

kwashiorkor\_gen\_h\_h47B: elm correlation matrix

elm1:Prevotella	1.00	0.82	-0.39	0.92	-0.13	-0.15	0.94	-0.47	0.70	-0.16	-0.12	-0.07	-0.69	0.49	0.67
elm2:Bifidobacterium	0.82	1.00	-0.47	0.97	-0.28	-0.20	0.96	-0.21	0.98	0.14	0.26	0.27	-0.17	0.75	0.79
elm3:Faecalibacterium	-0.39	-0.47	1.00	-0.44	-0.64	-0.64	-0.40	0.27	-0.43	0.54	0.28	0.37	0.21	-0.31	0.17
elm4:Lactobacillus	0.92	0.97	-0.44	1.00	-0.28	-0.26	1.00	-0.41	0.91	-0.03	0.05	0.08	-0.37	0.60	0.77
elm5:Megasphaera	-0.13	-0.28	-0.64	-0.28	1.00	0.98	-0.29	0.11	-0.33	-0.50	-0.31	-0.41	-0.28	-0.05	-0.72
elm6:Bacteroides	-0.15	-0.20	-0.64	-0.26	0.98	1.00	-0.27	0.28	-0.24	-0.32	-0.12	-0.22	-0.17	0.12	-0.64
elm7:Mitsuokella	0.94	0.96	-0.40	1.00	-0.29	-0.27	1.00	-0.39	0.89	0.00	0.07	0.11	-0.42	0.61	0.80
elm8:Blautia	-0.47	-0.21	0.27	-0.41	0.11	0.28	-0.39	1.00	-0.12	0.79	0.84	0.80	0.48	0.47	-0.03
elm9:Collinsella	0.70	0.98	-0.43	0.91	-0.33	-0.24	0.89	-0.12	1.00	0.23	0.36	0.37	0.02	0.77	0.78
elm10:Streptococcus	-0.16	0.14	0.54	-0.03	-0.50	-0.32	0.00	0.79	0.23	1.00	0.96	0.98	0.47	0.58	0.53
elm11:Dorea	-0.12	0.26	0.28	0.05	-0.31	-0.12	0.07	0.84	0.36	0.96	1.00	0.99	0.51	0.73	0.48
elm12:Helicobacter	-0.07	0.27	0.37	0.08	-0.41	-0.22	0.11	0.80	0.37	0.98	0.99	1.00	0.46	0.72	0.56
elm13:Megamonas	-0.69	-0.17	0.21	-0.37	-0.28	-0.17	-0.42	0.48	0.02	0.47	0.51	0.46	1.00	0.03	-0.10
elm14:Veillonella	0.49	0.75	-0.31	0.60	-0.05	0.12	0.61	0.47	0.77	0.58	0.73	0.72	0.03	1.00	0.64
elm15:Sutterella	0.67	0.79	0.17	0.77	-0.72	-0.64	0.80	-0.03	0.78	0.53	0.48	0.56	-0.10	0.64	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15