$IBS_h_C1_metatranscriptomes_family_CORE: times \ corr \ matrix$

t.C1D1	1.00	0.66	0.85	0.64	0.83	0.69	0.53	0.90	0.70
t.C1D14	0.66	1.00	0.94	0.94	0.90	0.93	0.94	0.78	0.95
t.C1D21	0.85	0.94	1.00	0.88	0.95	0.91	0.84	0.93	0.93
t.C1D28	0.64	0.94	0.88	1.00	0.95	0.99	0.98	0.80	0.99
t.C1D3	0.83	0.90	0.95	0.95	1.00	0.96	0.89	0.93	0.97
t.C1D37	0.69	0.93	0.91	0.99	0.96	1.00	0.97	0.83	0.99
t.C1D42	0.53	0.94	0.84	0.98	0.89	0.97	1.00	0.72	0.97
t.C1D5	0.90	0.78	0.93	0.80	0.93	0.83	0.72	1.00	0.85
t.C1D7	0.70	0.95	0.93	0.99	0.97	0.99	0.97	0.85	1.00
•	t _C C _D	CD		9202	COD;	Cos.	5,005	^ç QZ,	[¢] C/O>;