kwashiorkor_gen_k278A: elm correlation matrix

					_9 ~	—	·- / ·	<i>-,</i>	C			G. C. C			
elm1:Bifidobacterium	1.00	0.14	-0.50	0.52	-0.03	0.65	-0.33	0.18	0.61	-0.29	-0.15	0.49	-0.73	-0.80	-0.40
elm2:Prevotella	0.14	1.00	0.59	-0.11	0.87	0.37	0.74	0.94	0.82	-0.31	0.96	0.52	0.33	0.22	0.65
elm3:Eubacterium	-0.50	0.59	1.00	-0.32	0.81	-0.14	0.96	0.61	0.20	-0.11	0.71	0.35	0.89	0.79	0.96
elm4:Lactobacillus	0.52	-0.11	-0.32	1.00	0.07	0.15	-0.20	-0.16	0.17	-0.38	-0.25	0.41	-0.49	-0.48	-0.31
elm5:Faecalibacterium	-0.03	0.87	0.81	0.07	1.00	0.23	0.92	0.85	0.60	-0.27	0.86	0.60	0.56	0.42	0.84
elm6:Streptococcus	0.65	0.37	-0.14	0.15	0.23	1.00	-0.05	0.57	0.61	-0.36	0.13	0.11	-0.29	-0.36	-0.10
elm7:Blautia	-0.33	0.74	0.96	-0.20	0.92	-0.05	1.00	0.72	0.38	-0.11	0.82	0.48	0.78	0.64	0.98
elm8:Dorea	0.18	0.94	0.61	-0.16	0.85	0.57	0.72	1.00	0.80	-0.36	0.86	0.48	0.40	0.27	0.64
elm9:Collinsella	0.61	0.82	0.20	0.17	0.60	0.61	0.38	0.80	1.00	-0.59	0.64	0.63	-0.16	-0.27	0.28
elm10:Roseburia	-0.29	-0.31	-0.11	-0.38	-0.27	-0.36	-0.11	-0.36	-0.59	1.00	-0.21	-0.36	0.11	0.09	-0.02
elm11:Bacteroides	-0.15	0.96	0.71	-0.25	0.86	0.13	0.82	0.86	0.64	-0.21	1.00	0.41	0.53	0.44	0.74
elm12:Mitsuokella	0.49	0.52	0.35	0.41	0.60	0.11	0.48	0.48	0.63	-0.36	0.41	1.00	0.06	-0.05	0.37
elm13:Ruminococcus	-0.73	0.33	0.89	-0.49	0.56	-0.29	0.78	0.40	-0.16	0.11	0.53	0.06	1.00	0.97	0.79
elm14:Coprococcus	-0.80	0.22	0.79	-0.48	0.42	-0.36	0.64	0.27	-0.27	0.09	0.44	-0.05	0.97	1.00	0.64
elm15:Phascolarctobacterium	-0.40	0.65	0.96	-0.31	0.84	-0.10	0.98	0.64	0.28	-0.02		0.37	0.79	0.64	1.00
	TU/8	24/18	eln3	sun4	ems	94/10	<4/10	84/18	64/18	em10	elm ₁₁	e/m/2	e/n ₁₃	elm ₁₄	eln ₁₅