LEA_gem_ob_e1: elm correlation matrix

elm1:_*_Faecalibacterium	1.00	-0.58	0.91	0.59	0.78	0.50	-0.26	0.64	0.56	0.45	-0.32	0.61	0.53	0.59	0.55
elm2:_*_Prevotella	-0.58	1.00	-0.61	-0.43	-0.42	-0.18	0.35	-0.28	-0.76	-0.27	0.94	-0.52	0.03	-0.09	-0.52
elm3:_*_	0.91	-0.61	1.00	0.55	0.61	0.64	-0.63	0.78	0.80	0.76	-0.31	0.70	0.61	0.72	0.20
elm4:_*_Bacteroides	0.59	-0.43	0.55	1.00	0.92	-0.28	-0.33	-0.08	0.20	0.43	-0.29	-0.17	0.76	0.72	0.41
elm5:_*_Roseburia	0.78	-0.42	0.61	0.92	1.00	-0.12	-0.08	0.06	0.14	0.26	-0.25	0.00	0.68	0.63	0.65
elm6:_*_Blautia	0.50	-0.18	0.64	-0.28	-0.12	1.00	-0.40	0.98	0.66	0.50	0.06	0.92	0.09	0.24	- 0.1 9
elm7:_*_	-0.26	0.35	-0.63	-0.33	-0.08	-0.40	1.00	-0.52	-0.76	-0.95	0.14	-0.36	-0.54	-0.68	0.51
elm8:_*_Lachnospiraceae;Other	0.64	-0.28	0.78	-0.08	0.06	0.98	-0.52	1.00	0.74	0.63	-0.00	0.92	0.26	0.41	-0.14
elm9:_*_Ruminococcus	0.56	-0.76	0.80	0.20	0.14	0.66	-0.76	0.74	1.00	0.72	-0.56	0.80	0.18	0.37	-0.05
elm10:_*_	0.45	-0.27	0.76	0.43	0.26	0.50	-0.95	0.63	0.72	1.00	0.01	0.40	0.73	0.85	-0.42
elm11:_*_Dialister	-0.32	0.94	-0.31	-0.29	-0.25	0.06	0.14	-0.00	-0.56	0.01	1.00	-0.32	0.29	0.20	-0.55
elm12:_*_	0.61	-0.52	0.70	-0.17	0.00	0.92	-0.36	0.92	0.80	0.40	-0.32	1.00	-0.05	0.12	0.09
elm13:_*_Oscillospira	0.53	0.03	0.61	0.76	0.68	0.09	-0.54	0.26	0.18	0.73	0.29	-0.05	1.00	0.98	-0.10
elm14:_*_Streptococcus	0.59	-0.09	0.72	0.72	0.63	0.24	-0.68	0.41	0.37	0.85	0.20	0.12	0.98	1.00	-0.15
elm15:_*_Lachnospira		-0.52	0.20	_	0.65	-0.19	0.51	-0.14	-0.05	-0.42	-0.55	0.09	-0.10	-0.15	1.00
	Elys	24%	em3	6/1/10	ems	94/10	<4/1/2	84/10	64/10	otu _{lo}	Trup	?TU/0	elm13	elm ₁₄	stu ₁₀