

kwashiorkor_gen_h26B: elm correlation matrix

elm1:Prevotella	1.00	0.87	0.83	-0.44	0.05	0.37	0.10	0.21	-0.21	-0.05	0.04	-0.11	0.10	-0.07	0.38
elm2:Faecalibacterium	0.87	1.00	0.79	-0.28	-0.33	0.02	-0.26	-0.10	-0.29	-0.19	-0.01	0.15	-0.24	0.10	0.07
elm3:Eubacterium	0.83	0.79	1.00	0.08	0.06	0.30	0.18	0.03	0.16	0.40	0.03	0.40	0.24	-0.01	0.62
elm4:Bacteroides	-0.44	-0.28	0.08	1.00	-0.09	-0.29	-0.08	-0.09	0.82	0.72	0.21	0.89	0.06	0.14	0.29
elm5:Streptococcus	0.05	-0.33	0.06	-0.09	1.00	0.84	0.74	0.30	0.30	0.50	0.16	-0.27	0.81	0.24	0.55
elm6:Bifidobacterium	0.37	0.02	0.30	-0.29	0.84	1.00	0.85	0.05	0.09	0.42	-0.22	-0.38	0.88	0.16	0.44
elm7:Lactobacillus	0.10	-0.26	0.18	-0.08	0.74	0.85	1.00	-0.05	0.14	0.56	-0.45	-0.28	0.97	-0.24	0.53
elm8:Veillonella	0.21	-0.10	0.03	-0.09	0.30	0.05	-0.05	1.00	0.32	0.05	0.76	-0.14	-0.02	-0.22	0.52
elm9:Blautia	-0.21	-0.29	0.16	0.82	0.30	0.09	0.14	0.32	1.00	0.84	0.47	0.66	0.32	0.22	0.54
elm10:Dorea	-0.05	-0.19	0.40	0.72	0.50	0.42	0.56	0.05	0.84	1.00	0.08	0.59	0.69	0.10	0.72
elm11:Roseburia	0.04	-0.01	0.03	0.21	0.16	-0.22	-0.45	0.76	0.47	0.08	1.00	0.27	-0.31	0.33	0.30
elm12:Ruminococcus	-0.11	0.15	0.40	0.89	-0.27	-0.38	-0.28	-0.14	0.66	0.59	0.27	1.00	-0.14	0.22	0.29
elm13:Collinsella	0.10	-0.24	0.24	0.06	0.81	0.88	0.97	-0.02	0.32	0.69	-0.31	-0.14	1.00	-0.06	0.59
elm14:Phascolarctobacterium	-0.07	0.10	-0.01	0.14	0.24	0.16	-0.24	-0.22	0.22	0.10	0.33	0.22	-0.06	1.00	-0.26
elm15:Clostridium	0.38	0.07	0.62	0.29	0.55	0.44	0.53	0.52	0.54	0.72	0.30	0.29	0.59	-0.26	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15