LEA_obeso_c: elm correlation matrix

elm1:_*_Lachnospiraceae;Other	1.00	0.51	-0.39	0.17	0.32	0.51	0.35	0.24	0.73	0.70	0.04	0.16	0.47	0.59	-0.07
elm2:_*_	0.51	1.00	-0.11	0.38	0.13	0.79	0.67	-0.03	0.22	0.37	-0.10	0.54	0.04	0.34	0.48
elm3:_*_Bacteroides	-0.39	-0.11	1.00	0.08	0.16	-0.31	0.21	0.32	-0.28	-0.29	0.74	- 0.1 7	-0.04	-0.33	0.02
elm4:_*_	0.17	0.38	0.08	1.00	0.61	0.50	0.59	-0.20	0.01	0.05	0.01	-0 .0 5	-0.28	-0.10	0.80
elm5:_*_Blautia	0.32	0.13	0.16	0.61	1.00	-0.05	0.19	-0.11	0.00	-0.11	0.55	-0.26	-0.17	0.01	0.10
elm6:_*_Clostridiaceae;Other	0.51	0.79	-0.31	0.50	-0 .0 5	1.00	0.65	0.04	0.50	0.67	-0.38	0.37	0.04	0.47	0.66
elm7:_*_	0.35	0.67	0.21	0.59	0.19	0.65	1.00	0.10	0.10	0.24	-0.02	0.05	0.04	0.04	0.68
elm8:_*_[Eubacterium]	0.24	-0.03	0.32	-0.20	-0.11	0.04	0.10	1.00	0.66	0.56	0.46	-0.31	0.60	0.64	-0.32
elm9:_*_Dorea	0.73	0.22	-0.28	0.01	0.00	0.50	0.10	0.66	1.00	0.94	0.07	0.00	0.57	0.88	-0.17
elm10:_*_Streptococcus	0.70	0.37	-0.29	0.05	-0.11	0.67	0.24	0.56	0.94	1.00	-0.04	0.10	0.35	0.83	0.01
elm11:_*_	0.04	-0.10	0.74	0.01	0.55	-0.38	-0.02	0.46	0.07	-0.04	1.00	-0.27	0.09	0.08	-0.38
elm12:_*_Collinsella	0.16	0.54	-0.17	-0.05	-0.26	0.37	0.05	-0.31	0.00	0.10	-0.27	1.00	0.00	0.00	0.08
elm13:_*_Oscillospira	0.47	0.04	-0.04	-0.28	-0.17	0.04	0.04	0.60	0.57	0.35	0.09	0.00	1.00	0.44	-0.40
elm14:_*_Eubacterium	0.59	0.34	-0.33	-0.10	0.01	0.47	0.04	0.64	0.88	0.83	80.0	0.00	0.44	1.00	-0.22
elm15:_*_Ruminococcus		0.48		0.80	0.10	ш	0.68	-0.32		0.01	-0.38	0.08	-0.40	-0.22	1.00
	TUIS	24/10	em3	sup ₄	ems	94/18	<4/1/0	84/10	6W/s	elm20	Trups	?TU/8	elm13	elm14	6/11/5