

IBS_h_B_amplicons_family_TAILLESS: elm correlation matrix

elm1:Prevotellaceae	1.00	-0.74	-0.52	-0.51	-0.35	-0.76	-0.50	-0.87	-0.78	-0.72	-0.22	-0.31	-0.24	-0.58	-0.16
elm2:Bacteroidaceae	-0.74	1.00	-0.05	0.12	-0.15	0.82	0.40	0.57	0.72	0.76	0.59	-0.18	0.03	0.29	-0.35
elm3:Ruminococcaceae	-0.52	-0.05	1.00	0.33	0.41	0.04	0.05	0.70	0.05	0.10	-0.26	0.42	0.45	0.72	0.62
elm4:Lachnospiraceae	-0.51	0.12	0.33	1.00	0.27	0.05	0.69	0.24	0.36	-0.02	0.01	0.36	0.09	0.36	0.33
elm5:Alcaligenaceae	-0.35	-0.15	0.41	0.27	1.00	0.03	0.12	0.24	0.08	-0.00	-0.25	0.68	0.04	-0.05	0.54
elm6:Porphyromonadaceae	-0.76	0.82	0.04	0.05	0.03	1.00	0.19	0.68	0.91	0.96	0.22	0.07	0.10	0.25	-0.24
elm7:uc_Clostridiales	-0.50	0.40	0.05	0.69	0.12	0.19	1.00	0.21	0.36	0.09	0.44	-0.05	-0.08	0.29	-0.15
elm8:Rikenellaceae	-0.87	0.57	0.70	0.24	0.24	0.68	0.21	1.00	0.59	0.72	-0.02	0.27	0.41	0.73	0.28
elm9:uc_Bacteria	-0.78	0.72	0.05	0.36	0.08	0.91	0.36	0.59	1.00	0.83	0.16	0.17	0.07	0.30	-0.18
elm10:uc_Bacteroidales	-0.72	0.76	0.10	-0.02	-0.00	0.96	0.09	0.72	0.83	1.00	0.16	-0.05	0.29	0.35	-0.13
elm11:Veillonellaceae	-0.22	0.59	-0.26	0.01	-0.25	0.22	0.44	-0.02	0.16	0.16	1.00	-0.46	-0.25	-0.00	-0.54
elm12:uc_Firmicutes	-0.31	-0.18	0.42	0.36	0.68	0.07	-0.05	0.27	0.17	-0.05	-0.46	1.00	-0.17	-0.05	0.43
elm13:Erysipelotrichaceae	-0.24	0.03	0.45	0.09	0.04	0.10	-0.08	0.41	0.07	0.29	-0.25	-0.17	1.00	0.57	0.68
elm14:Clostridiales_incertae_sedis_XIV	-0.58	0.29	0.72	0.36	-0.05	0.25	0.29	0.73	0.30	0.35	-0.00	-0.05	0.57	1.00	0.31
elm15:Peptostreptococcaceae	-0.16	-0.35	0.62	0.33	0.54	-0.24	-0.15	0.28	-0.18	-0.13	-0.54	0.43	0.68	0.31	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15