

LEA_gem_ob_f2: elm correlation matrix

elm1: *_	1.00	0.63	0.82	0.15	0.74	-0.85	-0.37	0.63	0.29	-0.19	1.00	0.75	-0.08	0.47	-0.98
elm2: *_Faecalibacterium	0.63	1.00	0.07	0.87	-0.07	-0.12	0.49	-0.21	0.93	0.65	0.57	-0.05	0.73	0.98	-0.48
elm3: *_Roseburia	0.82	0.07	1.00	-0.44	0.99	-1.00	-0.84	0.96	-0.31	-0.72	0.86	0.99	-0.64	-0.12	-0.91
elm4: *_Blautia	0.15	0.87	-0.44	1.00	-0.56	0.39	0.86	-0.67	0.99	0.94	0.08	-0.54	0.97	0.94	0.02
elm5: *_Lachnospiraceae;Other	0.74	-0.07	0.99	-0.56	1.00	-0.98	-0.90	0.99	-0.44	-0.80	0.78	1.00	-0.73	-0.25	-0.84
elm6: *_Bacteroides	-0.85	-0.12	-1.00	0.39	-0.98	1.00	0.81	-0.95	0.26	0.68	-0.88	-0.98	0.59	0.07	0.93
elm7: *_Prevotella	-0.37	0.49	-0.84	0.86	-0.90	0.81	1.00	-0.95	0.78	0.98	-0.44	-0.90	0.95	0.64	0.53
elm8: *_	0.63	-0.21	0.96	-0.67	0.99	-0.95	-0.95	1.00	-0.56	-0.88	0.69	0.99	-0.82	-0.39	-0.76
elm9: *_	0.29	0.93	-0.31	0.99	-0.44	0.26	0.78	-0.56	1.00	0.89	0.22	-0.42	0.93	0.98	-0.11
elm10: *_Ruminococcus	-0.19	0.65	-0.72	0.94	-0.80	0.68	0.98	-0.88	0.89	1.00	-0.26	-0.79	0.99	0.78	0.36
elm11: *_Dorea	1.00	0.57	0.86	0.08	0.78	-0.88	-0.44	0.69	0.22	-0.26	1.00	0.79	-0.15	0.41	-0.99
elm12: *_Streptococcus	0.75	-0.05	0.99	-0.54	1.00	-0.98	-0.90	0.99	-0.42	-0.79	0.79	1.00	-0.72	-0.24	-0.85
elm13: *_Collinsella	-0.08	0.73	-0.64	0.97	-0.73	0.59	0.95	-0.82	0.93	0.99	-0.15	-0.72	1.00	0.84	0.26
elm14: *_Brevibacillus	0.47	0.98	-0.12	0.94	-0.25	0.07	0.64	-0.39	0.98	0.78	0.41	-0.24	0.84	1.00	-0.31
elm15: *_Parabacteroides	-0.98	-0.48	-0.91	0.02	-0.84	0.93	0.53	-0.76	-0.11	0.36	-0.99	-0.85	0.26	-0.31	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15