IBS_h_C1_metatranscriptomes_family_TAILLESS: rank matrix & stability

		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	. 10 - 0		·····	-			
uc Bacteria	8	1	3	1	1	1	1	4	1
Lachno s piraceae	2	2	1	2	3	3 2	2	1	2
Ruminococcaceae	1	4	2	4	2	2	5	2	3
Bacteroidaceae	4	6	5	3	4	4	3	3	4
uc Clostridiales	7	3	4	5	5	5	4	5	5
	5 3	5							5
Prevotellaceae	3	5	6	6	6	6	6	8	6
uc_Firmicutes	9 6	7	8	8	8	8	7	7	7
Porphyromonadaceae	6	9	9	9	7	9	9	9	9
uc Bacteroidales	7	13	7	10	10	10	11	6	10
uc Clostridia	14	8	11	12	11	11	15	11	11
Puniceicoccaceae	10	14	26	15	9	14	10	10	8
uc Alphaproteobacteria	19	15	40	7	23	7	8	18	23
uc Proteobacteria	17	12	14	11	15	12	12	14	17
Rikenellaceae	11	22	16	18	12	21	21	13	18
									10
Alcaligenaceae	12	11	12	17	17	16	18	15	14
uc_Bacteroidetes	15	21	15	14	13	15	16	12	13
Victivallaceae	38	19	13	22	19	13	17	24	16
Clostridiaceae	18	10	21	16	31	17	13	21	21
Peptostreptococcaceae	29	20	23	13	27	19	14	22	12
Erysipelotrichaceae	16	25	17	21	18	20	22	16	15
Veillonellaceae	21	18	19	19	14	22	20	26	19
Verrucomicrobiaceae	60	24	10	29	16	28	19	30	44
Peptococcaceae	25	17	25	20	26	18	30	19	20
uc Burkholderiales	20	26	18	42	24	35	41	25	25
	20								
Aerococcaceae	13	52	42	37	59	54	55	17	56
_ uc_Bacilli	35	28	27	24	30	24	25	20	27
Enterobacteriaceae	42	16	29	58	34	57	56	54	37
uc_Opitutae	57	23	35	54	20	36	35	50	24
Desulfovibrionaceae	27	27	28	46	25	23	49	31	30
Clostridiales incertae sedis XIV	24	33	44	30	29	29	26	28	28
ūc Verrucomicrobia	59	32	24	56	22	37	24	51	31
Coriobacteriaceae	26	41	39	31	21	38	48	45	22
Bifidobacteriaceae	22	37	32	38	33	40	32	27	26
uc Betaproteobacteria	36	39	22	36	50	39	37	29	29
Comamonadaceae	33	31	20	57	40	56	47	44	52
Thermoanaerobacteraceae	51	30		23	42	25	53	34	35
			55						33
uc_Deltaproteobacteria	31	29	30	33	44	45	42	60	33
uc_Gammaproteobacteria	37	36	59	28	57	26	28	42	43
uc_Bacillales	55	38	31	35	36	30	40	35	39
uc_Lactobacillales	56	40	34	44	39	46	54	23	51
Synergistaceae	30	49	53	41	28	44	36	47	41
uc Actinomycetales	53	51	57	32	43	27	27	41	40
Clostridiales incertae sédis XIII	23	44	38	50	37	55	33	32	36
Staphylococcaceae	48	43	50	26	38	33	29	58	34
uc Archaea	54	60	58	25	56	34	31	49	38
uc Desulfovibrionales	32	35	41	43	45	41	60	36	46
uc_Desultovibilonales Eubacteriaceae	43	42	33	39	43	48	51	38	32
	34	42		27			52	30	
Streptomycetaceae		59	52	27	51	32		46	59
Pasteurellaceae	46	48	48	47	53	59	23	57	53
uc_Actinobacteria	52	50	56	34	32	60	39	48	50
	~	*	~	95	n	^	^	45	^
	^t CD ₂	ClOs		⁷ / ₀ / ₀ / ₀		\chi_{Q}\chi_{3}\chi_{	2025 2402	t,C,D,S	
	G	77	77	<i>~</i> >	G	~~	77	C'	C'
	* :	U	0	0	* :	0	0	* :	4:

Rank Stability Index (in %)