

LEA\_h\_gem\_del\_a2: elm correlation matrix

elm1: *_	1.00	0.25	0.82	0.77	0.04	-0.11	0.53	-0.14	-0.17	0.06	-0.33	-0.12	0.52	-0.06	0.80
elm2: *_Bacteroides	0.25	1.00	0.40	0.58	0.81	0.81	0.62	0.48	0.63	0.72	0.51	0.70	0.61	0.83	0.45
elm3: *_Blautia	0.82	0.40	1.00	0.76	0.07	-0.12	0.64	-0.00	-0.19	0.12	-0.03	-0.03	0.59	0.03	0.88
elm4: *_Lachnospiraceae;Other	0.77	0.58	0.76	1.00	0.43	0.28	0.59	0.04	0.01	0.35	0.21	0.20	0.39	0.36	0.65
elm5: *_Faecalibacterium	0.04	0.81	0.07	0.43	1.00	0.88	0.33	0.14	0.69	0.85	0.74	0.72	0.33	0.83	0.13
elm6: *_Roseburia	-0.11	0.81	-0.12	0.28	0.88	1.00	0.41	0.40	0.78	0.68	0.54	0.67	0.34	0.91	0.02
elm7: *_Brevibacillus	0.53	0.62	0.64	0.59	0.33	0.41	1.00	0.20	0.23	0.22	0.01	-0.03	0.71	0.52	0.74
elm8: *_	-0.14	0.48	-0.00	0.04	0.14	0.40	0.20	1.00	0.11	0.17	-0.06	0.25	0.46	0.33	0.23
elm9: *_Ruminococcus	-0.17	0.63	-0.19	0.01	0.69	0.78	0.23	0.11	1.00	0.67	0.47	0.77	0.24	0.80	-0.14
elm10: *_	0.06	0.72	0.12	0.35	0.85	0.68	0.22	0.17	0.67	1.00	0.70	0.75	0.45	0.72	0.22
elm11: *_Lachnospira	-0.33	0.51	-0.03	0.21	0.74	0.54	0.01	-0.06	0.47	0.70	1.00	0.68	-0.10	0.59	-0.19
elm12: *_Oscillospira	-0.12	0.70	-0.03	0.20	0.72	0.67	-0.03	0.25	0.77	0.75	0.68	1.00	0.12	0.65	-0.12
elm13: *_Veillonellaceae;Other	0.52	0.61	0.59	0.39	0.33	0.34	0.71	0.46	0.24	0.45	-0.10	0.12	1.00	0.37	0.85
elm14: *_Dialister	-0.06	0.83	0.03	0.36	0.83	0.91	0.52	0.33	0.80	0.72	0.59	0.65	0.37	1.00	0.10
elm15: *_	0.80	0.45	0.88	0.65	0.13	0.02	0.74	0.23	-0.14	0.22	-0.19	-0.12	0.85	0.10	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15