

kwashiorkor_gen_k207A: elm correlation matrix

elm1:Prevotella	1.00	0.82	-0.31	-0.44	-0.11	-0.37	0.03	0.02	-0.16	0.83	0.10	0.39	0.15	0.85	0.05
elm2:Bacteroides	0.82	1.00	-0.16	0.00	0.14	-0.19	0.38	0.27	0.18	0.97	0.45	0.69	-0.03	0.97	0.14
elm3:Bifidobacterium	-0.31	-0.16	1.00	0.32	-0.25	0.99	-0.37	-0.27	0.14	-0.19	-0.26	0.52	-0.18	-0.19	0.91
elm4:Faecalibacterium	-0.44	0.00	0.32	1.00	0.38	0.40	0.70	0.55	0.42	-0.03	0.54	0.35	-0.27	-0.09	0.17
elm5:Eubacterium	-0.11	0.14	-0.25	0.38	1.00	-0.23	0.44	0.20	0.87	-0.05	0.01	0.13	0.09	-0.06	-0.32
elm6:Streptococcus	-0.37	-0.19	0.99	0.40	-0.23	1.00	-0.31	-0.27	0.15	-0.20	-0.22	0.51	-0.20	-0.21	0.87
elm7:Ruminococcus	0.03	0.38	-0.37	0.70	0.44	-0.31	1.00	0.85	0.23	0.40	0.87	0.17	-0.20	0.34	-0.34
elm8:Blautia	0.02	0.27	-0.27	0.55	0.20	-0.27	0.85	1.00	-0.03	0.34	0.81	0.12	-0.43	0.28	-0.16
elm9:Roseburia	-0.16	0.18	0.14	0.42	0.87	0.15	0.23	-0.03	1.00	-0.05	-0.08	0.33	0.24	-0.05	0.02
elm10:Phascolarctobacterium	0.83	0.97	-0.19	-0.03	-0.05	-0.20	0.40	0.34	-0.05	1.00	0.54	0.64	-0.14	1.00	0.14
elm11:Dorea	0.10	0.45	-0.26	0.54	0.01	-0.22	0.87	0.81	-0.08	0.54	1.00	0.19	-0.25	0.49	-0.20
elm12:Veillonella	0.39	0.69	0.52	0.35	0.13	0.51	0.17	0.12	0.33	0.64	0.19	1.00	-0.37	0.63	0.70
elm13:Butyrivibrio	0.15	-0.03	-0.18	-0.27	0.09	-0.20	-0.20	-0.43	0.24	-0.14	-0.25	-0.37	1.00	-0.11	-0.29
elm14:Alistipes	0.85	0.97	-0.19	-0.09	-0.06	-0.21	0.34	0.28	-0.05	1.00	0.49	0.63	-0.11	1.00	0.13
elm15:Collinsella	0.05	0.14	0.91	0.17	-0.32	0.87	-0.34	-0.16	0.02	0.14	-0.20	0.70	-0.29	0.13	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15