

kwashiorkor\_gen\_h46B: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	0.09	0.67	0.88	0.89	-0.31	0.85	0.92	0.94	0.61	0.45	-0.29	0.97	0.93	0.41
elm2:Prevotella	0.09	1.00	0.75	0.45	0.46	0.03	0.33	0.40	0.28	-0.25	0.82	0.04	0.17	0.39	0.75
elm3:Faecalibacterium	0.67	0.75	1.00	0.92	0.90	-0.27	0.84	0.88	0.76	0.13	0.90	0.01	0.76	0.88	0.86
elm4:Bacteroides	0.88	0.45	0.92	1.00	0.98	-0.34	0.97	0.99	0.90	0.32	0.71	0.00	0.94	0.99	0.73
elm5:Blautia	0.89	0.46	0.90	0.98	1.00	-0.23	0.93	0.99	0.93	0.33	0.73	-0.16	0.95	0.99	0.74
elm6:Lactobacillus	-0.31	0.03	-0.27	-0.34	-0.23	1.00	-0.44	-0.32	-0.08	0.00	-0.18	-0.08	-0.33	-0.31	0.11
elm7:Collinsella	0.85	0.33	0.84	0.97	0.93	-0.44	1.00	0.96	0.82	0.23	0.58	0.13	0.92	0.95	0.65
elm8:Dorea	0.92	0.40	0.88	0.99	0.99	-0.32	0.96	1.00	0.94	0.39	0.67	-0.10	0.96	1.00	0.67
elm9:Streptococcus	0.94	0.28	0.76	0.90	0.93	-0.08	0.82	0.94	1.00	0.62	0.55	-0.27	0.93	0.94	0.56
elm10:Veillonella	0.61	-0.25	0.13	0.32	0.33	0.00	0.23	0.39	0.62	1.00	-0.02	-0.36	0.46	0.39	-0.14
elm11:Ruminococcus	0.45	0.82	0.90	0.71	0.73	-0.13	0.58	0.67	0.55	-0.02	1.00	-0.15	0.56	0.69	0.84
elm12:Akkermansia	-0.29	0.04	0.01	0.00	-0.16	-0.08	0.13	-0.10	-0.27	-0.36	-0.15	1.00	-0.20	-0.13	0.22
elm13:Megamonas	0.97	0.17	0.76	0.94	0.95	-0.33	0.92	0.96	0.93	0.46	0.56	-0.20	1.00	0.97	0.55
elm14:Clostridium	0.93	0.39	0.88	0.99	0.99	-0.31	0.95	1.00	0.94	0.39	0.69	-0.13	0.97	1.00	0.68
elm15:Eubacterium	0.41	0.75	0.86	0.73	0.74	0.11	0.65	0.67	0.56	-0.14	0.84	0.22	0.55	0.68	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15