kwashiorkor_gen_k26A: elm correlation matrix

	K	kwashiorkor_gen_kzoa. eiiii							correlation matrix						
elm1:Prevotella	1.00	-0.25	-0.40	-0.37	0.78	0.85	0.10	-0.06	-0.56	0.86	0.63	-0.43	0.66	0.79	0.69
elm2:Streptococcus	-0.25	1.00	0.88	-0.62	-0.36	-0.16	-0.37	-0.41	0.22	-0.45	-0.49	0.62	-0.07	-0.45	-0.44
elm3:Veillonella	-0.40	0.88	1.00	-0.54	-0.54	- 0.1 5	-0.56	-0.41	0.49	-0.68	-0.63	0.76	-0.02	-0.62	-0.64
elm4:Bifidobacterium	-0.37	-0.62	-0.54	1.00	-0.23	-0.44	0.27	0.66	- 0.1 3	-0.17	-0.01	-0.65	-0.25	-0.28	-0.13
elm5:Faecalibacterium	0.78	-0.36	-0.54	-0.23	1.00	0.77	0.67	-0.40	-0.63	0.94	0.96	-0.37	0.64	0.86	0.96
elm6:Eubacterium	0.85	-0.16	-0.15	-0.44	0.77	1.00	0.16	-0.42	-0.46	0.69	0.68	-0.21	0.92	0.60	0.62
elm7:Bacteroides	0.10	-0.37	-0.56	0.27	0.67	0.16	1.00	-0.33	-0.53	0.55	0.80	-0.35	0.20	0.42	0.73
elm8:Lactobacillus	-0.06	-0.41	-0.41	0.66	-0.40	-0.42	-0.33	1.00	0.00	-0.14	-0.37	-0.60	-0.40	-0.17	-0.32
elm9:Clostridium	-0.56	0.22	0.49	-0.13	-0.63	-0.46	-0.53	0.00	1.00	-0.69	-0.64	0.70	-0.47	-0.31	-0.49
elm10:Dorea	0.86	-0.45	-0.68	-0.17	0.94	0.69	0.55	-0.14	-0.69	1.00	0.87	-0.50	0.48	0.90	0.91
elm11:Blautia	0.63	-0.49	-0.63	-0.01	0.96	0.68	0.80	-0.37	-0.64	0.87	1.00	-0.44	0.61	0.76	0.95
elm12:Haemophilus	-0.43	0.62	0.76	-0.65	-0.37	-0.21	-0.35	-0.60	0.70	-0.50	-0.44	1.00	-0.28	-0.26	-0.36
elm13:Roseburia	0.66	-0.07	-0.02	-0.25	0.64	0.92	0.20	-0.40	-0.47	0.48	0.61	-0.28	1.00	0.33	0.47
elm14:Coprococcus	0.79	-0.45	-0.62	-0.28	0.86	0.60	0.42	-0.17	-0.31	0.90	0.76	-0.26	0.33	1.00	0.91
elm15:Ruminococcus	0.69	-0.44	-0.64	- 0.1 3	0.96	0.62	0.73	-0.32	-0.49	0.91	0.95	-0.36	0.47	0.91	1.00
	ru _{lo}	ç _W	ehn3	enna	ehns	94/10	<4/1/9	84/10	64/10	orus	eln ₁	<tu <="" td=""><td>eln₁₃</td><td>eln14</td><td>em15</td></tu>	eln ₁₃	eln14	em15