kwashiorkor gen h h259A; elm correlation matrix

	KVV	3511	IUIK	<u>.01_</u>	gen	<u>_''</u> _	1125	JJA	. en	11 C	OH	ziat	1011	IIIa	LIIX
elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.75	0.64	0.01	-0.70	-0.33	0.07	-0.44	-0.96	-0.42	-0.76	-0.58	0.81	0.82	-0.43
elm2:Prevotella	-0.75	1.00	-0.45	-0.32	0.21	-0.31	-0.09	0.90	0.81	0.88	0.31	0.96	-0.50	-0.52	0.90
elm3:Streptococcus	0.64	-0.45	1.00	0.66	-0.07	0.05	-0.72	-0.42	-0.41	-0.45	-0.12	-0.45	0.96	0.95	-0.42
elm4:Escherichia	0.01	-0.32	0.66	1.00	0.68	0.75	-0.84	-0.62	0.15	-0.66	0.63	-0.51	0.43	0.42	-0.63
elm5:Blautia	-0.70	0.21	-0.07	0.68	1.00	0.86	-0.53	-0.24	0.74	-0.27	0.99	-0.06	-0.35	-0.37	-0.25
elm6:Veillonella	-0.33	-0.31	0.05	0.75	0.86	1.00	-0.35	-0.69	0.30	-0.71	0.80	-0.55	-0.19	-0.19	-0.70
elm7:Lactobacillus	0.07	-0.09	-0.72	-0.84	-0.53	-0.35	1.00	0.14	-0.33	0.19	-0.53	0.05	-0.52	-0.50	0.15
elm8:Faecalibacterium	-0.44	0.90	-0.42	-0.62	-0.24	-0.69	0.14	1.00	0.48	1.00	- 0.1 3	0.98	-0.34	-0.35	1.00
elm9:Bacteroides	-0.96	0.81	-0.41	0.15	0.74	0.30	-0.33	0.48	1.00	0.45	0.80	0.63	-0.60	-0.62	0.47
elm10:Collinsella	-0.42	0.88	-0.45	-0.66	-0.27	-0.71	0.19	1.00	0.45	1.00	-0.17	0.98	-0.36	-0.37	1.00
elm11:Sutterella	-0.76	0.31	-0.12	0.63	0.99	0.80	-0.53	- 0.1 3	0.80	-0.17	1.00	0.05	-0.40	-0.41	-0.14
elm12:Eubacterium	-0.58	0.96	-0.45	-0.51	-0.06	-0.55	0.05	0.98	0.63	0.98	0.05	1.00	-0.42	-0.43	0.98
elm13:Klebsiella	0.81	-0.50	0.96	0.43	-0.35	-0.19	-0.52	-0.34	-0.60	-0.36	-0.40	-0.42	1.00	1.00	-0.33
elm14:Rothia	0.82	-0.52	0.95	0.42	-0.37	-0.19	-0.50	-0.35	-0.62	-0.37	-0.41	-0.43	1.00	1.00	-0.35
elm15:Akkermansia	ш	0.90	-0.42	-0.63	-0.25	-0.70	0.15	1.00	0.47	1.00	-0.14	0.98	-0.33	-0.35	1.00
	tu _{lo}	24/8	ems	844/2	su _{ns}	9440	<4/1/2	844/8	6449	07440	rrups	<714/s	e/n13	6/11/4	elm15