

diets_h_pl_7_pre: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	0.38	0.88	0.70	0.85	0.81	0.87	0.93	0.45	-0.04	-0.49	0.81	-0.11	0.05	0.98
elm2: *_	0.38	1.00	0.09	0.91	0.72	0.82	0.78	0.60	0.71	0.03	0.59	0.75	0.61	0.07	0.48
elm3: *_	0.88	0.09	1.00	0.48	0.75	0.64	0.68	0.65	-0.02	-0.43	-0.56	0.72	-0.02	-0.35	0.90
elm4: *_	0.70	0.91	0.48	1.00	0.94	0.98	0.96	0.80	0.62	-0.15	0.28	0.95	0.52	-0.07	0.79
elm5: *_Ruminococcus	0.85	0.72	0.75	0.94	1.00	0.99	0.98	0.83	0.43	-0.31	0.02	1.00	0.41	-0.23	0.94
elm6: *_	0.81	0.82	0.64	0.98	0.99	1.00	0.99	0.85	0.55	-0.21	0.12	0.99	0.44	-0.13	0.89
elm7: *_	0.87	0.78	0.68	0.96	0.98	0.99	1.00	0.91	0.60	-0.12	0.01	0.97	0.31	-0.03	0.92
elm8: *_Sutterella	0.93	0.60	0.65	0.80	0.83	0.85	0.91	1.00	0.75	0.23	-0.29	0.80	-0.10	0.32	0.89
elm9: *_	0.45	0.71	-0.02	0.62	0.43	0.55	0.60	0.75	1.00	0.69	0.11	0.42	-0.12	0.73	0.38
elm10: *_Faecalibacterium	-0.04	0.03	-0.43	-0.15	-0.31	-0.21	-0.12	0.23	0.69	1.00	-0.18	-0.34	-0.66	1.00	-0.22
elm11: *_Clostridiales;Other;Other	-0.49	0.59	-0.56	0.28	0.02	0.12	0.01	-0.29	0.11	-0.18	1.00	0.09	0.82	-0.22	-0.33
elm12: *_Parabacteroides	0.81	0.75	0.72	0.95	1.00	0.99	0.97	0.80	0.42	-0.34	0.09	1.00	0.47	-0.26	0.91
elm13: *_Paraprevotella	-0.11	0.61	-0.02	0.52	0.41	0.44	0.31	-0.10	-0.12	-0.66	0.82	0.47	1.00	-0.67	0.10
elm14: *_Blautia	0.05	0.07	-0.35	-0.07	-0.23	-0.13	-0.03	0.32	0.73	1.00	-0.22	-0.26	-0.67	1.00	-0.13
elm15: *_Phascolarctobacterium	0.98	0.48	0.90	0.79	0.94	0.89	0.92	0.89	0.38	-0.22	-0.33	0.91	0.10	-0.13	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15