

LEA_madre_a: elm correlation matrix

elm1: *_	1.00	-0.32	0.51	0.90	1.00	0.89	0.96	0.92	-0.67	0.97	0.50	0.88	0.94	0.98	1.00
elm2: *_Bacteroidales;Other;Other	-0.32	1.00	-0.98	-0.69	-0.38	0.14	-0.57	-0.65	0.92	-0.53	-0.98	-0.72	-0.62	-0.11	-0.30
elm3: *_Bacteroides	0.51	-0.98	1.00	0.83	0.58	0.07	0.73	0.80	-0.98	0.70	1.00	0.86	0.78	0.32	0.50
elm4: *_	0.90	-0.69	0.83	1.00	0.93	0.62	0.99	1.00	-0.92	0.98	0.82	1.00	1.00	0.79	0.90
elm5: *_Prevotella	1.00	-0.38	0.58	0.93	1.00	0.86	0.98	0.95	-0.72	0.99	0.56	0.92	0.96	0.96	1.00
elm6: *_Megamonas	0.89	0.14	0.07	0.62	0.86	1.00	0.73	0.65	-0.26	0.76	0.05	0.58	0.68	0.97	0.90
elm7: *_Blautia	0.96	-0.57	0.73	0.99	0.98	0.73	1.00	0.99	-0.85	1.00	0.72	0.98	1.00	0.88	0.96
elm8: *_	0.92	-0.65	0.80	1.00	0.95	0.65	0.99	1.00	-0.90	0.99	0.79	1.00	1.00	0.82	0.92
elm9: *_Erysipelotrichaceae;Other	-0.67	0.92	-0.98	-0.92	-0.72	-0.26	-0.85	-0.90	1.00	-0.82	-0.98	-0.94	-0.88	-0.49	-0.65
elm10: *_Lachnospiraceae;Other	0.97	-0.53	0.70	0.98	0.99	0.76	1.00	0.99	-0.82	1.00	0.69	0.97	0.99	0.90	0.97
elm11: *_Ruminococcus	0.50	-0.98	1.00	0.82	0.56	0.05	0.72	0.79	-0.98	0.69	1.00	0.84	0.76	0.30	0.48
elm12: *_Parabacteroides	0.88	-0.72	0.86	1.00	0.92	0.58	0.98	1.00	-0.94	0.97	0.84	1.00	0.99	0.77	0.87
elm13: *_Brevibacillus	0.94	-0.62	0.78	1.00	0.96	0.68	1.00	1.00	-0.88	0.99	0.76	0.99	1.00	0.84	0.93
elm14: *_Sutterella	0.98	-0.11	0.32	0.79	0.96	0.97	0.88	0.82	-0.49	0.90	0.30	0.77	0.84	1.00	0.98
elm15: *_	1.00	-0.30	0.50	0.90	1.00	0.90	0.96	0.92	-0.65	0.97	0.48	0.87	0.93	0.98	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15