

IBS\_P2 Metatranscriptores\_CORE: times corr matrix

t.P2D1	1.00	0.47	0.58	0.64	0.75	0.91	0.68	0.74	0.61	0.85	0.75	0.88	0.90	0.33
t.P2D3.1	0.47	1.00	-0.07	-0.05	0.04	0.40	0.89	0.92	0.04	0.62	0.38	0.36	0.59	-0.04
t.P2D3.2	0.58	-0.07	1.00	0.75	0.83	0.46	0.03	0.19	0.68	0.23	0.11	0.49	0.38	0.16
t.P2D4	0.64	-0.05	0.75	1.00	0.94	0.67	0.19	0.26	0.87	0.34	0.23	0.59	0.56	0.42
t.P2D5	0.75	0.04	0.83	0.94	1.00	0.73	0.27	0.36	0.83	0.45	0.31	0.67	0.64	0.36
t.P2D7	0.91	0.40	0.46	0.67	0.73	1.00	0.72	0.70	0.70	0.88	0.77	0.81	0.96	0.40
t.P2D14	0.68	0.89	0.03	0.19	0.27	0.72	1.00	0.96	0.33	0.82	0.63	0.57	0.86	0.16
t.P2D21	0.74	0.92	0.19	0.26	0.36	0.70	0.96	1.00	0.34	0.81	0.56	0.59	0.83	0.11
t.P2D27	0.61	0.04	0.68	0.87	0.83	0.70	0.33	0.34	1.00	0.36	0.28	0.54	0.65	0.36
t.P2D28	0.85	0.62	0.23	0.34	0.45	0.88	0.82	0.81	0.36	1.00	0.87	0.82	0.89	0.39
t.P2D35	0.75	0.38	0.11	0.23	0.31	0.77	0.63	0.56	0.28	0.87	1.00	0.84	0.77	0.48
t.P2D42	0.88	0.36	0.49	0.59	0.67	0.81	0.57	0.59	0.54	0.82	0.84	1.00	0.81	0.65
t.P2D49	0.90	0.59	0.38	0.56	0.64	0.96	0.86	0.83	0.65	0.89	0.77	0.81	1.00	0.33
t.P2D56	0.33	-0.04	0.16	0.42	0.36	0.40	0.16	0.11	0.36	0.39	0.48	0.65	0.33	1.00