

antibiotics_h_patF_pre_CORE: elm correlation matrix

elm1:p_Bacteroidetes*;g_Bacteroides	1.00	-0.40	-0.41	0.18	0.17	0.25	-0.07	-0.32	0.16	-0.51	-0.24	-0.32	-0.31	-0.15	-0.09
elm2:Other*;Other	-0.40	1.00	0.44	0.05	-0.22	-0.36	-0.25	0.38	-0.04	0.45	-0.02	0.02	-0.35	0.41	-0.03
elm3:p_Firmicutes*;g_	-0.41	0.44	1.00	-0.30	-0.35	0.16	0.58	0.47	0.24	0.51	0.25	-0.37	-0.21	0.39	-0.06
elm4:p_Firmicutes*;g_	0.18	0.05	-0.30	1.00	-0.12	-0.80	-0.30	0.25	0.54	0.19	0.13	0.16	0.16	0.38	0.07
elm5:p_Firmicutes*;g_	0.17	-0.22	-0.35	-0.12	1.00	0.10	-0.16	-0.73	-0.29	-0.32	-0.79	0.06	0.48	-0.35	0.51
elm6:p_Firmicutes*;g_Lachnospira	0.25	-0.36	0.16	-0.80	0.10	1.00	0.45	-0.15	-0.25	-0.39	0.03	-0.42	-0.17	-0.35	0.07
elm7:p_Firmicutes*;g_Coprococcus	-0.07	-0.25	0.58	-0.30	-0.16	0.45	1.00	0.21	-0.08	0.15	0.41	-0.36	0.31	-0.22	-0.20
elm8:p_Tenericutes*;g_	-0.32	0.38	0.47	0.25	-0.73	-0.15	0.21	1.00	0.40	0.54	0.75	0.06	-0.19	0.66	-0.27
elm9:p_Bacteroidetes*;g_	0.16	-0.04	0.24	0.54	-0.29	-0.25	-0.08	0.40	1.00	0.15	0.23	-0.17	-0.29	0.77	0.33
elm10:p_Firmicutes*;g_Faecalibacterium	-0.51	0.45	0.51	0.19	-0.32	-0.39	0.15	0.54	0.15	1.00	0.18	0.09	0.17	0.43	-0.13
elm11:p_Firmicutes*;Other	-0.24	-0.02	0.25	0.13	-0.79	0.03	0.41	0.75	0.23	0.18	1.00	0.17	-0.02	0.26	-0.36
elm12:p_Bacteroidetes*;g_Parabacteroides	-0.32	0.02	-0.37	0.16	0.06	-0.42	-0.36	0.06	-0.17	0.09	0.17	1.00	0.34	0.18	-0.28
elm13:p_Firmicutes*;g_Ruminococcus	-0.31	-0.35	-0.21	0.16	0.48	-0.17	0.31	-0.19	-0.29	0.17	-0.02	0.34	1.00	-0.36	0.20
elm14:p_Bacteroidetes*;g_	-0.15	0.41	0.39	0.38	-0.35	-0.35	-0.22	0.66	0.77	0.43	0.26	0.18	-0.36	1.00	0.07
elm15:p_Firmicutes*;Other	-0.09	-0.03	-0.06	0.07	0.51	0.07	-0.20	-0.27	0.33	-0.13	-0.36	-0.28	0.20	0.07	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15