	kwa	ashi	iork	or_	gen	_h_	_h12	21A	: el	m c	orr	elat	ion	ma	trix
.II.a	1 00	0.00	0.00	0.60	0.24	0.63	0.26	0.47	0.55	0.22	0.63	0.71	0.20	0.12	0.40

			_	_	<i>-</i>	_ : -	-								
elm1:Prevotella	1.00	0.89	0.89	-0.69	0.24	0.63	0.36	-0.47	0.55	-0.23	0.63	-0.71	0.38	- <b>0.1</b> 3	0.49
elm2:Bifidobacterium	0.89	1.00	0.70	-0.57	-0.11	0.32	0.69	-0.60	0.50	-0.43	0.25	-0.58	0.72	-0.18	0.82
elm3:Faecalibacterium	0.89	0.70	1.00	-0.33	0.61	0.76	0.03	-0.65	0.35	-0.42	0.84	-0.35	0.12	-0.17	0.27
elm4:Streptococcus	-0.69	-0.57	-0.33	1.00	0.21	-0.32	-0.39	-0.23	-0.60	-0.40	-0.25	1.00	-0.28	-0.07	-0.26
elm5:Blautia	0.24	-0.11	0.61	0.21	1.00	0.55	-0.76	-0.37	0.10	-0.27	0.84	0.20	-0.66	0.16	-0.54
elm6:Bacteroides	0.63	0.32	0.76	-0.32	0.55	1.00	-0.12	-0.09	-0.14	0.17	0.88	-0.37	-0.03	-0.55	-0.02
elm7:Lactobacillus	0.36	0.69	0.03	-0.39	-0.76	-0.12	1.00	-0.15	0.06	-0.11	-0.43	-0.40	0.98	-0.40	0.94
elm8:Eubacterium	-0.47	-0.60	-0.65	-0.23	-0.37	-0.09	- <b>0.1</b> 5	1.00	-0.31	0.96	-0.26	-0.23	-0.27	-0.06	-0.46
elm9:Dorea	0.55	0.50	0.35	-0.60	0.10	-0.14	0.06	-0.31	1.00	-0.27	0.16	-0.56	-0.02	0.73	0.11
elm10:Helicobacter	-0.23	-0.43	-0.42	-0.40	-0.27	0.17	-0.11	0.96	-0.27	1.00	-0.04	-0.41	-0.22	-0.19	-0.41
elm11:Collinsella	0.63	0.25	0.84	-0.25	0.84	0.88	-0.43	-0.26	0.16	-0.04	1.00	-0.28	-0.35	-0.13	-0.26
elm12:Veillonella	-0.71	-0.58	-0.35	1.00	0.20	-0.37	-0.40	-0.23	-0.56	-0.41	-0.28	1.00	-0.30	-0.01	-0.28
elm13:Escherichia	0.38	0.72	0.12	-0.28	-0.66	-0.03	0.98	-0.27	-0.02	-0.22	-0.35	-0.30	1.00	-0.51	0.98
elm14:Ruminococcus	- <b>0.1</b> 3	-0.18	-0.17	-0.07	0.16	-0.55	-0.40	-0.06	0.73	- <b>0.1</b> 9	- <b>0.1</b> 3	-0.01	-0.51	1.00	-0.40
elm15:Megasphaera		0.82	0.27	-0.26	-0.54	-0.02		-0.46	0.11	-0.41	-0.26	-0.28	0.98	-0.40	1.00
	TUIS	24/18	enn3	bu <sub>10</sub>	elms	94/10	<u></u>	84/18	64/18	elm20	elm <sub>11</sub>	574/10	elm <sub>13</sub>	elm24	elm15