

antibiotics_patF_Cp1_CPW: elm correlation matrix

elm1:p_Bacteroidetes*;g_Bacteroides	1.00	0.14	-0.02	-0.19	-0.82	-0.75	-0.82	-0.37	-0.76	-0.29	0.04	0.42	-0.93	-0.24	-0.82
elm2:p_Firmicutes*;g_	0.14	1.00	-0.89	0.30	-0.17	-0.12	0.23	0.32	0.02	0.59	-0.70	-0.22	-0.11	-0.00	-0.21
elm3:p_Firmicutes*;g_Lachnospira	-0.02	-0.89	1.00	-0.51	0.01	-0.04	-0.21	-0.24	-0.11	-0.50	0.70	0.46	0.12	-0.23	0.08
elm4:Other*;Other	-0.19	0.30	-0.51	1.00	0.60	0.71	0.38	0.65	0.64	0.28	-0.44	-0.34	0.19	0.93	0.39
elm5:p_Firmicutes*;g_	-0.82	-0.17	0.01	0.60	1.00	0.95	0.74	0.56	0.85	0.32	-0.09	-0.37	0.79	0.68	0.94
elm6:p_Firmicutes*;g_	-0.75	-0.12	-0.04	0.71	0.95	1.00	0.76	0.72	0.95	0.26	-0.13	-0.36	0.78	0.77	0.81
elm7:p_Firmicutes*;g_Blautia	-0.82	0.23	-0.21	0.38	0.74	0.76	1.00	0.67	0.89	0.66	-0.11	-0.46	0.89	0.27	0.64
elm8:p_Firmicutes*;g_Ruminococcus	-0.37	0.32	-0.24	0.65	0.56	0.72	0.67	1.00	0.79	0.27	-0.43	-0.22	0.59	0.63	0.39
elm9:p_Firmicutes*;Other	-0.76	0.02	-0.11	0.64	0.85	0.95	0.89	0.79	1.00	0.37	-0.12	-0.37	0.84	0.63	0.67
elm10:p_Firmicutes*;g_Coprococcus	-0.29	0.59	-0.50	0.28	0.32	0.26	0.66	0.27	0.37	1.00	-0.08	-0.44	0.31	-0.01	0.30
elm11:p_Firmicutes*;Other	0.04	-0.70	0.70	-0.44	-0.09	-0.13	-0.11	-0.43	-0.12	-0.08	1.00	-0.04	-0.02	-0.36	-0.08
elm12:p_Bacteroidetes*;g_Parabacteroides	0.42	-0.22	0.46	-0.34	-0.37	-0.36	-0.46	-0.22	-0.37	-0.44	-0.04	1.00	-0.33	-0.22	-0.34
elm13:p_Firmicutes*;g_Faecalibacterium	-0.93	-0.11	0.12	0.19	0.79	0.78	0.89	0.59	0.84	0.31	-0.02	-0.33	1.00	0.24	0.76
elm14:p_Firmicutes*;g_Oscillospira	-0.24	-0.00	-0.23	0.93	0.68	0.77	0.27	0.63	0.63	-0.01	-0.36	-0.22	0.24	1.00	0.50
elm15:p_Tenericutes*;g_	-0.82	-0.21	0.08	0.39	0.94	0.81	0.64	0.39	0.67	0.30	-0.08	-0.34	0.76	0.50	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15