antibiotics_h_patD_pre_TAILLESS: rank matrix & stability

		<u></u>	<u></u>				
pBacteroidetes;*;gBacteroides	1	1	1	1	1	1	2
pBacteroidetes;*;g	4	2	37	2	2	2	1
Other;*;Other	5	3	4	5	3	4	3
pFirmicutes;*;g	3	5	2	4	6	5	5
pFirmicutes;*;g	2	6	9	3	5	7	6
pProteobacteria;*;gSutterella	11	4	8	6	7	6	4
pFirmicutes;*;g	7	7	3	8	8	9	8
pFirmicutes;*;gDialister	6	8	5	9	11	16	20
pCyanobacteria;*;g	26	39	39	18	4	3	7
pFirmicutes;*;gFaecalibacterium	10	10	6	10	12	8	15
pFirmicutes;*;gLachnospira	15	12	12	7	10	10	9
pVerrucomicrobia;*;gAkkermansia	16	9	7	11	13	24	18
pFirmicutes;*;gRoseburia	8	22	15	13	14	13	12
p Firmicutes;*;Other	12	15	10	14	15	18	10
<pre>p_Firmicutes;*;g_Ruminococcus</pre>	14	11	14	15	9	19	23
pFirmicutes;*;Other	13	13	13	12	16	14	16
p_Firmicutes;*;g_Oscillospira	23	14	11	17	17	12	11
<pre>p_Firmicutes;*;g_[Eubacterium]</pre>	9	17	42	22	23	21	25
p Firmicutes;*;g Blautia	19	18	16	16	18	17	17
p Bacteroidetes;*;Other	21	20	33	21	21	11	13
p Firmicutes;*;Other	18	21	17	19	19	20	22
p Firmicutes;*;g Coprococcus	17	16	18	20	20	23	21
p Bacteroidetes;*;g Odoribacter	30	19	38	23	22	15	19
p Bacteroidetes;*;g	34	24	26	25	27	22	14
p Firmicutes;*;g	20	25	24	28	29	34	26
p Firmicutes;*;g Dorea	24	27	20	24	26	28	24
p Firmicutes;*;g Anaerostipes	22	23	19	26	30	25	37
p Firmicutes;*;g [Ruminococcus]	29	26	23	30	24	27	30
p Firmicutes;*;g	25	32	21	29	25	36	28
p Firmicutes;*;g	27	28	31	27	28	26	27
p_Firmicutes;*;g_Clostridium	31	31	22	41	39	31	41
p Firmicutes;*;q	32	29	40	42	36	29	29
p Firmicutes;*;Other	28	30	32	38	38	38	36
pFirmicutes;*;gSMB53	33	35	34	35	35	39	33
p Firmicutes;*;q Turicibacter	36	40	25	40	37	37	32
p Firmicutes;*;q	35	37	41	37	42	32	31
p Firmicutes;*;g Streptococcus	38	41	27	34	34	33	40
p Firmicutes;*;g Clostridium	37	34	30	36	40	40	34
p Bacteroidetes;*;g Prevotella	39	33	36	33	33	30	35
p Firmicutes;*;g Veillonella	40	36	28	31	41	41	42
p TM7;*;g	41	42	29	32	31	42	38
Other;*;Other	42	38	35	39	32	35	39
Salet, Johner							
	70	Q ²	ŝ	0	S	å	17.6
							~

Rank Stability Index (in %)