kwashiorkor_gen_k138B: elm correlation matrix

	_gen_kijob. e					enn correlation matrix									
elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.13	0.78	-0.20	0.86	0.17	-0.03	-0.22	0.81	0.42	0.57	0.46	-0.32	0.15	-0.41
elm2:Prevotella	-0.13	1.00	-0 .0 5	0.49	0.02	0.01	0.23	0.66	-0.12	-0.02	-0.28	-0.01	0.25	0.30	0.22
elm3:Lactobacillus	0.78	-0 <u>.0</u> 5	1.00	-0.53	0.93	0.40	-0.53	-0.51	0.52	-0.03	0.22	0.84	-0.60	0.35	-0.75
elm4:Faecalibacterium	-0.20	0.49	-0.53	1.00	-0.24	-0.46	0.70	0.80	0.17	0.66	- 0.1 7	-0.73	0.42	-0.19	0.86
elm5:Megasphaera	0.86	0.02	0.93	-0.24	1.00	0.33	-0.25	-0.27	0.77	0.31	0.15	0.68	-0.46	0.35	-0.49
elm6:Streptococcus	0.17	0.01	0.40	-0.46	0.33	1.00	-0.08	-0.16	0.09	-0.10	-0.32	0.73	-0.07	0.94	-0.21
elm7:Roseburia	-0.03	0.23	-0.53	0.70	-0.25	-0.08	1.00	0.85	0.35	0.68	-0.13	-0.51	0.82	0.06	0.76
elm8:Bacteroides	-0.22	0.66	-0.51	0.80	-0.27	-0.16	0.85	1.00	0.13	0.43	-0.35	-0.46	0.81	0.07	0.69
elm9:Dorea	0.81	-0.12	0.52	0.17	0.77	0.09	0.35	0.13	1.00	0.77	0.16	0.22	0.03	0.14	-0.01
elm10:Blautia	0.42	-0.02	-0.03	0.66	0.31	-0.10	0.68	0.43	0.77	1.00	0.06	-0.34	0.19	0.05	0.61
elm11:Collinsella	0.57	-0.28	0.22	-0.17	0.15	-0.32	-0.13	-0.35	0.16	0.06	1.00	-0.11	-0.34	-0.41	-0.27
elm12:Veillonella	0.46	-0.01	0.84	-0.73	0.68	0.73	-0.51	-0.46	0.22	-0.34	-0.11	1.00	-0.37	0.64	-0.77
elm13:Brachyspira	-0.32	0.25	-0.60	0.42	-0.46	-0.07	0.82	0.81	0.03	0.19	-0.34	-0.37	1.00	-0.02	0.48
elm14:Sutterella	0.15	0.30	0.35	-0.19	0.35	0.94	0.06	0.07	0.14	0.05	-0.41	0.64	-0.02	1.00	-0.02
elm15:Catenibacterium		0.22	-0.75	0.86	ш	-0.21	0.76	0.69	-0.01	0.61	-0.27	-0.77	0.48	-0.02	
	Tu _{llo}	24/18	elm3	enn ₄	suns	94/10		84/18	64/13	o _{tuyo}	elm ₁₁	Stups	elm23	8/W14	elm25