IBS_h_C1_metatranscriptomes_family_TAIL: rank matrix & stability

· - · - · - · - · - · - · - · - · - · -	_				_	· / _ · · ·			
Methanobacteriaceae	21	1	1	21	23	7	28	20	20
Bacteroidales_incertae_sedis	1	15	9	12	13	6	20	1	9
Lactobacillaceae	18	22	2	2	21	25	1	17	17
Microbacteriaceae	2	27	22	24	26	2	8	23	23
Actinomycetaceae	5	12	3	8	10	13	16	6	6
uc_Rhizobiales	36	38	36	5	37	1	14	36	36
Pseudomonadaceae	28	2	27	29	31	32	32	28	27
Burkholderiales_incertae_sedis	10	17	11	14	15	17	21	2	3
Leuconostocaceae	20	24	19	20	1	27	7	19	19
Micrococcaceae	24	4	23	25	27	28	3	24	24
Bacillaceae	8	14	4	11	12	15	19	9	1
Vibrionaceae	40	3	40	40	40	40	40	40	40
Flavobacteriaceae	15	6	16	17	3	22	25	14	2
Rhizobiaceae	3	31	28	30	32	33	33	29	28
uc_Rhodospirillales	37	10	37	6	38	4	37	37	37
Heliobacteriaceae	16	8	5	18	19	23	26	15	15
Carnobacteriaceae	11	18	12	3	16	18	2	11	11
Cryomorphaceae	13	7	14	1	17	20	23	13	13
Methylocystaceae	23	26	21	23	25	3	30	22	22
Aeromonadaceae	6	5	7	9	11	5	17	7	7
Rhodobacteraceae	29	9	29	31	6	9	34	30	29
Planctomycetaceae	27	30	26	28	30	31	4	27	26
Shewanellaceae	31	33	31	33	34	10	11	32	31
Thermotogaceae	33	35	33	35	7	36	13	34	33
Cyanobacteria_FamilyI	14	20	15	16	18	21	24	3	14
uc_Euryarchaeota	34	36	34	36	36	37	35	4	34
Chlamydiaceae	12	19	13	15	2	19	22	12	12
Brachyspiraceae	9	16	10	13	14	16	5	10	10
Hyphomicrobiaceae	17	21	17	19	20	24	6	16	16
Oxalobacteraceae	26	29	25	27	29	30	9	26	25
Rhodocyclaceae	30	32	30	32	33	34	10	31	30
Sphingobacteriaceae	32	34	32	34	35	35	12	33	32
Leptotrichiaceae	19	23	18	4	22	26	27	18	18
Methylococcaceae	22	25	20	22	24	8	29	21	21
uc_Syntrophobacterales	38	39	38	38	39	11	38	38	38
Acidobacteria_Gp18	4	11	6	7	4	12	15	5	5
Anaeroplasmataceae	7	13	8	10	5	14	18	8	8
uc_Flavobacteriales	35	37	35	37	8	38	36	35	35
uc_Verrucomicrobiales	39	40	39	39	9	39	39	39	39
Neisseriaceae	25	28	24	26	28	29	31	25	4
'	~	~	~:	92	m	^	Λ,	۵	

Rank Stability Index (in %)