

kwashiorkor_gen_h_h209B: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.42	0.89	-0.85	-0.81	0.85	-0.45	-0.65	-0.53	-0.35	-0.75	-0.71	0.34	-0.63	-0.83
elm2:Prevotella	-0.42	1.00	-0.08	0.74	0.17	0.13	0.32	0.85	0.91	-0.06	0.85	0.93	-0.74	0.97	0.81
elm3:Streptococcus	0.89	-0.08	1.00	-0.52	-0.96	0.90	-0.07	-0.51	-0.35	-0.08	-0.58	-0.42	0.32	-0.34	-0.65
elm4:Faecalibacterium	-0.85	0.74	-0.52	1.00	0.44	-0.52	0.72	0.69	0.65	0.48	0.79	0.89	-0.36	0.84	0.85
elm5:Lactobacillus	-0.81	0.17	-0.96	0.44	1.00	-0.75	-0.14	0.63	0.50	-0.18	0.66	0.46	-0.53	0.40	0.70
elm6:Bacteroides	0.85	0.13	0.90	-0.52	-0.75	1.00	-0.37	-0.18	-0.02	-0.47	-0.30	-0.23	-0.10	-0.12	-0.42
elm7:Veillonella	-0.45	0.32	-0.07	0.72	-0.14	-0.37	1.00	0.02	0.01	0.93	0.15	0.39	0.35	0.34	0.25
elm8:Enterococcus	-0.65	0.85	-0.51	0.69	0.63	-0.18	0.02	1.00	0.99	-0.29	0.99	0.92	-0.92	0.93	0.96
elm9:Blautia	-0.53	0.91	-0.35	0.65	0.50	-0.02	0.01	0.99	1.00	-0.34	0.96	0.92	-0.93	0.94	0.91
elm10:Megamonas	-0.35	-0.06	-0.08	0.48	-0.18	-0.47	0.93	-0.29	-0.34	1.00	-0.15	0.06	0.64	-0.01	-0.03
elm11:Dorea	-0.75	0.85	-0.58	0.79	0.66	-0.30	0.15	0.99	0.96	-0.15	1.00	0.96	-0.85	0.95	0.99
elm12:Collinsella	-0.71	0.93	-0.42	0.89	0.46	-0.23	0.39	0.92	0.92	0.06	0.96	1.00	-0.72	0.99	0.96
elm13:Escherichia	0.34	-0.74	0.32	-0.36	-0.53	-0.10	0.35	-0.92	-0.93	0.64	-0.85	-0.72	1.00	-0.76	-0.76
elm14:Clostridium	-0.63	0.97	-0.34	0.84	0.40	-0.12	0.34	0.93	0.94	-0.01	0.95	0.99	-0.76	1.00	0.93
elm15:Senegalemassilia	-0.83	0.81	-0.65	0.85	0.70	-0.42	0.25	0.96	0.91	-0.03	0.99	0.96	-0.76	0.93	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15