kwashiorkor_gei	n_h57B: elm correlation matrix

	K	was	1110	IKO	_96	=111_1	13/	D. 6	31111	COI	reid	atio	11 11	ıatı	IX
elm1:Prevotella	1.00	0.46	0.13	0.41	0.23	0.51	0.77	-0.06	0.60	0.67	0.23	0.41	0.67	0.61	-0.51
elm2:Bifidobacterium	0.46	1.00	0.20	0.91	0.68	-0.16	0.73	-0.05	0.78	0.92	0.49	0.83	0.80	0.88	-0.15
elm3:Faecalibacterium	0.13	0.20	1.00	0.44	-0.23	0.11	0.39	-0.27	0.39	0.27	0.72	-0.18	-0.27	0.31	0.05
elm4:Streptococcus	0.41	0.91	0.44	1.00	0.64	-0.07	0.63	-0.20	0.68	0.92	0.69	0.72	0.59	0.95	-0.00
elm5:Lactobacillus	0.23	0.68	-0.23	0.64	1.00	-0.12	0.29	0.28	0.31	0.56	0.15	0.84	0.61	0.63	-0.34
elm6:Eubacterium	0.51	-0.16	0.11	-0.07	-0.12	1.00	0.32	0.34	0.05	0.06	-0.27	-0.27	0.03	0.09	- 0.1 5
elm7:Bacteroides	0.77	0.73	0.39	0.63	0.29	0.32	1.00	0.20	0.95	0.78	0.46	0.38	0.60	0.69	-0.31
elm8:Enterococcus	-0.06	-0.05	-0.27	-0.20	0.28	0.34	0.20	1.00	0.15	-0.20	-0.38	-0.16	-0.06	-0.21	-0.23
elm9:Blautia	0.60	0.78	0.39	0.68	0.31	0.05	0.95	0.15	1.00	0.79	0.60	0.39	0.55	0.69	-0.13
elm10:Dorea	0.67	0.92	0.27	0.92	0.56	0.06	0.78	-0.20	0.79	1.00	0.59	0.75	0.79	0.98	-0.07
elm11:Roseburia	0.23	0.49	0.72	0.69	0.15	-0.27	0.46	-0.38	0.60	0.59	1.00	0.22	0.05	0.61	0.14
elm12:Collinsella	0.41	0.83	-0.18	0.72	0.84	-0.27	0.38	-0.16	0.39	0.75	0.22	1.00	0.86	0.75	-0.34
elm13:Helicobacter	0.67	0.80	-0.27	0.59	0.61	0.03	0.60	-0.06	0.55	0.79	0.05	0.86	1.00	0.71	-0.32
elm14:Veillonella	0.61	0.88	0.31	0.95	0.63	0.09	0.69	-0.21	0.69	0.98	0.61	0.75	0.71	1.00	-0.03
elm15:Ruminococcus	-0.51	-0.15	0.05	-0.00	-0.34	-0.15	-0.31	-0.23	- 0.1 3	-0.07	0.14	-0.34	-0.32	-0.03	1.00
	Elm3	Sups	8443	enna	enns	94/10	<4/1/2	8U/IS	64/18	Orws	Trups	?TU/18	6/11/3	PTU/S	stu ₁₀