

kwashiorkor_gen_k187B: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	0.79	0.46	0.74	0.86	-0.17	0.65	-0.23	0.88	0.45	-0.63	0.00	0.61	0.85	0.88
elm2:Prevotella	0.79	1.00	0.03	0.80	0.59	0.15	0.67	-0.16	0.61	0.53	-0.57	0.24	0.78	0.78	0.63
elm3:Lactobacillus	0.46	0.03	1.00	0.53	0.65	0.07	0.47	-0.67	0.62	0.55	0.01	0.23	0.42	0.37	0.61
elm4:Bacteroides	0.74	0.80	0.53	1.00	0.69	0.29	0.89	-0.47	0.67	0.88	-0.42	0.57	0.98	0.69	0.69
elm5:Escherichia	0.86	0.59	0.65	0.69	1.00	0.20	0.43	-0.39	1.00	0.35	-0.18	-0.15	0.53	0.93	1.00
elm6:Veillonella	-0.17	0.15	0.07	0.29	0.20	1.00	-0.09	-0.36	0.16	0.17	0.67	0.12	0.33	0.30	0.18
elm7:Collinsella	0.65	0.67	0.47	0.89	0.43	-0.09	1.00	-0.32	0.42	0.94	-0.68	0.75	0.90	0.38	0.43
elm8:Streptococcus	-0.23	-0.16	-0.67	-0.47	-0.39	-0.36	-0.32	1.00	-0.37	-0.50	-0.25	-0.31	-0.44	-0.30	-0.36
elm9:Faecalibacterium	0.88	0.61	0.62	0.67	1.00	0.16	0.42	-0.37	1.00	0.32	-0.22	-0.19	0.51	0.94	1.00
elm10:Megasphaera	0.45	0.53	0.55	0.88	0.35	0.17	0.94	-0.50	0.32	1.00	-0.40	0.87	0.93	0.28	0.33
elm11:Enterococcus	-0.63	-0.57	0.01	-0.42	-0.18	0.67	-0.68	-0.25	-0.22	-0.40	1.00	-0.30	-0.41	-0.20	-0.22
elm12:Dorea	0.00	0.24	0.23	0.57	-0.15	0.12	0.75	-0.31	-0.19	0.87	-0.30	1.00	0.70	-0.19	-0.18
elm13:Blautia	0.61	0.78	0.42	0.98	0.53	0.33	0.90	-0.44	0.51	0.93	-0.41	0.70	1.00	0.56	0.53
elm14:Haemophilus	0.85	0.78	0.37	0.69	0.93	0.30	0.38	-0.30	0.94	0.28	-0.20	-0.19	0.56	1.00	0.95
elm15:Parabacteroides	0.88	0.63	0.61	0.69	1.00	0.18	0.43	-0.36	1.00	0.33	-0.22	-0.18	0.53	0.95	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15