## kwashiorkor\_gen\_h278B: elm correlation matrix

	1 🗸 V	v u J i	1101	IVOI.	_9~	'''—''	12/	יט.	CIII	· CO	110	iaci	<i>)</i>	IIGC	IIA
elm1:Bifidobacterium	1.00	0.50	0.33	0.60	0.55	-0.14	-0.09	-0.08	0.86	-0.70	0.39	-0.04	-0.50	0.04	0.65
elm2:Prevotella	0.50	1.00	0.64	0.73	0.52	0.20	0.34	- <b>0.1</b> 3	0.45	-0.31	0.87	0.18	-0.48	-0.04	0.32
elm3:Faecalibacterium	0.33	0.64	1.00	0.38	0.24	0.38	0.75	0.36	0.64	-0.16	0.89	0.64	-0.42	0.49	-0.31
elm4:Lactobacillus	0.60	0.73	0.38	1.00	0.70	-0.40	0.28	-0.41	0.33	-0.44	0.60	-0.16	-0.28	-0.41	0.38
elm5:Eubacterium	0.55	0.52	0.24	0.70	1.00	-0.31	0.27	0.10	0.36	0.08	0.51	0.01	0.25	0.00	0.15
elm6:Streptococcus	-0.14	0.20	0.38	-0.40	-0.31	1.00	0.38	0.65	0.23	0.19	0.21	0.81	-0.08	0.74	-0.18
elm7:Blautia	-0.09	0.34	0.75	0.28	0.27	0.38	1.00	0.55	0.20	0.30	0.61	0.79	0.19	0.51	-0.62
elm8:Ruminococcus	-0.08	-0.13	0.36	-0.41	0.10	0.65	0.55	1.00	0.31	0.52	0.14	0.86	0.43	0.96	-0.54
elm9:Collinsella	0.86	0.45	0.64	0.33	0.36	0.23	0.20	0.31	1.00	-0.55	0.52	0.38	-0.52	0.48	0.29
elm10:Roseburia	-0.70	-0.31	-0.16	-0.44	80.0	0.19	0.30	0.52	-0.55	1.00	-0.11	0.29	0.84	0.33	-0.72
elm11:Bacteroides	0.39	0.87	0.89	0.60	0.51	0.21	0.61	0.14	0.52	-0.11	1.00	0.39	-0.38	0.23	-0.11
elm12:Dorea	-0.04	0.18	0.64	-0.16	0.01	0.81	0.79	0.86	0.38	0.29	0.39	1.00	0.13	0.88	-0.48
elm13:Butyrivibrio	-0.50	-0.48	-0.42	-0.28	0.25	-0.08	0.19	0.43	-0.52	0.84	-0.38	0.13	1.00	0.18	-0.48
elm14:Catenibacterium	0.04	-0.04	0.49	-0.41	0.00	0.74	0.51	0.96	0.48	0.33	0.23	0.88	0.18	1.00	-0.46
elm15:Mitsuokella		0.32	-0.31	0.38	0.15	-0.18	-0.62	-0.54	_	-0.72	-0.11	-0.48	-0.48	-0.46	1.00
	TU/S	ZU/S	eln3	enn <sub>4</sub>	elms	94/10	<u></u>	84/18	64/18	ozu <sub>n</sub> o	elm <sub>1</sub>	Stups	elm23	6/11/4	elm25