## kwashiorkor\_gen\_h138A: elm correlation matrix

	IN V	v a Si	1101	KO1	_gc	''_'	LJ	JM.	CIII	ı co		iaci	וווע	Hat	117
elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.18	0.69	0.41	-0.45	0.21	0.29	0.36	0.31	0.08	-0.03	-0.46	-0.36	-0.31	-0.49
elm2:Prevotella	-0.18	1.00	0.40	0.80	-0.03	0.80	0.15	0.25	-0.30	0.50	0.20	0.78	0.22	-0.11	0.78
elm3:Lactobacillus	0.69	0.40	1.00	0.71	-0.62	0.59	0.67	0.55	0.26	0.52	0.21	0.06	0.13	-0.51	-0.11
elm4:Streptococcus	0.41	0.80	0.71	1.00	-0.24	0.84	0.17	0.37	-0.19	0.42	0.07	0.50	-0.12	-0.39	0.39
elm5:Faecalibacterium	-0.45	-0.03	-0.62	-0.24	1.00	-0.33	-0.52	-0.55	-0.48	-0.21	-0.06	0.42	-0.18	0.60	0.43
elm6:Megasphaera	0.21	0.80	0.59	0.84	-0.33	1.00	0.00	0.73	0.21	0.11	-0.25	0.47	-0.22	-0.42	0.37
elm7:Collinsella	0.29	0.15	0.67	0.17	-0.52	0.00	1.00	0.08	0.08	0.82	0.75	-0.14	0.77	-0.05	-0.03
elm8:Veillonella	0.36	0.25	0.55	0.37	-0.55	0.73	0.08	1.00	0.82	-0.23	-0.48	-0 <b>.0</b> 5	-0.31	-0.46	-0.17
elm9:Enterococcus	0.31	-0.30	0.26	-0.19	-0.48	0.21	0.08	0.82	1.00	-0.45	-0.51	-0.45	-0.27	-0.30	-0.54
elm10:Dorea	0.08	0.50	0.52	0.42	-0.21	0.11	0.82	-0.23	-0.45	1.00	0.91	0.24	0.79	0.15	0.45
elm11:Blautia	-0.03	0.20	0.21	0.07	-0.06	-0.25	0.75	-0.48	-0.51	0.91	1.00	-0.01	0.84	0.44	0.39
elm12:Bacteroides	-0.46	0.78	0.06	0.50	0.42	0.47	-0.14	-0.05	-0.45	0.24	-0.01	1.00	0.11	-0.12	0.68
elm13:Clostridium	-0.36	0.22	0.13	-0.12	-0.18	-0.22	0.77	-0.31	-0.27	0.79	0.84	0.11	1.00	0.25	0.33
elm14:Roseburia	-0.31	-0.11	-0.51	-0.39	0.60	-0.42	-0.05	-0.46	-0.30	0.15	0.44	-0.12	0.25	1.00	0.50
elm15:Sutterella		0.78	-0.11	0.39	0.43	0.37	-0.03		-0.54	0.45	0.39	0.68	0.33	0.50	
	ru <sub>lo</sub>	Suns	ems	eln <sub>4</sub>	ems	94/18	<u></u>	eln <sub>8</sub>	64/18	OTU/S	elm11	<	elm23	6/11/4	elm <sub>15</sub>