

LEA_gem_ob_d1: elm correlation matrix

elm1: *_Lachnospiraceae;Other	1.00	-0.19	0.98	0.98	0.28	-0.27	0.46	0.32	0.92	-0.44	0.89	0.92	0.10	0.86	0.97
elm2: *_Bacteroides	-0.19	1.00	-0.31	-0.21	0.85	0.82	-0.49	0.70	-0.10	-0.36	-0.37	-0.39	0.92	0.28	-0.34
elm3: *_	0.98	-0.31	1.00	0.98	0.19	-0.43	0.63	0.12	0.84	-0.25	0.94	0.95	-0.01	0.82	0.97
elm4: *_Blautia	0.98	-0.21	0.98	1.00	0.30	-0.28	0.60	0.26	0.90	-0.28	0.96	0.89	0.04	0.87	0.98
elm5: *_	0.28	0.85	0.19	0.30	1.00	0.66	-0.05	0.76	0.34	-0.34	0.17	0.01	0.85	0.72	0.16
elm6: *_Ruminococcus	-0.27	0.82	-0.43	-0.28	0.66	1.00	-0.62	0.81	0.03	-0.40	-0.38	-0.58	0.58	0.08	-0.33
elm7: *_Prevotella	0.46	-0.49	0.63	0.60	-0.05	-0.62	1.00	-0.46	0.27	0.60	0.78	0.51	-0.38	0.39	0.57
elm8: *_Roseburia	0.32	0.70	0.12	0.26	0.76	0.81	-0.46	1.00	0.55	-0.77	0.07	0.00	0.67	0.54	0.22
elm9: *_Faecalibacterium	0.92	-0.10	0.84	0.90	0.34	0.03	0.27	0.55	1.00	-0.56	0.81	0.72	0.07	0.79	0.92
elm10: *_	-0.44	-0.36	-0.25	-0.28	-0.34	-0.40	0.60	-0.77	-0.56	1.00	-0.02	-0.32	-0.51	-0.41	-0.30
elm11: *_Dorea	0.89	-0.37	0.94	0.96	0.17	-0.38	0.78	0.07	0.81	-0.02	1.00	0.81	-0.18	0.75	0.95
elm12: *_	0.92	-0.39	0.95	0.89	0.01	-0.58	0.51	0.00	0.72	-0.32	0.81	1.00	-0.03	0.70	0.89
elm13: *_Parabacteroides	0.10	0.92	-0.01	0.04	0.85	0.58	-0.38	0.67	0.07	-0.51	-0.18	-0.03	1.00	0.51	-0.10
elm14: *_Phascolarctobacterium	0.86	0.28	0.82	0.87	0.72	0.08	0.39	0.54	0.79	-0.41	0.75	0.70	0.51	1.00	0.78
elm15: *_Ruminococcaceae;Other	0.97	-0.34	0.97	0.98	0.16	-0.33	0.57	0.22	0.92	-0.30	0.95	0.89	-0.10	0.78	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15