

kwashiorkor_gen_h_h301A: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.72	-0.67	-0.62	-0.64	-0.64	-0.01	-0.38	-0.87	0.01	0.69	-0.57	-0.64	-0.39	-0.93
elm2:Bacteroides	-0.72	1.00	0.11	0.09	0.07	0.07	0.48	-0.13	0.53	0.05	-0.52	0.97	0.07	0.88	0.71
elm3:Prevotella	-0.67	0.11	1.00	1.00	1.00	1.00	-0.53	0.87	0.90	-0.50	-0.18	-0.12	1.00	-0.34	0.77
elm4:Streptococcus	-0.62	0.09	1.00	1.00	1.00	1.00	-0.51	0.90	0.89	-0.55	-0.09	-0.14	1.00	-0.36	0.76
elm5:Megamonas	-0.64	0.07	1.00	1.00	1.00	1.00	-0.56	0.87	0.88	-0.52	-0.16	-0.16	1.00	-0.38	0.75
elm6:Blautia	-0.64	0.07	1.00	1.00	1.00	1.00	-0.56	0.87	0.88	-0.52	-0.16	-0.16	1.00	-0.38	0.75
elm7:Megasphaera	-0.01	0.48	-0.53	-0.51	-0.56	-0.56	1.00	-0.31	-0.22	0.62	0.14	0.60	-0.56	0.80	-0.04
elm8:Collinsella	-0.38	-0.13	0.87	0.90	0.87	0.87	-0.31	1.00	0.70	-0.38	0.27	-0.33	0.87	-0.44	0.54
elm9:Faecalibacterium	-0.87	0.53	0.90	0.89	0.88	0.88	-0.22	0.70	1.00	-0.42	-0.33	0.32	0.88	0.09	0.97
elm10:Escherichia	0.01	0.05	-0.50	-0.55	-0.52	-0.52	0.62	-0.38	-0.42	1.00	-0.23	0.16	-0.52	0.39	-0.30
elm11:Lactobacillus	0.69	-0.52	-0.18	-0.09	-0.16	-0.16	0.14	0.27	-0.33	-0.23	1.00	-0.48	-0.16	-0.35	-0.45
elm12:Akkermansia	-0.57	0.97	-0.12	-0.14	-0.16	-0.16	0.60	-0.33	0.32	0.16	-0.48	1.00	-0.16	0.95	0.53
elm13:Dorea	-0.64	0.07	1.00	1.00	1.00	1.00	-0.56	0.87	0.88	-0.52	-0.16	-0.16	1.00	-0.38	0.75
elm14:Mitsuokella	-0.39	0.88	-0.34	-0.36	-0.38	-0.38	0.80	-0.44	0.09	0.39	-0.35	0.95	-0.38	1.00	0.33
elm15:Phascolarctobacterium	-0.93	0.71	0.77	0.76	0.75	0.75	-0.04	0.54	0.97	-0.30	-0.45	0.53	0.75	0.33	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15