

diets_h_pl_9_pre: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	0.99	0.06	0.14	0.99	0.58	-0.32	-0.94	0.40	0.76	-0.92	-0.32	0.78	-0.57	-0.18
elm2: *_	0.99	1.00	-0.05	0.02	1.00	0.67	-0.43	-0.97	0.29	0.67	-0.87	-0.43	0.70	-0.67	-0.29
elm3: *_	0.06	-0.05	1.00	1.00	-0.07	-0.78	0.92	0.28	0.94	0.70	-0.45	0.93	0.68	0.78	0.97
elm4: *_	0.14	0.02	1.00	1.00	0.00	-0.73	0.89	0.21	0.96	0.75	-0.51	0.90	0.73	0.73	0.95
elm5: *_Faecalibacterium	0.99	1.00	-0.07	0.00	1.00	0.68	-0.45	-0.98	0.27	0.66	-0.86	-0.44	0.68	-0.68	-0.31
elm6: *_	0.58	0.67	-0.78	-0.73	0.68	1.00	-0.96	-0.82	-0.52	-0.09	-0.21	-0.96	-0.06	-1.00	-0.90
elm7: *_	-0.32	-0.43	0.92	0.89	-0.45	-0.96	1.00	0.63	0.74	0.37	-0.07	1.00	0.34	0.96	0.99
elm8: *_Blautia	-0.94	-0.97	0.28	0.21	-0.98	-0.82	0.63	1.00	-0.06	-0.49	0.73	0.62	-0.52	0.82	0.50
elm9: *_Sutterella	0.40	0.29	0.94	0.96	0.27	-0.52	0.74	-0.06	1.00	0.90	-0.73	0.74	0.89	0.52	0.83
elm10: *_Lachnospira	0.76	0.67	0.70	0.75	0.66	-0.09	0.37	-0.49	0.90	1.00	-0.95	0.38	1.00	0.10	0.51
elm11: *_Bifidobacterium	-0.92	-0.87	-0.45	-0.51	-0.86	-0.21	-0.07	0.73	-0.73	-0.95	1.00	-0.08	-0.96	0.21	-0.22
elm12: *_Clostridiales;Other;Other	-0.32	-0.43	0.93	0.90	-0.44	-0.96	1.00	0.62	0.74	0.38	-0.08	1.00	0.35	0.96	0.99
elm13: *_Ruminococcus	0.78	0.70	0.68	0.73	0.68	-0.06	0.34	-0.52	0.89	1.00	-0.96	0.35	1.00	0.07	0.48
elm14: *_Coprococcus	-0.57	-0.67	0.78	0.73	-0.68	-1.00	0.96	0.82	0.52	0.10	0.21	0.96	0.07	1.00	0.91
elm15: *_Lachnospiraceae;Other	-0.18	-0.29	0.97	0.95	-0.31	-0.90	0.99	0.50	0.83	0.51	-0.22	0.99	0.48	0.91	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15