

antibiotics\_patD\_Cp2\_WPC\_CORE: elm correlation matrix

elm1:p_Bacteroidetes*;g_Bacteroides	1.00	-0.83	-0.96	0.55	-0.12	-0.77	-0.33	-0.62	0.29	0.59	0.74	-0.67	-0.85	-0.82	0.01
elm2:Other*;Other	-0.83	1.00	0.95	-0.37	0.08	0.95	-0.10	0.76	-0.24	-0.48	-0.73	0.64	0.92	0.96	0.10
elm3:p_Firmicutes*;g__	-0.96	0.95	1.00	-0.50	0.08	0.90	0.13	0.73	-0.32	-0.62	-0.76	0.70	0.94	0.93	-0.01
elm4:p_Firmicutes*;g__	0.55	-0.37	-0.50	1.00	-0.69	-0.23	0.06	0.00	0.91	0.81	0.85	0.12	-0.18	-0.23	0.78
elm5:p_Proteobacteria*;g_Sutterella	-0.12	0.08	0.08	-0.69	1.00	-0.12	-0.32	-0.12	-0.58	-0.35	-0.55	-0.36	-0.24	-0.17	-0.58
elm6:p_Verrucomicrobia*;g_Akkermansia	-0.77	0.95	0.90	-0.23	-0.12	1.00	-0.16	0.71	-0.17	-0.42	-0.54	0.62	0.94	0.99	0.14
elm7:p_Firmicutes*;g__	-0.33	-0.10	0.13	0.06	-0.32	-0.16	1.00	0.19	0.29	-0.04	0.01	0.53	0.16	-0.03	0.31
elm8:p_Firmicutes*;g_Lachnospira	-0.62	0.76	0.73	0.00	-0.12	0.71	0.19	1.00	0.12	-0.36	-0.39	0.91	0.82	0.75	0.35
elm9:p_Firmicutes*;Other	0.29	-0.24	-0.32	0.91	-0.58	-0.17	0.29	0.12	1.00	0.84	0.70	0.30	-0.06	-0.14	0.92
elm10:p_Firmicutes*;g_Coprococcus	0.59	-0.48	-0.62	0.81	-0.35	-0.42	-0.04	-0.36	0.84	1.00	0.74	-0.23	-0.44	-0.43	0.70
elm11:p_Firmicutes*;g_Blautia	0.74	-0.73	-0.76	0.85	-0.55	-0.54	0.01	-0.39	0.70	0.74	1.00	-0.25	-0.51	-0.55	0.40
elm12:p_Firmicutes*;Other	-0.67	0.64	0.70	0.12	-0.36	0.62	0.53	0.91	0.30	-0.23	-0.25	1.00	0.83	0.71	0.52
elm13:p_Firmicutes*;g_Roseburia	-0.85	0.92	0.94	-0.18	-0.24	0.94	0.16	0.82	-0.06	-0.44	-0.51	0.83	1.00	0.98	0.25
elm14:p_Firmicutes*;g_Oscillospira	-0.82	0.96	0.93	-0.23	-0.17	0.99	-0.03	0.75	-0.14	-0.43	-0.55	0.71	0.98	1.00	0.18
elm15:p_Firmicutes*;g_Dorea	0.01	0.10	-0.01	0.78	-0.58	0.14	0.31	0.35	0.92	0.70	0.40	0.52	0.25	0.18	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15