

LEA\_gem\_ob\_f1: elm correlation matrix

elm1: *_Prevotella	1.00	0.82	0.35	0.46	0.57	-0.19	0.83	0.02	0.78	-0.51	0.59	0.06	-0.59	0.91	-0.01
elm2: *_Faecalibacterium	0.82	1.00	0.61	0.55	0.86	-0.11	0.82	-0.13	0.86	-0.01	0.30	0.09	-0.29	0.75	0.17
elm3: *_Blautia	0.35	0.61	1.00	0.91	0.25	-0.74	0.06	0.29	0.77	0.03	0.35	-0.36	0.33	0.27	0.46
elm4: *_	0.46	0.55	0.91	1.00	0.11	-0.85	0.11	0.62	0.66	-0.35	0.70	-0.15	0.01	0.49	0.11
elm5: *_Lachnospiraceae;Other	0.57	0.86	0.25	0.11	1.00	0.39	0.86	-0.46	0.55	0.34	-0.12	0.32	-0.29	0.54	0.07
elm6: *_Roseburia	-0.19	-0.11	-0.74	-0.85	0.39	1.00	0.33	-0.66	-0.45	0.46	-0.63	0.49	-0.26	-0.14	-0.26
elm7: *_Bacteroides	0.83	0.82	0.06	0.11	0.86	0.33	1.00	-0.25	0.52	-0.15	0.25	0.44	-0.69	0.83	-0.21
elm8: *_	0.02	-0.13	0.29	0.62	-0.46	-0.66	-0.25	1.00	-0.12	-0.66	0.81	0.27	-0.27	0.28	-0.54
elm9: *_Dorea	0.78	0.86	0.77	0.66	0.55	-0.45	0.52	-0.12	1.00	-0.09	0.31	-0.40	0.03	0.55	0.54
elm10: *_	-0.51	-0.01	0.03	-0.35	0.34	0.46	-0.15	-0.66	-0.09	1.00	-0.89	-0.13	0.64	-0.60	0.47
elm11: *_Brevibacillus	0.59	0.30	0.35	0.70	-0.12	-0.63	0.25	0.81	0.31	-0.89	1.00	0.21	-0.59	0.74	-0.45
elm12: *_Streptococcus	0.06	0.09	-0.36	-0.15	0.32	0.49	0.44	0.27	-0.40	-0.13	0.21	1.00	-0.74	0.42	-0.90
elm13: *_Ruminococcus	-0.59	-0.29	0.33	0.01	-0.29	-0.26	-0.69	-0.27	0.03	0.64	-0.59	-0.74	1.00	-0.80	0.78
elm14: *_Phascolarctobacterium	0.91	0.75	0.27	0.49	0.54	-0.14	0.83	0.28	0.55	-0.60	0.74	0.42	-0.80	1.00	-0.38
elm15: *_	-0.01	0.17	0.46	0.11	0.07	-0.26	-0.21	-0.54	0.54	0.47	-0.45	-0.90	0.78	-0.38	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15