## kwashiorkor\_gen\_h\_h10B: elm correlation matrix

			•	```_		·—··	–	<b>-</b>			· · · ·		•		, .
elm1:Prevotella	1.00	-0.98	0.97	-0.98	-0.98	0.50	-0.98	0.65	-0.74	-0.99	-0.90	0.98	0.37	-0.98	0.44
elm2:Faecalibacterium	-0.98	1.00	-0.90	1.00	1.00	-0.32	1.00	-0.48	0.86	1.00	0.97	-0.92	- <b>0.1</b> 7	1.00	-0.25
elm3:Bifidobacterium	0.97	-0.90	1.00	-0.91	-0.90	0.70	-0.91	0.82	-0.55	-0.92	-0.76	1.00	0.59	-0.91	0.65
elm4:Ruminococcus	-0.98	1.00	-0.91	1.00	1.00	-0.34	1.00	-0.51	0.85	1.00	0.96	-0.93	-0.20	1.00	-0.28
elm5:Bacteroides	-0.98	1.00	-0.90	1.00	1.00	-0.31	1.00	-0.48	0.86	1.00	0.97	-0.92	-0.17	1.00	-0.25
elm6:Lactobacillus	0.50	-0.32	0.70	-0.34	-0.31	1.00	-0.35	0.98	0.21	-0.36	-0.07	0.65	0.99	-0.35	1.00
elm7:Eubacterium	-0.98	1.00	-0.91	1.00	1.00	-0.35	1.00	-0.51	0.85	1.00	0.96	-0.94	-0.20	1.00	-0.28
elm8:Megasphaera	0.65	-0.48	0.82	-0.51	-0.48	0.98	-0.51	1.00	0.03	-0.52	-0.24	0.78	0.95	-0.51	0.97
elm9:Streptococcus	-0.74	0.86	-0.55	0.85	0.86	0.21	0.85	0.03	1.00	0.84	0.96	-0.61	0.35	0.85	0.27
elm10:Roseburia	-0.99	1.00	-0.92	1.00	1.00	-0.36	1.00	-0.52	0.84	1.00	0.96	-0.94	-0.21	1.00	-0.29
elm11:Mitsuokella	-0.90	0.97	-0.76	0.96	0.97	-0.07	0.96	-0.24	0.96	0.96	1.00	-0.80	0.08	0.96	0.00
elm12:Collinsella	0.98	-0.92	1.00	-0.93	-0.92	0.65	-0.94	0.78	-0.61	-0.94	-0.80	1.00	0.54	-0.94	0.60
elm13:Blautia	0.37	-0.17	0.59	-0.20	-0.17	0.99	-0.20	0.95	0.35	-0.21	0.08	0.54	1.00	-0.21	1.00
elm14:Alistipes	-0.98	1.00	-0.91	1.00	1.00	-0.35	1.00	-0.51	0.85	1.00	0.96	-0.94	-0.21	1.00	-0.28
elm15:Dorea	0.44	-0.25	0.65	-0.28	-0.25	1.00	-0.28	0.97	0.27	-0.29	0.00	0.60	1.00	-0.28	1.00
	Tuys	¿ws	em3	pu)s	ems	94/10	<4/1/2	84/10	64/10	OTUJO	Stups.	STUJS	ehnz3	e/n14	em15