## antibiotics\_h\_patF\_pre\_TAILLESS: rank matrix & stability

dittib	100103	'—' '-	_paci	_ \	- <u>-</u> ''		<i></i> .	IGIII	maci	171	G 500
<pre>p_Bacteroidetes;*;g_Bacteroides</pre>	1	1	1	1	2	1	1	1	1	1	1
Other;*;Other	3	2	2	2	1	2	2	2	2	2	2
pFirmicutes;*;g	5	4	5	4	3	3	3	4	3	4	4
pFirmicutes;*;g	4	5	4	7	5	4	6	7	4	3	5
pFirmicutes;*;g	2	3	3	3	4	6	7	6	9	5	6
<pre>pFirmicutes;*;gLachnospira</pre>	8	8	6	5	6	7	5	5	8	9	3
<pre>pFirmicutes;*;gCoprococcus</pre>	6	10	8	6	9	10	4	3	5	6	7
pTenericutes;*;g	14	12	9	16	7	5	11	8	6	8	9
p_Bacteroidetes;*;g_	11	9	7	8	12	11	9	10	7	7	10
pFirmicutes;*;gFaecalibacterium	10	14	12	9	11	8	8	12	10	12	17
pFirmicutes;*;Other	12	17	17	19	10	12	10	9	12	10	8
pBacteroidetes;*;gParabacteroides	9	16	11	10	8	13	12	15	13	13	11
pFirmicutes;*;gRuminococcus	7	13	16	12	15	14	14	11	18	16	13
pBacteroidetes;*;g	16	15	10	11	13	15	15	14	11	14	12
pFirmicutes;*;Other	13	7	15	18	20	19	16	16	19	17	14
pFirmicutes;*;g	18	6	13	15	14	16	22	20	16	19	19
pFirmicutes;*;gBlautia	21	19	19	20	17	9	13	13	15	11	18
pFirmicutes;*;gOscillospira	17	20	14	17	18	18	17	17	14	15	16
pProteobacteria;*;gSutterella	20	18	18	13	19	20	19	19	17	18	15
pCyanobacteria;*;g	15	11	41	14	16	17	21	22	21	21	20
pBacteroidetes;*;Other	19	24	20	21	21	21	18	23	25	23	21
p_Firmicutes;*;Other	23	21	23	22	22	22	20	18	22	20	23
pBacteroidetes;*;gButyricimonas	22	27	22	25	26	23	26	21	20	22	22
p_Bacteroidetes;*;g_Odoribacter	24	22	21	23	24	27	25	30	26	27	24
pProteobacteria;*;gBilophila	25	26	25	24	25	25	31	36	24	24	25
_pFirmicutes;*;gRoseburia	28	31	24	26	36	32	23	25	33	28	26
pFirmicutes;*;gStreptococcus	35	25	26	29	28	26	33	24	28	33	28
pFirmicutes;*;gClostridium	34	35	35	34	29	30	24	27	23	25	27
p_Firmicutes;*;g_Dorea	30	29	29	31	27	24	29	31	29	29	29
pProteobacteria;*;gDesulfovibrio	29	34 30	37	48 28	23	28	30 27	33	27 30	30	31
pFirmicutes;*;gAnaerostipes	26 33	23	27 33	28 27	40 39	31 33	40	35 40	30	39 36	42 43
p_Firmicutes;*;g_	32	28	45	33	35	35	36	32	32	26	43
p_Actinobacteria;*;g_Bifidobacterium	27	32	34	35 35	41	36	32	29	39	32	40
p_Firmicutes;*;g_[Ruminococcus] p_Firmicutes;*;g	36	38	30	35 37	32	37	28	41	34	31	30
p_Firmicutes,*,g_ p_Firmicutes;*;g	37	39	38	44	30	34	38	38	38	37	38
p Firmicutes;*;g Veillonella	46	36	31	40	47	47	47	26	37	45	47
p_Firmicutes;*;g_Holdemania	38	45	40	38	31	44	34	45	35	38	33
p Firmicutes;*;g Coprobacillus	41	37	48	36	43	29	42	39	40	46	48
p Firmicutes;*;g rc4-4	31	43	36	30	33	38	37	47	47	43	41
p Proteobacteria;*;g	39	33	43	41	34	45	39	43	44	34	39
p Proteobacteria;*;g Haemophilus	42	40	49	39	44	49	35	28	41	48	35
p Firmicutes;*;g Dehalobacterium	43	46	44	45	37	39	41	37	36	35	36
p Firmicutes;*;g	45	44	28	43	42	43	46	48	48	40	37
p Proteobacteria;*;g	48	49	32	32	48	41	44	49	49	47	34
pFirmicutes;*;g_	44	47	39	42	38	42	45	44	42	42	46
pFirmicutes;*;gLachnobacterium	40	42	46	46	45	40	43	34	43	44	44
p Firmicutes;*;g	47	48	47	47	46	48	48	42	45	41	32
p_Verrucomicrobia;*;g_Akkermansia	49	41	42	49	49	46	49	46	46	49	49
	<u>~</u>	Ŷ	Ę,	To.	₹.	Ý	4	₹%	Ź	30	77

Rank Stability Index (in %