

IBS\_h\_C\_amplicons\_family\_TAIL: elm correlation matrix

elm1:Enterobacteriaceae	1.00	0.85	0.30	-0.23	0.85	0.16	-0.26	-0.29	-0.23	-0.23	0.95	0.23	0.09	0.85	0.85
elm2:Neisseriaceae	0.85	1.00	0.06	-0.15	1.00	-0.14	-0.18	-0.15	-0.12	-0.15	0.93	0.38	-0.10	1.00	1.00
elm3:Eubacteriaceae	0.30	0.06	1.00	-0.43	0.06	0.31	-0.51	-0.15	-0.13	-0.08	0.21	0.11	0.07	0.06	0.06
elm4:uc_Proteobacteria	-0.23	-0.15	-0.43	1.00	-0.15	-0.18	0.05	0.01	-0.10	0.27	-0.20	-0.28	-0.22	-0.15	-0.15
elm5:Actinomycetaceae	0.85	1.00	0.06	-0.15	1.00	-0.14	-0.18	-0.15	-0.12	-0.15	0.93	0.38	-0.10	1.00	1.00
elm6:Peptostreptococcaceae	0.16	-0.14	0.31	-0.18	-0.14	1.00	-0.28	0.06	-0.02	-0.30	0.17	-0.25	0.34	-0.14	-0.14
elm7:Desulfovibrionaceae	-0.26	-0.18	-0.51	0.05	-0.18	-0.28	1.00	-0.12	0.24	0.17	-0.24	-0.11	0.30	-0.18	-0.18
elm8:uc_Clostridia	-0.29	-0.15	-0.15	0.01	-0.15	0.06	-0.12	1.00	-0.27	0.62	-0.20	0.28	-0.22	-0.15	-0.15
elm9:Clostridiaceae	-0.23	-0.12	-0.13	-0.10	-0.12	-0.02	0.24	-0.27	1.00	-0.27	-0.17	-0.23	0.60	-0.12	-0.12
elm10:Coriobacteriaceae	-0.23	-0.15	-0.08	0.27	-0.15	-0.30	0.17	0.62	-0.27	1.00	-0.20	0.41	-0.22	-0.15	-0.15
elm11:Fusobacteriaceae	0.95	0.93	0.21	-0.20	0.93	0.17	-0.24	-0.20	-0.17	-0.20	1.00	0.32	0.10	0.93	0.93
elm12:Victivallaceae	0.23	0.38	0.11	-0.28	0.38	-0.25	-0.11	0.28	-0.23	0.41	0.32	1.00	-0.19	0.38	0.38
elm13:Lactobacillaceae	0.09	-0.10	0.07	-0.22	-0.10	0.34	0.30	-0.22	0.60	-0.22	0.10	-0.19	1.00	-0.10	-0.10
elm14:Leptotrichiaceae	0.85	1.00	0.06	-0.15	1.00	-0.14	-0.18	-0.15	-0.12	-0.15	0.93	0.38	-0.10	1.00	1.00
elm15:Pasteurellaceae	0.85	1.00	0.06	-0.15	1.00	-0.14	-0.18	-0.15	-0.12	-0.15	0.93	0.38	-0.10	1.00	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15