IBS_h_A_amplicons_family_CORE: elm correlation matrix

					-	<u> </u>						
elm1:Rikenellaceae	1.00	-0.46	-0.17	0.45	0.21	-0.23	-0.20	-0.09	-0.44	-0.16	-0.48	-0.15
elm2:Bacteroidaceae	-0.46	1.00	-0.45	-0.72	-0.26	0.04	-0.00	0.07	-0.37	-0.07	0.29	-0.16
elm3:Porphyromonadaceae	-0.17	-0.45	1.00	0.24	0.02	-0.27	-0.23	-0.16	0.79	-0.04	-0.07	-0.18
elm4:uc_Bacteria	0.45	-0.72	0.24	1.00	0.18	-0.38	-0.20	-0.20	0.07	-0.15	-0.52	0.02
elm5:Ruminococcaceae	0.21	-0.26	0.02	0.18	1.00	-0.10	-0.17	0.01	-0.17	0.19	-0.10	-0.14
elm6:uc_Clostridiales	-0.23	0.04	-0.27	-0.38	-0.10	1.00	0.01	0.21	-0.05	0.59	0.58	0.00
elm7:uc_Clostridia	-0.20	-0.00	-0.23	-0.20	-0.17	0.01	1.00	-0.18	0.05	-0.37	-0.23	0.77
elm8:uc_Bacteroidetes	-0.09	0.07	-0.16	-0.20	0.01	0.21	-0.18	1.00	-0.02	0.20	0.30	-0.25
elm9:uc_Bacteroidales	-0.44	-0.37	0.79	0.07	-0.17	-0.05	0.05	-0.02	1.00	-0.01	0.09	0.07
elm10:Lachnospiraceae	-0.16	-0.07	-0.04	-0.15	0.19	0.59	-0.37	0.20	-0.01	1.00	0.66	-0.22
elm11:Prevotellaceae	-0.48	0.29	-0.07	-0.52	-0.10	0.58	-0.23	0.30	0.09	0.66	1.00	-0.06
elm12:uc_Firmicutes	-0.15	-0.16	-0.18	0.02	-0.14	0.00	0.77	-0.25	0.07	-0.22	-0.06	1.00
	Tup	24/8	6/1/3	enna	elns	94/10	<u></u>	84%	6Wh9	Ozujo	Phys	\?\tu _{1/0}