

antibiotics\_patF\_Cp2\_CPW\_CORE: elm correlation matrix

elm1:p_Bacteroidetes*;g_Bacteroides	1.00	-0.19	-0.67	-0.71	-0.43	0.68	-0.28	0.35	-0.28	0.14	-0.71	0.30	-0.25	-0.10	-0.03
elm2:p_Firmicutes*;g_	-0.19	1.00	0.18	0.29	0.34	0.05	0.60	0.33	0.78	0.74	0.73	-0.41	0.61	0.18	0.52
elm3:p_Firmicutes*;g_	-0.67	0.18	1.00	0.66	0.79	-0.53	0.63	-0.07	0.01	0.13	0.30	0.01	0.30	0.53	0.35
elm4:Other*;Other	-0.71	0.29	0.66	1.00	0.22	-0.45	0.50	-0.58	0.49	-0.14	0.45	-0.19	-0.15	0.13	0.21
elm5:p_Firmicutes*;g_	-0.43	0.34	0.79	0.22	1.00	-0.45	0.77	0.24	-0.15	0.57	0.31	-0.21	0.66	0.82	0.44
elm6:p_Firmicutes*;g_Lachnospira	0.68	0.05	-0.53	-0.45	-0.45	1.00	-0.31	0.52	-0.05	-0.09	-0.22	-0.13	0.07	-0.50	-0.46
elm7:p_Firmicutes*;g_Coprococcus	-0.28	0.60	0.63	0.50	0.77	-0.31	1.00	-0.06	0.23	0.67	0.34	-0.39	0.40	0.81	0.56
elm8:p_Firmicutes*;g_Oscillospira	0.35	0.33	-0.07	-0.58	0.24	0.52	-0.06	1.00	-0.06	0.45	0.09	0.08	0.71	-0.06	0.08
elm9:p_Firmicutes*;Other	-0.28	0.78	0.01	0.49	-0.15	-0.05	0.23	-0.06	1.00	0.30	0.66	-0.15	0.10	-0.24	0.43
elm10:p_Firmicutes*;Other	0.14	0.74	0.13	-0.14	0.57	-0.09	0.67	0.45	0.30	1.00	0.29	-0.17	0.62	0.64	0.72
elm11:p_Firmicutes*;g_Blautia	-0.71	0.73	0.30	0.45	0.31	-0.22	0.34	0.09	0.66	0.29	1.00	-0.60	0.62	-0.06	0.09
elm12:p_Bacteroidetes*;g_	0.30	-0.41	0.01	-0.19	-0.21	-0.13	-0.39	0.08	-0.15	-0.17	-0.60	1.00	-0.46	-0.10	0.38
elm13:p_Firmicutes*;g_Faecalibacterium	-0.25	0.61	0.30	-0.15	0.66	0.07	0.40	0.71	0.10	0.62	0.62	-0.46	1.00	0.28	0.13
elm14:p_Firmicutes*;Other	-0.10	0.18	0.53	0.13	0.82	-0.50	0.81	-0.06	-0.24	0.64	-0.06	-0.10	0.28	1.00	0.57
elm15:p_Firmicutes*;g_Ruminococcus	-0.03	0.52	0.35	0.21	0.44	-0.46	0.56	0.08	0.43	0.72	0.09	0.38	0.13	0.57	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15