

antibiotics_patE_Cp2_CPW: elm correlation matrix

elm1:p_Bacteroidetes*;g_Bacteroides	1.00	-0.06	-0.42	-0.30	-0.15	0.02	0.23	-0.58	-0.05	0.03	-0.05	-0.12	0.46	-0.23	-0.11
elm2:p_Verrucomicrobia*;g_Akkermansia	-0.06	1.00	-0.57	-0.73	0.88	-0.43	-0.83	0.17	-0.86	-0.11	-0.54	-0.68	-0.16	-0.09	-0.20
elm3:p_Firmicutes*;g_	-0.42	-0.57	1.00	0.92	-0.49	0.77	0.18	0.47	0.70	0.55	0.81	0.08	0.27	0.69	0.72
elm4:Other*;Other	-0.30	-0.73	0.92	1.00	-0.56	0.77	0.42	0.44	0.84	0.55	0.81	0.27	0.33	0.58	0.64
elm5:p_Firmicutes*;g_Lachnospira	-0.15	0.88	-0.49	-0.56	1.00	-0.34	-0.56	0.48	-0.86	-0.11	-0.61	-0.43	-0.10	-0.07	-0.28
elm6:p_Firmicutes*;g_	0.02	-0.43	0.77	0.77	-0.34	1.00	0.13	0.41	0.63	0.90	0.85	-0.24	0.82	0.90	0.88
elm7:p_Firmicutes*;g_Phascolarctobacterium	0.23	-0.83	0.18	0.42	-0.56	0.13	1.00	-0.16	0.48	-0.22	0.06	0.87	0.06	-0.27	-0.26
elm8:p_Firmicutes*;Other	-0.58	0.17	0.47	0.44	0.48	0.41	-0.16	1.00	-0.07	0.39	0.16	-0.13	0.16	0.52	0.33
elm9:p_Firmicutes*;g_	-0.05	-0.86	0.70	0.84	-0.86	0.63	0.48	-0.07	1.00	0.47	0.85	0.29	0.33	0.41	0.59
elm10:p_Firmicutes*;Other	0.03	-0.11	0.55	0.55	-0.11	0.90	-0.22	0.39	0.47	1.00	0.81	-0.57	0.85	0.93	0.94
elm11:p_Firmicutes*;g_Oscillospira	-0.05	-0.54	0.81	0.81	-0.61	0.85	0.06	0.16	0.85	0.81	1.00	-0.20	0.57	0.76	0.92
elm12:p_Bacteroidetes*;g_	-0.12	-0.68	0.08	0.27	-0.43	-0.24	0.87	-0.13	0.29	-0.57	-0.20	1.00	-0.42	-0.52	-0.53
elm13:p_Firmicutes*;g_Roseburia	0.46	-0.16	0.27	0.33	-0.10	0.82	0.06	0.16	0.33	0.85	0.57	-0.42	1.00	0.71	0.68
elm14:p_Firmicutes*;g_Ruminococcus	-0.23	-0.09	0.69	0.58	-0.07	0.90	-0.27	0.52	0.41	0.93	0.76	-0.52	0.71	1.00	0.93
elm15:p_Firmicutes*;g_Blautia	-0.11	-0.20	0.72	0.64	-0.28	0.88	-0.26	0.33	0.59	0.94	0.92	-0.53	0.68	0.93	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15