	kwashiorkor_gen_h_h47A: elm correlation matrix														
lla	1.00	0.11	0.70	-0.33	-0.02	0.34	0.16	-0.11	0.77	0.83	0.79	0.73	-0.54	0.35	-0.33

	1 / 4 /	usi		\\\ \ \ \ \ _	_9C11_11_11+77.				Citti Correlation matrix						
elm1:Prevotella	1.00	0.11	0.70	-0.33	-0.02	0.34	0.16	-0.11	0.77	0.83	0.79	0.73	-0.54	0.35	-0.33
elm2:Bifidobacterium	0.11	1.00	0.69	0.54	-0.11	0.55	0.50	0.36	0.44	-0.23	0.62	-0.37	-0.32	0.50	0.61
elm3:Faecalibacterium	0.70	0.69	1.00	-0 <u>.0</u> 6	0.28	0.83	0.65	0.29	0.92	0.21	0.96	0.09	-0.65	0.78	0.08
elm4:Lactobacillus	-0.33	0.54	-0.06	1.00	-0.49	-0.33	-0.41	-0.40	-0.43	-0.20	-0.16	-0.47	-0.24	-0.43	0.96
elm5:Bacteroides	-0.02	-0.11	0.28	-0.49	1.00	0.64	0.54	0.23	0.36	-0.43	0.09	-0.40	-0.33	0.58	-0.24
elm6:Blautia	0.34	0.55	0.83	-0.33	0.64	1.00	0.94	0.65	0.85	-0.24	0.74	-0.21	-0.35	0.98	-0.13
elm7:Megamonas	0.16	0.50	0.65	-0.41	0.54	0.94	1.00	0.87	0.75	-0.36	0.62	-0.20	0.00	0.97	-0.26
elm8:Megasphaera	-0.11	0.36	0.29	-0.40	0.23	0.65	0.87	1.00	0.46	-0.42	0.36	- 0.1 3	0.48	0.76	-0.36
elm9:Collinsella	0.77	0.44	0.92	-0.43	0.36	0.85	0.75	0.46	1.00	0.30	0.95	0.31	-0.43	0.87	-0.32
elm10:Mitsuokella	0.83	-0.23	0.21	-0.20	-0.43	-0.24	-0.36	-0.42	0.30	1.00	0.38	0.92	-0.27	-0.21	-0.33
elm11:Dorea	0.79	0.62	0.96	-0.16	0.09	0.74	0.62	0.36	0.95	0.38	1.00	0.33	-0.48	0.75	-0.09
elm12:Streptococcus	0.73	-0.37	0.09	-0.47	-0.40	-0.21	-0.20	- 0.1 3	0.31	0.92	0.33	1.00	0.07	-0.10	-0.63
elm13:Veillonella	-0.54	-0.32	-0.65	-0.24	-0.33	-0.35	0.00	0.48	-0.43	-0.27	-0.48	0.07	1.00	-0.19	-0.40
elm14:Helicobacter	0.35	0.50	0.78	-0.43	0.58	0.98	0.97	0.76	0.87	-0.21	0.75	-0.10	-0.19	1.00	-0.26
elm15:Roseburia	-0.33	0.61	0.08	0.96	-0.24	-0.13	-0.26	-0.36	-0.32	-0.33	-0.09	-0.63	-0.40	-0.26	1.00
	Tuys	24/18	enn3	81114	8/1/18	94/10	<4/ _{1/0}	84/18	64/10	OTUJO	elm1	<tup< td=""><td>elm23</td><td>e/m14</td><td>elm25</td></tup<>	elm23	e/m14	elm25