diets_h_an_4_pre: elm correlation matrix

diets_ii_aii_4_pre. eiiii correlation matrix															
elm1:_*_Bacteroides	1.00	0.64	0.75	0.93	0.89	0.61	0.19	0.91	0.83	0.45	-0.18	0.36	0.83	-0.69	-0.24
elm2:_*_	0.64	1.00	0.95	0.44	0.33	0.86	0.45	0.40	0.57	0.87	0.44	0.89	0.36	-0.02	0.24
elm3:_*_	0.75	0.95	1.00	0.50	0.39	0.96	0.63	0.45	0.51	0.68	0.13	0.88	0.36	-0.31	-0.09
elm4:_*_	0.93	0.44	0.50	1.00	0.99	0.30	-0.18	1.00	0.93	0.40	-0.11	0.04	0.97	-0.61	-0.08
elm5:_*_Faecalibacterium	0.89	0.33	0.39	0.99	1.00	0.18	-0.27	1.00	0.91	0.31	-0.17	-0.08	0.98	-0.62	-0.10
elm6:_*_	0.61	0.86	0.96	0.30	0.18	1.00	0.82	0.24	0.26	0.52	0.01	0.93	0.12	-0.32	-0.24
elm7:_*_	0.19	0.45	0.63	-0.18	-0.27	0.82	1.00	-0.24	-0.32	0.01	-0.31	0.76	-0.39	-0.31	-0.55
elm8:_*_Butyricimonas	0.91	0.40	0.45	1.00	1.00	0.24	-0.24	1.00	0.93	0.38	-0.11	-0.01	0.98	-0.60	-0.06
elm9:_*_Ruminococcus	0.83	0.57	0.51	0.93	0.91	0.26	-0.32	0.93	1.00	0.67	0.26	0.13	0.96	-0.27	0.29
elm10:_*_Parabacteroides	0.45	0.87	0.68	0.40	0.31	0.52	0.01	0.38	0.67	1.00	0.78	0.65	0.44	0.33	0.66
elm11:_*_Blautia	-0.18	0.44	0.13	-0.11	-0.17	0.01	-0.31	-0.11	0.26	0.78	1.00	0.32	0.02	0.84	0.96
elm12:_*_	0.36	0.89	0.88	0.04	-0.08	0.93	0.76	-0.01	0.13	0.65	0.32	1.00	-0.08	0.06	0.06
elm13:_*_Sutterella	0.83	0.36	0.36	0.97	0.98	0.12	-0.39	0.98	0.96	0.44	0.02	-0.08	1.00	-0.46	0.10
elm14:_*_Bifidobacterium	-0.69	-0.02	-0.31	-0.61	-0.62	-0.32	-0.31	-0.60	-0.27	0.33	0.84	0.06	-0.46	1.00	0.84
elm15:_*_Coprococcus	-0.24	0.24	-0.09	-0.08	-0.10	-0.24	-0.55	-0.06	0.29	0.66		0.06	0.10	0.84	1.00
	TUIS	ζ _W	em3	sup ₄	s _m s	94/10	<u></u> ///o	84/18	64/10	o _{tujo}	eln ₁	<	6/10/3	6/11/4	em15