

antibiotics_patD_Cp1_WPC_TAILLESS: elm correlation matrix

elm1:p_Bacteroidetes;*;g_Bacteroides	1.00	-0.55	0.10	-0.73	0.58	-0.72	0.45	-0.73	-0.77	-0.43	-0.74	-0.63	-0.72	-0.81	-0.73
elm2:p_Firmicutes;*;g__	-0.55	1.00	-0.64	0.95	-0.45	0.94	-0.85	0.93	0.88	0.39	0.88	0.97	0.84	0.88	0.95
elm3:p_Verrucomicrobia;*;g_Akkermansia	0.10	-0.64	1.00	-0.53	-0.26	-0.66	0.35	-0.55	-0.57	-0.34	-0.67	-0.69	-0.61	-0.44	-0.61
elm4:Other;*;Other	-0.73	0.95	-0.53	1.00	-0.49	0.97	-0.82	0.92	0.87	0.59	0.93	0.94	0.86	0.91	0.93
elm5:p_Firmicutes;*;g_Roseburia	0.58	-0.45	-0.26	-0.49	1.00	-0.45	0.56	-0.39	-0.46	-0.05	-0.38	-0.45	-0.49	-0.68	-0.46
elm6:p_Firmicutes;*;g__	-0.72	0.94	-0.66	0.97	-0.45	1.00	-0.75	0.91	0.91	0.55	0.98	0.98	0.94	0.94	0.96
elm7:p_Proteobacteria;*;g_Sutterella	0.45	-0.85	0.35	-0.82	0.56	-0.75	1.00	-0.71	-0.74	-0.19	-0.61	-0.83	-0.53	-0.78	-0.79
elm8:p_Firmicutes;*;g__	-0.73	0.93	-0.55	0.92	-0.39	0.91	-0.71	1.00	0.94	0.35	0.88	0.90	0.83	0.89	0.97
elm9:p_Firmicutes;*;g_Faecalibacterium	-0.77	0.88	-0.57	0.87	-0.46	0.91	-0.74	0.94	1.00	0.23	0.87	0.92	0.83	0.95	0.98
elm10:p_Firmicutes;*;g_Oscillospira	-0.43	0.39	-0.34	0.59	-0.05	0.55	-0.19	0.35	0.23	1.00	0.63	0.42	0.57	0.34	0.33
elm11:p_Firmicutes;*;Other	-0.74	0.88	-0.67	0.93	-0.38	0.98	-0.61	0.88	0.87	0.63	1.00	0.93	0.97	0.90	0.91
elm12:p_Firmicutes;*;Other	-0.63	0.97	-0.69	0.94	-0.45	0.98	-0.83	0.90	0.92	0.42	0.93	1.00	0.89	0.94	0.97
elm13:p_Firmicutes;*;g_Blautia	-0.72	0.84	-0.61	0.86	-0.49	0.94	-0.53	0.83	0.83	0.57	0.97	0.89	1.00	0.89	0.86
elm14:p_Firmicutes;*;g_Coprococcus	-0.81	0.88	-0.44	0.91	-0.68	0.94	-0.78	0.89	0.95	0.34	0.90	0.94	0.89	1.00	0.95
elm15:p_Firmicutes;*;g_Ruminococcus	-0.73	0.95	-0.61	0.93	-0.46	0.96	-0.79	0.97	0.98	0.33	0.91	0.97	0.86	0.95	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15