

LEA\_h\_gem\_b1: elm correlation matrix

elm1: *_	1.00	0.05	0.11	-0.08	0.04	0.67	0.04	-0.04	0.15	0.71	0.25	0.66	0.53	0.46	0.03
elm2: *_Prevotella	0.05	1.00	0.12	-0.20	0.25	0.45	0.33	-0.03	-0.34	0.42	0.10	0.12	-0.43	0.07	-0.15
elm3: *_Lachnospiraceae;Other	0.11	0.12	1.00	0.77	0.81	0.06	0.90	0.79	0.33	0.05	0.80	-0.15	-0.03	0.34	0.59
elm4: *_Blautia	-0.08	-0.20	0.77	1.00	0.71	-0.32	0.65	0.61	0.78	-0.42	0.45	-0.49	-0.19	0.09	0.70
elm5: *_	0.04	0.25	0.81	0.71	1.00	0.02	0.78	0.46	0.45	-0.04	0.74	-0.14	-0.12	-0.04	0.33
elm6: *_Bacteroides	0.67	0.45	0.06	-0.32	0.02	1.00	0.16	-0.10	-0.29	0.84	0.28	0.81	0.37	0.50	-0.20
elm7: *_Roseburia	0.04	0.33	0.90	0.65	0.78	0.16	1.00	0.84	0.23	0.01	0.84	-0.06	-0.20	0.26	0.67
elm8: *_Ruminococcus	-0.04	-0.03	0.79	0.61	0.46	-0.10	0.84	1.00	0.16	-0.16	0.72	-0.17	-0.11	0.33	0.84
elm9: *_Erysipelotrichaceae;Other	0.15	-0.34	0.33	0.78	0.45	-0.29	0.23	0.16	1.00	-0.44	0.13	-0.30	-0.02	-0.03	0.49
elm10: *_Phascolarctobacterium	0.71	0.42	0.05	-0.42	-0.04	0.84	0.01	-0.16	-0.44	1.00	0.22	0.76	0.46	0.55	-0.37
elm11: *_	0.25	0.10	0.80	0.45	0.74	0.28	0.84	0.72	0.13	0.22	1.00	0.30	0.29	0.30	0.44
elm12: *_Parabacteroides	0.66	0.12	-0.15	-0.49	-0.14	0.81	-0.06	-0.17	-0.30	0.76	0.30	1.00	0.67	0.50	-0.34
elm13: *_	0.53	-0.43	-0.03	-0.19	-0.12	0.37	-0.20	-0.11	-0.02	0.46	0.29	0.67	1.00	0.38	-0.15
elm14: *_Lachnospira	0.46	0.07	0.34	0.09	-0.04	0.50	0.26	0.33	-0.03	0.55	0.30	0.50	0.38	1.00	0.17
elm15: *_Dorea	0.03	-0.15	0.59	0.70	0.33	-0.20	0.67	0.84	0.49	-0.37	0.44	-0.34	-0.15	0.17	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15