kwashiorkor_ge	n_k268B:	elm corr	elation	matrix

	I/ V	v a Si	1101	KUI	_90		200	JD.	CIII	ıco	110	acit	וווע	Hat	
elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.62	0.64	-0.35	-0.24	-0.45	-0.71	-0.81	-0.22	0.26	-0.64	0.35	-0.74	0.26	-0.63
elm2:Bacteroides	-0.62	1.00	-0.28	0.68	-0.30	-0.04	0.98	0.90	0.73	-0.38	0.15	0.22	0.90	-0.13	-0.01
elm3:Lactobacillus	0.64	-0.28	1.00	-0.13	-0.37	-0.57	-0.30	-0.32	-0.06	0.03	-0.47	0.02	-0.26	0.38	-0.58
elm4:Megasphaera	-0.35	0.68	- 0.1 3	1.00	-0.08	0.34	0.72	0.47	0.78	-0.70	0.33	0.62	0.41	0.49	0.13
elm5:Streptococcus	-0.24	-0.30	-0.37	-0.08	1.00	0.76	-0.18	-0.27	-0.05	0.24	0.81	0.01	-0.33	0.22	0.79
elm6:Collinsella	-0.45	-0.04	-0.57	0.34	0.76	1.00	0.08	-0.03	0.17	-0.12	0.90	0.14	-0.16	0.32	0.92
elm7:Faecalibacterium	-0.71	0.98	-0.30	0.72	-0.18	0.08	1.00	0.93	0.75	-0.47	0.29	0.18	0.91	-0.02	0.12
elm8:Prevotella	-0.81	0.90	-0.32	0.47	-0.27	-0.03	0.93	1.00	0.50	-0.39	0.21	-0.19	0.99	-0.25	0.13
elm9:Dorea	-0.22	0.73	-0.06	0.78	-0.05	0.17	0.75	0.50	1.00	-0.45	0.26	0.66	0.47	0.46	0.02
elm10:Veillonella	0.26	-0.38	0.03	-0.70	0.24	-0.12	-0.47	-0.39	-0.45	1.00	-0.05	-0.26	-0.33	-0.58	0.05
elm11:Blautia	-0.64	0.15	-0.47	0.33	0.81	0.90	0.29	0.21	0.26	-0.05	1.00	-0.02	0.11	0.24	0.95
elm12:Enterococcus	0.35	0.22	0.02	0.62	0.01	0.14	0.18	-0.19	0.66	-0.26	-0.02	1.00	-0.20	0.51	-0.21
elm13:Parabacteroides	-0.74	0.90	-0.26	0.41	-0.33	-0.16	0.91	0.99	0.47	-0.33	0.11	-0.20	1.00	-0.31	0.01
elm14:Escherichia	0.26	- 0.1 3	0.38	0.49	0.22	0.32	-0.02	-0.25	0.46	-0.58	0.24	0.51	-0.31	1.00	0.08
elm15:Megamonas	ш	-0.01		0.13	0.79	0.92	0.12	0.13	0.02	0.05	0.95	-0.21	0.01	0.08	1.00
	Tu ₁₈	Eu/s	enn3	eln ₄	elms	94/18	<w></w>	84/18	64/18	o _{tujo}	elm _{1,1}	Stups	eln13	elm24	elm25