

diets_h_pl_6_pre: elm correlation matrix

elm1: *_Prevotella	1.00	0.85	-0.96	-0.21	-0.95	-0.79	-0.76	-0.71	-0.71	0.22	-0.81	-0.73	-0.78	-0.95	-0.58
elm2: *_	0.85	1.00	-0.66	-0.01	-0.67	-0.38	-0.83	-0.75	-0.42	-0.06	-0.46	-0.29	-0.81	-0.88	-0.87
elm3: *_	-0.96	-0.66	1.00	0.33	0.98	0.93	0.66	0.62	0.81	-0.32	0.92	0.90	0.64	0.86	0.37
elm4: *_[Prevotella]	-0.21	-0.01	0.33	1.00	0.13	0.57	0.56	0.66	0.82	0.58	0.67	0.57	-0.45	-0.12	0.27
elm5: *_Faecalibacterium	-0.95	-0.67	0.98	0.13	1.00	0.86	0.55	0.49	0.67	-0.48	0.82	0.83	0.75	0.91	0.30
elm6: *_	-0.79	-0.38	0.93	0.57	0.86	1.00	0.55	0.56	0.91	-0.24	0.98	1.00	0.32	0.60	0.16
elm7: *_Bacteroides	-0.76	-0.83	0.66	0.56	0.55	0.55	1.00	0.99	0.76	0.46	0.69	0.47	0.38	0.61	0.90
elm8: *_Ruminococcus	-0.71	-0.75	0.62	0.66	0.49	0.56	0.99	1.00	0.80	0.53	0.71	0.49	0.27	0.52	0.87
elm9: *_Clostridiales;Other;Other	-0.71	-0.42	0.81	0.82	0.67	0.91	0.76	0.80	1.00	0.18	0.97	0.89	0.12	0.45	0.41
elm10: *_Lachnospira	0.22	-0.06	-0.32	0.58	-0.48	-0.24	0.46	0.53	0.18	1.00	-0.06	-0.28	-0.51	-0.39	0.55
elm11: *_	-0.81	-0.46	0.92	0.67	0.82	0.98	0.69	0.71	0.97	-0.06	1.00	0.96	0.29	0.59	0.32
elm12: *_Coprococcus	-0.73	-0.29	0.90	0.57	0.83	1.00	0.47	0.49	0.89	-0.28	0.96	1.00	0.26	0.55	0.07
elm13: *_Bifidobacterium	-0.78	-0.81	0.64	-0.45	0.75	0.32	0.38	0.27	0.12	-0.51	0.29	0.26	1.00	0.94	0.43
elm14: *_Catenibacterium	-0.95	-0.88	0.86	-0.12	0.91	0.60	0.61	0.52	0.45	-0.39	0.59	0.55	0.94	1.00	0.53
elm15: *_Megasphaera	-0.58	-0.87	0.37	0.27	0.30	0.16	0.90	0.87	0.41	0.55	0.32	0.07	0.43	0.53	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15