

diets_pl_9_diet: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	0.90	0.71	0.97	0.86	0.77	0.73	0.87	0.01	0.72	0.84	0.69	0.79	0.58	0.65
elm2: *_	0.90	1.00	0.35	0.86	0.90	0.91	0.73	0.95	-0.42	0.76	0.73	0.34	0.97	0.88	0.81
elm3: *_	0.71	0.35	1.00	0.75	0.50	0.13	0.27	0.31	0.66	0.46	0.73	0.87	0.14	-0.13	0.01
elm4: *_	0.97	0.86	0.75	1.00	0.93	0.64	0.53	0.76	-0.00	0.85	0.95	0.60	0.72	0.55	0.48
elm5: *_Faecalibacterium	0.86	0.90	0.50	0.93	1.00	0.65	0.40	0.73	-0.32	0.96	0.93	0.27	0.78	0.73	0.47
elm6: *_	0.77	0.91	0.13	0.64	0.65	1.00	0.91	0.98	-0.46	0.44	0.40	0.32	0.97	0.87	0.98
elm7: *_Bifidobacterium	0.73	0.73	0.27	0.53	0.40	0.91	1.00	0.91	-0.10	0.14	0.23	0.59	0.78	0.58	0.93
elm8: *_Sutterella	0.87	0.95	0.31	0.76	0.73	0.98	0.91	1.00	-0.33	0.52	0.54	0.46	0.96	0.82	0.94
elm9: *_Roseburia	0.01	-0.42	0.66	-0.00	-0.32	-0.46	-0.10	-0.33	1.00	-0.32	-0.00	0.69	-0.57	-0.80	-0.45
elm10: *_Coprococcus	0.72	0.76	0.46	0.85	0.96	0.44	0.14	0.52	-0.32	1.00	0.94	0.12	0.62	0.62	0.24
elm11: *_Clostridiales;Other;Other	0.84	0.73	0.73	0.95	0.93	0.40	0.23	0.54	-0.00	0.94	1.00	0.43	0.54	0.44	0.21
elm12: *_Lachnospiraceae;Other	0.69	0.34	0.87	0.60	0.27	0.32	0.59	0.46	0.69	0.12	0.43	1.00	0.21	-0.12	0.29
elm13: *_Lachnospira	0.79	0.97	0.14	0.72	0.78	0.97	0.78	0.96	-0.57	0.62	0.54	0.21	1.00	0.95	0.91
elm14: *_Blautia	0.58	0.88	-0.13	0.55	0.73	0.87	0.58	0.82	-0.80	0.62	0.44	-0.12	0.95	1.00	0.81
elm15: *_Ruminococcus	0.65	0.81	0.01	0.48	0.47	0.98	0.93	0.94	-0.45	0.24	0.21	0.29	0.91	0.81	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15