-0.13	1.00	0.01
elm15:Enterococcus	-0.87	-0.51	-0.57	-0.43	0.87	-0.71	-0.41	-0.35	-0.58	-0.28	-0.39	0.21	-0.66	0.01	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15