## \_kwashiorkor\_gen\_h207B: elm correlation matrix

	1 < V	v a 5 i		1.01	_9~	'''		, D.	C111			acio	<i>-</i>	IIGC	1 1/1
elm1:Prevotella	1.00	-0.56	0.40	-0.31	0.07	0.35	0.39	-0.21	-0.72	0.39	0.17	-0.57	-0.13	0.14	0.48
elm2:Bacteroides	-0.56	1.00	-0.31	0.86	-0.33	-0.24	-0.30	-0.18	0.07	- <b>0.1</b> 5	-0.62	0.82	0.62	-0.27	-0.33
elm3:Bifidobacterium	0.40	-0.31	1.00	-0.48	-0.45	0.95	1.00	-0.55	-0.43	0.04	0.55	-0.69	-0.27	0.66	0.96
elm4:Faecalibacterium	-0.31	0.86	-0.48	1.00	-0.06	-0.36	-0.47	0.07	0.04	0.25	-0.77	0.82	0.44	-0.42	-0.54
elm5:Eubacterium	0.07	-0.33	-0.45	-0.06	1.00	-0.36	-0.45	0.50	0.22	0.43	0.27	0.16	-0.37	0.22	-0.52
elm6:Megasphaera	0.35	-0.24	0.95	-0.36	-0.36	1.00	0.96	-0.43	-0.34	0.27	0.45	-0.55	-0.21	0.64	0.88
elm7:Lactobacillus	0.39	-0.30	1.00	-0.47	-0.45	0.96	1.00	-0.53	-0.42	0.07	0.53	-0.67	-0.26	0.66	0.96
elm8:Roseburia	-0.21	-0.18	-0.55	0.07	0.50	-0.43	-0.53	1.00	0.78	0.39	-0.33	0.24	-0.18	-0.40	-0.60
elm9:Ruminococcus	-0.72	0.07	-0.43	0.04	0.22	-0.34	-0.42	0.78	1.00	-0.01	-0.18	0.32	-0.14	-0.26	-0.52
elm10:Dorea	0.39	-0.15	0.04	0.25	0.43	0.27	0.07	0.39	-0.01	1.00	-0.17	0.04	-0.25	0.07	-0.11
elm11:Streptococcus	0.17	-0.62	0.55	-0.77	0.27	0.45	0.53	-0.33	-0.18	- <b>0.1</b> 7	1.00	-0.64	-0.60	0.84	0.50
elm12:Blautia	-0.57	0.82	-0.69	0.82	0.16	-0.55	-0.67	0.24	0.32	0.04	-0.64	1.00	0.62	-0.36	-0.69
elm13:Megamonas	-0.13	0.62	-0.27	0.44	-0.37	-0.21	-0.26	-0.18	-0.14	-0.25	-0.60	0.62	1.00	-0.41	-0.10
elm14:Veillonella	0.14	-0.27	0.66	-0.42	0.22	0.64	0.66	-0.40	-0.26	0.07	0.84	-0.36	-0.41	1.00	0.56
elm15:Collinsella	0.48	-0.33	0.96	-0.54	-0.52	0.88	0.96	-0.60	-0.52	-0.11	ш	-0.69	-0.10	0.56	1.00
	rujo	Suns	eln3	6/174	enns	94/10	<4/10	84/10	64/10	o <sub>tujo</sub>	6/11/1	eln12	elm23	elm24	stu <sub>1</sub> s