

kwashiorkor_gen_h_h121B: elm correlation matrix

elm1:Prevotella	1.00	0.14	0.85	-0.69	-0.80	0.81	0.11	0.74	0.64	0.83	0.61	0.82	-0.72	0.61	0.75
elm2:Bifidobacterium	0.14	1.00	-0.41	-0.26	0.10	-0.46	-0.48	-0.56	-0.53	-0.15	-0.52	-0.31	-0.10	-0.54	-0.13
elm3:Faecalibacterium	0.85	-0.41	1.00	-0.50	-0.80	0.99	0.37	0.99	0.86	0.86	0.83	0.93	-0.61	0.84	0.75
elm4:Streptococcus	-0.69	-0.26	-0.50	1.00	0.89	-0.46	-0.59	-0.42	-0.29	-0.69	-0.28	-0.71	0.99	-0.26	-0.43
elm5:Lactobacillus	-0.80	0.10	-0.80	0.89	1.00	-0.75	-0.66	-0.75	-0.53	-0.92	-0.49	-0.95	0.95	-0.49	-0.50
elm6:Bacteroides	0.81	-0.46	0.99	-0.46	-0.75	1.00	0.37	0.99	0.93	0.78	0.90	0.88	-0.57	0.92	0.82
elm7:Roseburia	0.11	-0.48	0.37	-0.59	-0.66	0.37	1.00	0.43	0.30	0.44	0.29	0.57	-0.67	0.28	0.10
elm8:Eubacterium	0.74	-0.56	0.99	-0.42	-0.75	0.99	0.43	1.00	0.89	0.80	0.86	0.90	-0.55	0.88	0.72
elm9:Ruminococcus	0.64	-0.53	0.86	-0.29	-0.53	0.93	0.30	0.89	1.00	0.50	1.00	0.68	-0.39	1.00	0.90
elm10:Blautia	0.83	-0.15	0.86	-0.69	-0.92	0.78	0.44	0.80	0.50	1.00	0.44	0.96	-0.77	0.47	0.42
elm11:Phascolarctobacterium	0.61	-0.52	0.83	-0.28	-0.49	0.90	0.29	0.86	1.00	0.44	1.00	0.63	-0.36	1.00	0.91
elm12:Dorea	0.82	-0.31	0.93	-0.71	-0.95	0.88	0.57	0.90	0.68	0.96	0.63	1.00	-0.81	0.65	0.56
elm13:Escherichia	-0.72	-0.10	-0.61	0.99	0.95	-0.57	-0.67	-0.55	-0.39	-0.77	-0.36	-0.81	1.00	-0.36	-0.46
elm14:Parabacteroides	0.61	-0.54	0.84	-0.26	-0.49	0.92	0.28	0.88	1.00	0.47	1.00	0.65	-0.36	1.00	0.90
elm15:Mitsuokella	0.75	-0.13	0.75	-0.43	-0.50	0.82	0.10	0.72	0.90	0.42	0.91	0.56	-0.46	0.90	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15