## kwashiorkor\_gen\_h84A: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.58	-0.10	-0.58	0.70	-0.30	0.57	0.53	0.78	-0.59	-0.05	-0.36	-0.94	-0.61	0.60
elm2:Prevotella	-0.58	1.00	-0.54	-0.17	-0.43	-0.41	-0.46	-0.14	-0.67	0.51	-0.26	-0.01	0.28	0.15	-0.69
elm3:Bacteroides	-0.10	-0.54	1.00	0.80	-0.10	0.96	-0.04	-0.44	0.05	0.35	0.09	0.74	0.38	-0.24	0.39
elm4:Faecalibacterium	-0.58	- <b>0.1</b> 7	0.80	1.00	-0.31	0.92	-0.53	-0.38	-0.51	0.62	-0.12	0.74	0.76	0.20	- <b>0.1</b> 9
elm5:Lactobacillus	0.70	-0.43	-0.10	-0.31	1.00	-0.11	-0.01	0.86	0.30	-0.27	-0.51	0.03	-0.73	-0.51	0.08
elm6:Blautia	-0.30	-0.41	0.96	0.92	-0.11	1.00	-0.28	-0.38	-0.20	0.49	-0.04	0.83	0.54	-0.10	0.14
elm7:Streptococcus	0.57	-0.46	-0.04	-0.53	-0.01	-0.28	1.00	-0.26	0.94	-0.79	0.78	-0.50	-0.43	- <b>0.1</b> 3	0.89
elm8:Collinsella	0.53	-0.14	-0.44	-0.38	0.86	-0.38	-0.26	1.00	0.00	-0.20	-0.67	-0.24	-0.66	-0.22	-0.31
elm9:Veillonella	0.78	-0.67	0.05	-0.51	0.30	-0.20	0.94	0.00	1.00	-0.81	0.57	-0.41	-0.62	-0.31	0.92
elm10:Dorea	-0.59	0.51	0.35	0.62	-0.27	0.49	-0.79	-0.20	-0.81	1.00	-0.58	0.75	0.50	-0.20	-0.56
elm11:Eubacterium	-0.05	-0.26	0.09	-0.12	-0.51	-0.04	0.78	-0.67	0.57	-0.58	1.00	-0.35	0.22	0.39	0.64
elm12:Roseburia	-0.36	-0.01	0.74	0.74	0.03	0.83	-0.50	-0.24	-0.41	0.75	-0.35	1.00	0.43	-0.37	-0.12
elm13:Ruminococcus	-0.94	0.28	0.38	0.76	-0.73	0.54	-0.43	-0.66	-0.62	0.50	0.22	0.43	1.00	0.62	-0.37
elm14:Phascolarctobacterium	-0.61	0.15	-0.24	0.20	-0.51	- <b>0.1</b> 0	- <b>0.1</b> 3	-0.22	-0.31	-0.20	0.39	-0.37	0.62	1.00	-0.37
elm15:Clostridium		-0.69	0.39	-0.19	0.08	0.14	0.89	-0.31	0.92	-0.56	0.64	-0.12	-0.37	-0.37	1.00
	Tuys	24/18	em3	BU/Jo	su <sub>ns</sub>	94/10	<4/1/9	844%	64/18	oru <sub>10</sub>	Trup	?TU/0	6/11/3	6/11/4	STU <sub>10</sub>