

IBS\_P1\_metatranscriptomes\_family\_TAIL: elm correlation matrix

elm1:Bacteroidales_incertae_sedis	1.00	-0.24	-0.24	-0.17	-0.22	-0.20	0.97	-0.24	-0.25	-0.22	0.12	-0.30	-0.29	-0.20	-0.24
elm2:Opitutaceae	-0.24	1.00	-0.28	-0.22	-0.14	-0.14	-0.19	0.99	0.60	-0.25	-0.19	-0.37	-0.03	0.01	-0.28
elm3:uc_Rhodospirillales	-0.24	-0.28	1.00	-0.18	0.89	-0.20	-0.19	-0.29	-0.15	0.16	-0.19	0.04	0.09	0.01	-0.00
elm4:Planctomycetaceae	-0.17	-0.22	-0.18	1.00	-0.20	0.99	-0.15	-0.23	-0.04	-0.12	-0.15	0.49	-0.13	0.03	-0.22
elm5:Comamonadaceae	-0.22	-0.14	0.89	-0.20	1.00	-0.22	-0.17	-0.15	-0.15	-0.23	-0.17	-0.33	-0.27	-0.18	-0.09
elm6:Streptococcaceae	-0.20	-0.14	-0.20	0.99	-0.22	1.00	-0.18	-0.15	0.06	-0.13	-0.18	0.49	-0.08	0.12	-0.26
elm7:uc_Entomoplasmatales	0.97	-0.19	-0.19	-0.15	-0.17	-0.18	1.00	-0.19	-0.20	-0.17	-0.12	-0.25	-0.23	-0.16	-0.19
elm8:uc_Desulfovibrionales	-0.24	0.99	-0.29	-0.23	-0.15	-0.15	-0.19	1.00	0.53	-0.25	-0.19	-0.37	-0.05	-0.01	-0.28
elm9:Rhodobacteraceae	-0.25	0.60	-0.15	-0.04	-0.15	0.06	-0.20	0.53	1.00	0.26	-0.20	0.15	0.45	0.02	0.16
elm10:Alphaproteobacteria_incertae_sedis	-0.22	-0.25	0.16	-0.12	-0.23	-0.13	-0.17	-0.25	0.26	1.00	-0.17	0.79	0.90	0.21	0.69
elm11:Aeromonadaceae	0.12	-0.19	-0.19	-0.15	-0.17	-0.18	-0.12	-0.19	-0.20	-0.17	1.00	-0.25	-0.23	-0.16	-0.19
elm12:Carnobacteriaceae	-0.30	-0.37	0.04	0.49	-0.33	0.49	-0.25	-0.37	0.15	0.79	-0.25	1.00	0.75	0.37	0.39
elm13:Parvularculaceae	-0.29	-0.03	0.09	-0.13	-0.27	-0.08	-0.23	-0.05	0.45	0.90	-0.23	0.75	1.00	0.54	0.48
elm14:uc_Caulobacteriales	-0.20	0.01	0.01	0.03	-0.18	0.12	-0.16	-0.01	0.02	0.21	-0.16	0.37	0.54	1.00	-0.23
elm15:uc_Flavobacteriales	-0.24	-0.28	-0.00	-0.22	-0.09	-0.26	-0.19	-0.28	0.16	0.69	-0.19	0.39	0.48	-0.23	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15