

kwashiorkor\_gen\_h\_h37B: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.98	-0.82	0.99	-0.70	-0.20	-0.62	-0.72	-0.64	-0.92	-0.47	-0.96	0.87	-0.90	-0.85
elm2:Prevotella	-0.98	1.00	0.92	-1.00	0.83	0.39	0.77	0.85	0.79	0.82	0.28	1.00	-0.95	0.97	0.94
elm3:Faecalibacterium	-0.82	0.92	1.00	-0.89	0.98	0.72	0.96	0.99	0.96	0.54	-0.11	0.95	-1.00	0.99	1.00
elm4:Streptococcus	0.99	-1.00	-0.89	1.00	-0.78	-0.32	-0.71	-0.80	-0.73	-0.87	-0.36	-0.99	0.92	-0.95	-0.91
elm5:Bacteroides	-0.70	0.83	0.98	-0.78	1.00	0.84	0.99	1.00	1.00	0.37	-0.30	0.87	-0.96	0.94	0.97
elm6:Lactobacillus	-0.20	0.39	0.72	-0.32	0.84	1.00	0.89	0.82	0.88	-0.20	-0.77	0.47	-0.66	0.60	0.69
elm7:Eubacterium	-0.62	0.77	0.96	-0.71	0.99	0.89	1.00	0.99	1.00	0.27	-0.40	0.82	-0.93	0.90	0.94
elm8:Veillonella	-0.72	0.85	0.99	-0.80	1.00	0.82	0.99	1.00	0.99	0.40	-0.27	0.89	-0.97	0.95	0.98
elm9:Megasphaera	-0.64	0.79	0.96	-0.73	1.00	0.88	1.00	0.99	1.00	0.30	-0.37	0.83	-0.94	0.91	0.95
elm10:Dorea	-0.92	0.82	0.54	-0.87	0.37	-0.20	0.27	0.40	0.30	1.00	0.78	0.78	-0.61	0.66	0.58
elm11:Collinsella	-0.47	0.28	-0.11	-0.36	-0.30	-0.77	-0.40	-0.27	-0.37	0.78	1.00	0.20	0.03	0.04	-0.07
elm12:Blautia	-0.96	1.00	0.95	-0.99	0.87	0.47	0.82	0.89	0.83	0.78	0.20	1.00	-0.97	0.99	0.96
elm13:Giardia	0.87	-0.95	-1.00	0.92	-0.96	-0.66	-0.93	-0.97	-0.94	-0.61	0.03	-0.97	1.00	-1.00	-1.00
elm14:Clostridium	-0.90	0.97	0.99	-0.95	0.94	0.60	0.90	0.95	0.91	0.66	0.04	0.99	-1.00	1.00	0.99
elm15:Ruminococcus	-0.85	0.94	1.00	-0.91	0.97	0.69	0.94	0.98	0.95	0.58	-0.07	0.96	-1.00	0.99	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15