

antibiotics_patE_Cp1_CPW: elm correlation matrix

elm1:p_Bacteroidetes*;g_Bacteroides	1.00	-0.27	-0.58	-0.73	-0.44	-0.48	-0.70	-0.68	-0.09	0.28	-0.69	-0.01	0.09	-0.41	-0.51
elm2:p_Firmicutes*;g_	-0.27	1.00	0.16	-0.21	0.47	0.56	-0.19	-0.32	-0.41	-0.75	0.86	0.36	0.71	-0.56	0.20
elm3:p_Firmicutes*;g_	-0.58	0.16	1.00	0.72	-0.09	0.56	0.81	0.65	-0.22	-0.41	0.33	-0.55	-0.36	0.16	0.99
elm4:p_Firmicutes*;Other	-0.73	-0.21	0.72	1.00	-0.17	0.39	0.99	0.98	0.20	0.20	0.10	-0.43	-0.42	0.78	0.66
elm5:Other*;Other	-0.44	0.47	-0.09	-0.17	1.00	0.45	-0.16	-0.14	-0.49	-0.43	0.67	0.80	0.51	-0.36	-0.10
elm6:p_Firmicutes*;g_	-0.48	0.56	0.56	0.39	0.45	1.00	0.46	0.38	-0.73	-0.33	0.55	0.32	0.51	-0.07	0.59
elm7:p_Firmicutes*;g_Roseburia	-0.70	-0.19	0.81	0.99	-0.16	0.46	1.00	0.97	0.06	0.12	0.10	-0.45	-0.43	0.69	0.76
elm8:p_Firmicutes*;g_Blautia	-0.68	-0.32	0.65	0.98	-0.14	0.38	0.97	1.00	0.16	0.31	-0.00	-0.36	-0.42	0.82	0.59
elm9:p_Firmicutes*;g_Lachnospira	-0.09	-0.41	-0.22	0.20	-0.49	-0.73	0.06	0.16	1.00	0.38	-0.24	-0.46	-0.53	0.56	-0.30
elm10:p_Verrucomicrobia*;g_Akkermansia	0.28	-0.75	-0.41	0.20	-0.43	-0.33	0.12	0.31	0.38	1.00	-0.77	-0.01	-0.18	0.71	-0.45
elm11:p_Firmicutes*;Other	-0.69	0.86	0.33	0.10	0.67	0.55	0.10	-0.00	-0.24	-0.77	1.00	0.32	0.44	-0.30	0.32
elm12:p_Firmicutes*;g_Phascolarctobacterium	-0.01	0.36	-0.55	-0.43	0.80	0.32	-0.45	-0.36	-0.46	-0.01	0.32	1.00	0.80	-0.30	-0.52
elm13:p_Firmicutes*;g_Oscillospira	0.09	0.71	-0.36	-0.42	0.51	0.51	-0.43	-0.42	-0.53	-0.18	0.44	0.80	1.00	-0.42	-0.30
elm14:p_Firmicutes*;g_Anaerostipes	-0.41	-0.56	0.16	0.78	-0.36	-0.07	0.69	0.82	0.56	0.71	-0.30	-0.30	-0.42	1.00	0.08
elm15:p_Firmicutes*;g_Ruminococcus	-0.51	0.20	0.99	0.66	-0.10	0.59	0.76	0.59	-0.30	-0.45	0.32	-0.52	-0.30	0.08	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15