0.55 -0.57 -0.34 -0.55 0.08 0.17

-0.47 0.26 0.20

0.12 -0.01 0.26

-0.09 1.00

0.47

-0.09

-0.27 0.63

	antibiotics_h_patE_pre: elm correlation matrix														
elm1:p_Bacteroidetes;*;g_Bacteroides	1.00	-0.64	-0.60	-0.03	-0.01	-0.31	0.66	-0.70	-0.27	0.30	0.09	-0.26	0.55	-0.57	-0.3
elm2:pFirmicutes;*;g	-0.64	1.00	0.82	0.45	0.17	0.16	-0.06	0.87	0.61	0.32	0.48	0.83	-0.55	0.08	0.1
elm3:0ther;*;0ther	-0.60	0.82	1.00	0.28	0.15	0.14	-0.08	0.93	0.65	0.01	0.24	0.82	-0.40	-0.04	0.3
elm4:pFirmicutes;*;g	-0.03	0.45	0.28	1.00	0.71	0.74	0.42	0.18	-0.17	0.57	0.96	0.40	-0.36	-0.10	0.0
elm5:pFirmicutes;*;Other	-0.01	0.17	0.15	0.71	1.00	0.75	0.27	-0.07	-0.21	0.03	0.69	-0.05	0.19	-0.27	0.6
elm6:pFirmicutes;*;gLachnospira	-0.31	0.16	0.14	0.74	0.75	1.00	-0.09	0.01	-0.53	0.07	0.57	-0.09	-0.35	0.18	0.2
':pFirmicutes;*;gPhascolarctobacterium	0.66	-0.06	-0.08	0.42	0.27	-0.09	1.00	-0.10	0.21	0.30	0.51	0.26	0.44	-0.28	-0.1
elm8:pFirmicutes;*;gRuminococcus	-0.70	0.87	0.93	0.18	-0.07	0.01	-0.10	1.00	0.75	-0.02	0.13	0.82	-0.47	0.26	0.2
elm9:p_Bacteroidetes;*;g	-0.27	0.61	0.65	- 0.1 7	-0.21	-0.53	0.21	0.75	1.00	-0.12	-0.06	0.68	0.12	-0.01	0.2
elm10:pFirmicutes;*;g	0.30	0.32	0.01	0.57	0.03	0.07	0.30	-0.02	-0.12	1.00	0.67	0.49	-0.50	-0.37	-0.6
elm11:pFirmicutes;*;Other	0.09	0.48	0.24	0.96	0.69	0.57	0.51	0.13	-0.06	0.67	1.00	0.45	-0.25	-0.25	0.0
elm12:pFirmicutes;*;gOscillospira	-0.26	0.83	0.82	0.40	-0.05	-0.09	0.26	0.82	0.68	0.49	0.45	1.00	-0.48	-0.14	-0.1
elm13:pProteobacteria;*;gSutterella	0.55	-0.55	-0.40	-0.36	0.19	-0.35	0.44	-0.47	0.12	-0.50	-0.25	-0.48	1.00	-0.31	0.4
n14:p_Bacteroidetes;*;g_Parabacteroides	-0.57	0.08	-0.04	-0.10	-0.27	0.18	-0.28	0.26	-0.01	-0.37	-0.25	-0.14	-0.31	1.00	-0.0
elm15:pBacteroidetes;*;gPrevotella	-0.34	0.17	0.34	0.01	0.63	0.27	-0.10	0.20	0.26	-0.63	0.00	-0.14	0.47	-0.09	1.0
	Tujo	ç _w	enn3	bu ₁₀	elms	94/10	<u></u> ///>	84/18	64/18	Oruno	trups	<71U/18	elm ₁₃	elm ₁₄	emze