aceae	1.00	-0.46	-0.17	0.45	0.21	-0.23	-0.20	-0.09	-0.44	-0.16	-0.48	-0.15	-0.08	-0.30	-0.11
	0.46	1.00	0.45	0.70	0.00	0-04	0.00	0.07	0.27	0.07	0.20	0.10	0.10	0.00	0.10

IBS h A amplicons family: elm correlation matrix

-0.05 0.05 -0.02 1.00 -0.01

, 84/18

64/10

0.19 0.59 -0.37

0.58

94/18

e/n/>

0.00 0.77

-0.01 1.00 0.66

0.09 0.66 1.00

0.55 0.25

-0.06 0.05 0.66 0.32

-0.06 0.01 1.00

1.00 0.01 0.18

-0.06

1.00

1.00

elm1:Rikenellaceae	1.00	-0.46	-0.17	0.45	0.21	-0.23	-0.20	-0.09	-0.44	-0.16	-0.48	-0.15	-0.08	-0.30	-0.11
elm2:Bacteroidaceae	-0.46	1.00	-0.45	-0.72	-0.26	0.04	-0.00	0.07	-0.37	-0.07	0.29	-0.16	- 0.1 9	0.09	0.19
elm3:Porphyromonadaceae	-0.17	-0.45	1.00	0.24	0.02	-0.27	-0.23	-0.16	0.79	-0.04	-0.07	-0.18	0.16	0.01	-0.10
elm4:uc_Bacteria	0.45	-0.72	0.24	1.00	0.18	-0.38	-0.20	-0.20	0.07	-0.15	-0.52	0.02	0.30	-0.18	-0.16
elm5:Ruminococcaceae	0.21	-0.26	0.02	0.18	1.00	-0.10	-0.17	0.01	-0.17	0.19	-0.10	-0.14	0.04	-0.20	-0.06
elm6:uc_Clostridiales	-0.23	0.04	-0.27	-0.38	-0.10	1.00	0.01	0.21	-0.05	0.59	0.58	0.00	0.07	0.25	0.39
elm7:uc_Clostridia	-0.20	-0.00	-0.23	-0.20	-0.17	0.01	1.00	-0.18	0.05	-0.37	-0.23	0.77	-0.36	-0.22	-0.32
elm8:uc Bacteroidetes	-0.09	0.07	-0.16	-0.20	0.01	0.21	-0.18	1.00	-0.02	0.20	0.30	-0.25	0.25	0.30	0.09

elm9:uc_Bacteroidales -0.44 -0.37 0.79 0.07

24/10

ems.

elm10:Lachnospiraceae -0.16 -0.07 -0.04

elm11:Prevotellaceae -0.48 0.29

elm12:uc Firmicutes -0.15

elm14:Veillonellaceae -0.30

elm13:uc Proteobacteria -0.08

elm15:Clostridiales_incertae_sedis_XIV -0.11