## diets\_pl\_10\_diet: elm correlation matrix

elm1:_*_Bacteroid	s 1.00	0.91	0.95	0.92	0.94	0.06	0.90	0.91	0.92	0.93	0.78	0.80	0.10	0.14	0.64
elm2:_	0.91	1.00	0.98	0.92	1.00	0.03	0.67	1.00	0.95	0.98	0.97	0.66	0.06	0.22	0.43
elm3:_	0.95	0.98	1.00	0.95	0.99	0.02	0.75	0.99	0.98	0.98	0.91	0.71	0.08	0.22	0.43
elm4:_	0.92	0.92	0.95	1.00	0.94	0.33	0.79	0.92	0.99	0.97	0.84	0.87	0.39	0.50	0.44
elm5:_*_Faecalibacteriu	n 0.94	1.00	0.99	0.94	1.00	0.05	0.72	1.00	0.96	0.99	0.95	0.71	0.09	0.23	0.45
elm6:_	0.06	0.03	0.02	0.33	0.05	1.00	0.28	0.01	0.20	0.18	0.05	0.64	0.99	0.86	0.26
elm7:_*_Suttere	a 0.90	0.67	0.75	0.79	0.72	0.28	1.00	0.66	0.75	0.73	0.49	0.89	0.29	0.18	0.80
elm8:_*_Coprococci	s 0.91	1.00	0.99	0.92	1.00	0.01	0.66	1.00	0.95	0.98	0.96	0.66	0.05	0.22	0.40
elm9:_*_Paraprevote	a 0.92	0.95	0.98	0.99	0.96	0.20	0.75	0.95	1.00	0.98	0.87	0.80	0.27	0.42	0.36
elm10:_*_Clostridiales;Other;Other	r 0.93	0.98	0.98	0.97	0.99	0.18	0.73	0.98	0.98	1.00	0.94	0.78	0.23	0.36	0.45
elm11:_*_Ruminococc	s 0.78	0.97	0.91	0.84	0.95	0.05	0.49	0.96	0.87	0.94	1.00	0.56	0.07	0.26	0.32
elm12:_	0.80	0.66	0.71	0.87	0.71	0.64	0.89	0.66	0.80	0.78	0.56	1.00	0.66	0.59	0.66
elm13:_	0.10	0.06	0.08	0.39	0.09	0.99	0.29	0.05	0.27	0.23	0.07	0.66	1.00	0.92	0.18
elm14:_	0.14	0.22	0.22	0.50	0.23	0.86	0.18	0.22	0.42	0.36	0.26	0.59	0.92	1.00	-0.09
elm15:_*_Blaut	a 0.64	0.43	0.43	0.44	0.45	0.26	0.80	0.40	0.36	0.45	0.32	0.66	0.18	-0.09	1.00
	Tujo	<4/19	ems.	PUIS	suns	94/10	<u></u>	84/18	6U/IS	oruns	TTU/s	?Tuys	elm <sub>13</sub>	6/10/14	eln <sub>15</sub>