

LEA_h_gem_b2: elm correlation matrix

elm1: *_Faecalibacterium	1.00	0.47	0.66	0.57	0.70	0.42	0.35	0.74	0.73	0.38	0.74	0.48	0.70	0.45	0.69
elm2: *_Bacteroides	0.47	1.00	0.18	0.14	0.39	0.15	0.21	0.09	0.43	0.82	0.62	0.23	0.49	0.80	0.68
elm3: *_	0.66	0.18	1.00	0.80	0.56	0.87	0.18	0.85	0.39	0.20	0.36	0.47	0.56	0.14	0.45
elm4: *_Ruminococcus	0.57	0.14	0.80	1.00	0.45	0.89	0.53	0.68	0.58	0.44	0.37	0.37	0.73	0.36	0.51
elm5: *_Lachnospiraceae;Other	0.70	0.39	0.56	0.45	1.00	0.46	0.62	0.41	0.69	0.46	0.65	0.44	0.71	0.42	0.45
elm6: *_Blautia	0.42	0.15	0.87	0.89	0.46	1.00	0.37	0.68	0.32	0.33	0.20	0.46	0.58	0.17	0.40
elm7: *_	0.35	0.21	0.18	0.53	0.62	0.37	1.00	0.01	0.72	0.62	0.57	0.44	0.67	0.60	0.49
elm8: *_Roseburia	0.74	0.09	0.85	0.68	0.41	0.68	0.01	1.00	0.28	-0.02	0.27	0.35	0.45	-0.06	0.35
elm9: *_	0.73	0.43	0.39	0.58	0.69	0.32	0.72	0.28	1.00	0.60	0.79	0.34	0.89	0.76	0.71
elm10: *_	0.38	0.82	0.20	0.44	0.46	0.33	0.62	-0.02	0.60	1.00	0.62	0.21	0.65	0.91	0.65
elm11: *_Parabacteroides	0.74	0.62	0.36	0.37	0.65	0.20	0.57	0.27	0.79	0.62	1.00	0.47	0.74	0.77	0.80
elm12: *_Erysipelotrichaceae;Other	0.48	0.23	0.47	0.37	0.44	0.46	0.44	0.35	0.34	0.21	0.47	1.00	0.32	0.25	0.66
elm13: *_	0.70	0.49	0.56	0.73	0.71	0.58	0.67	0.45	0.89	0.65	0.74	0.32	1.00	0.73	0.75
elm14: *_	0.45	0.80	0.14	0.36	0.42	0.17	0.60	-0.06	0.76	0.91	0.77	0.25	0.73	1.00	0.79
elm15: *_Dialister	0.69	0.68	0.45	0.51	0.45	0.40	0.49	0.35	0.71	0.65	0.80	0.66	0.75	0.79	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15