

LEA_h_gem_del_c1: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	1.00	0.32	0.99	0.62	0.98	0.55	0.87	1.00	1.00	1.00	0.97	1.00	0.90	0.87
elm2: *_	1.00	1.00	0.30	0.99	0.60	0.98	0.53	0.86	1.00	1.00	1.00	0.96	1.00	0.89	0.86
elm3: *_Blautia	0.32	0.30	1.00	0.43	0.94	0.12	0.97	0.74	0.30	0.31	0.33	0.55	0.26	0.70	0.74
elm4: *_Lachnospiraceae;Other	0.99	0.99	0.43	1.00	0.70	0.95	0.64	0.92	0.99	0.99	0.99	0.99	0.98	0.94	0.92
elm5: *_	0.62	0.60	0.94	0.70	1.00	0.44	1.00	0.93	0.61	0.61	0.63	0.80	0.56	0.90	0.93
elm6: *_Ruminococcus	0.98	0.98	0.12	0.95	0.44	1.00	0.36	0.75	0.98	0.98	0.98	0.89	0.99	0.79	0.75
elm7: *_Dorea	0.55	0.53	0.97	0.64	1.00	0.36	1.00	0.89	0.53	0.54	0.56	0.75	0.49	0.86	0.89
elm8: *_Ruminococcaceae;Other	0.87	0.86	0.74	0.92	0.93	0.75	0.89	1.00	0.86	0.86	0.88	0.97	0.84	1.00	1.00
elm9: *_	1.00	1.00	0.30	0.99	0.61	0.98	0.53	0.86	1.00	1.00	1.00	0.96	1.00	0.89	0.86
elm10: *_Parabacteroides	1.00	1.00	0.31	0.99	0.61	0.98	0.54	0.86	1.00	1.00	1.00	0.96	1.00	0.89	0.86
elm11: *_Phascolarctobacterium	1.00	1.00	0.33	0.99	0.63	0.98	0.56	0.88	1.00	1.00	1.00	0.97	1.00	0.90	0.88
elm12: *_	0.97	0.96	0.55	0.99	0.80	0.89	0.75	0.97	0.96	0.96	0.97	1.00	0.95	0.98	0.97
elm13: *_Clostridiales;Other;Other	1.00	1.00	0.26	0.98	0.56	0.99	0.49	0.84	1.00	1.00	1.00	0.95	1.00	0.87	0.84
elm14: *_Streptococcus	0.90	0.89	0.70	0.94	0.90	0.79	0.86	1.00	0.89	0.89	0.90	0.98	0.87	1.00	1.00
elm15: *_	0.87	0.86	0.74	0.92	0.93	0.75	0.89	1.00	0.86	0.86	0.88	0.97	0.84	1.00	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15