

LEA_madre_ob_f: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroidales;Other;Other	1.00	-0.18	0.06	-0.24	-0.25	-0.24	-0.53	0.14	0.99	-0.17	0.86	0.18	-0.28	0.82	0.30
elm2: *_Lachnospiraceae;Other	-0.18	1.00	0.95	1.00	0.98	0.98	0.93	0.47	-0.09	0.99	0.21	0.80	0.97	0.25	0.75
elm3: *_Faecalibacterium	0.06	0.95	1.00	0.93	0.95	0.96	0.79	0.68	0.16	0.97	0.49	0.94	0.94	0.53	0.92
elm4: *_Blautia	-0.24	1.00	0.93	1.00	0.97	0.98	0.95	0.43	-0.16	0.98	0.15	0.76	0.97	0.18	0.71
elm5: *_Catenibacterium	-0.25	0.98	0.95	0.97	1.00	1.00	0.93	0.61	-0.15	0.99	0.20	0.86	1.00	0.25	0.80
elm6: *_	-0.24	0.98	0.96	0.98	1.00	1.00	0.93	0.59	-0.14	1.00	0.21	0.85	1.00	0.26	0.80
elm7: *_Erysipelotrichaceae;Other	-0.53	0.93	0.79	0.95	0.93	0.93	1.00	0.33	-0.46	0.91	-0.15	0.61	0.94	-0.11	0.52
elm8: *_Roseburia	0.14	0.47	0.68	0.43	0.61	0.59	0.33	1.00	0.27	0.58	0.61	0.88	0.60	0.66	0.88
elm9: *_[Prevotella]	0.99	-0.09	0.16	-0.16	-0.15	-0.14	-0.46	0.27	1.00	-0.07	0.92	0.30	-0.18	0.89	0.41
elm10: *_	-0.17	0.99	0.97	0.98	0.99	1.00	0.91	0.58	-0.07	1.00	0.27	0.86	0.99	0.31	0.82
elm11: *_Veillonellaceae;Other	0.86	0.21	0.49	0.15	0.20	0.21	-0.15	0.61	0.92	0.27	1.00	0.64	0.18	1.00	0.73
elm12: *_Ruminococcaceae;Other	0.18	0.80	0.94	0.76	0.86	0.85	0.61	0.88	0.30	0.86	0.64	1.00	0.84	0.69	0.99
elm13: *_	-0.28	0.97	0.94	0.97	1.00	1.00	0.94	0.60	-0.18	0.99	0.18	0.84	1.00	0.22	0.78
elm14: *_Prevotella	0.82	0.25	0.53	0.18	0.25	0.26	-0.11	0.66	0.89	0.31	1.00	0.69	0.22	1.00	0.77
elm15: *_	0.30	0.75	0.92	0.71	0.80	0.80	0.52	0.88	0.41	0.82	0.73	0.99	0.78	0.77	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15