

LEA\_madre\_ob\_g: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	-0.70	0.88	-0.91	-0.34	0.91	-0.35	0.88	-1.00	-0.29	-0.23	-1.00	0.97	0.99	-0.96
elm2: *_	-0.70	1.00	-0.95	0.94	-0.43	-0.93	0.91	-0.96	0.69	-0.48	0.86	0.66	-0.85	-0.79	0.87
elm3: *_Lachnospiraceae;Other	0.88	-0.95	1.00	-1.00	0.14	1.00	-0.74	1.00	-0.88	0.19	-0.66	-0.86	0.97	0.94	-0.98
elm4: *_Roseburia	-0.91	0.94	-1.00	1.00	-0.09	-1.00	0.71	-1.00	0.90	-0.14	0.62	0.89	-0.98	-0.95	0.99
elm5: *_	-0.34	-0.43	0.14	-0.09	1.00	0.07	-0.76	0.15	0.36	1.00	-0.83	0.39	-0.11	-0.22	0.07
elm6: *_Faecalibacterium	0.91	-0.93	1.00	-1.00	0.07	1.00	-0.70	1.00	-0.91	0.12	-0.61	-0.89	0.98	0.96	-0.99
elm7: *_Ruminococcaceae;Other	-0.35	0.91	-0.74	0.71	-0.76	-0.70	1.00	-0.75	0.33	-0.80	0.99	0.30	-0.56	-0.47	0.59
elm8: *_Ruminococcus	0.88	-0.96	1.00	-1.00	0.15	1.00	-0.75	1.00	-0.87	0.20	-0.67	-0.86	0.97	0.93	-0.98
elm9: *_Blautia	-1.00	0.69	-0.88	0.90	0.36	-0.91	0.33	-0.87	1.00	0.31	0.22	1.00	-0.97	-0.99	0.96
elm10: *_Lachnospira	-0.29	-0.48	0.19	-0.14	1.00	0.12	-0.80	0.20	0.31	1.00	-0.86	0.34	-0.06	-0.16	0.02
elm11: *_Streptococcus	-0.23	0.86	-0.66	0.62	-0.83	-0.61	0.99	-0.67	0.22	-0.86	1.00	0.19	-0.46	-0.36	0.49
elm12: *_Brevibacillus	-1.00	0.66	-0.86	0.89	0.39	-0.89	0.30	-0.86	1.00	0.34	0.19	1.00	-0.96	-0.98	0.95
elm13: *_	0.97	-0.85	0.97	-0.98	-0.11	0.98	-0.56	0.97	-0.97	-0.06	-0.46	-0.96	1.00	0.99	-1.00
elm14: *_Parabacteroides	0.99	-0.79	0.94	-0.95	-0.22	0.96	-0.47	0.93	-0.99	-0.16	-0.36	-0.98	0.99	1.00	-0.99
elm15: *_Clostridium	-0.96	0.87	-0.98	0.99	0.07	-0.99	0.59	-0.98	0.96	0.02	0.49	0.95	-1.00	-0.99	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15