

diets_h_an_8_pre: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	0.72	0.05	0.27	0.44	0.56	0.57	0.78	0.35	0.59	0.82	0.61	-0.45	0.48	0.43
elm2: *_	0.72	1.00	0.08	0.60	0.39	0.66	0.27	0.89	0.59	0.60	0.49	0.84	-0.88	0.75	0.42
elm3: *_Faecalibacterium	0.05	0.08	1.00	-0.72	0.92	-0.69	0.81	0.47	-0.75	0.81	0.58	-0.47	0.32	-0.60	-0.85
elm4: *_Bifidobacterium	0.27	0.60	-0.72	1.00	-0.50	0.93	-0.57	0.17	0.99	-0.28	-0.28	0.92	-0.89	0.97	0.89
elm5: *_	0.44	0.39	0.92	-0.50	1.00	-0.38	0.94	0.76	-0.51	0.97	0.84	-0.15	0.07	-0.31	-0.58
elm6: *_Blautia	0.56	0.66	-0.69	0.93	-0.38	1.00	-0.34	0.31	0.97	-0.15	-0.00	0.95	-0.83	0.97	0.96
elm7: *_Sutterella	0.57	0.27	0.81	-0.57	0.94	-0.34	1.00	0.68	-0.53	0.90	0.94	-0.19	0.22	-0.37	-0.49
elm8: *_Parabacteroides	0.78	0.89	0.47	0.17	0.76	0.31	0.68	1.00	0.17	0.89	0.80	0.53	-0.57	0.38	0.05
elm9: *_Coprococcus	0.35	0.59	-0.75	0.99	-0.51	0.97	-0.53	0.17	1.00	-0.29	-0.22	0.93	-0.86	0.98	0.94
elm10: *_Phascolarctobacterium	0.59	0.60	0.81	-0.28	0.97	-0.15	0.90	0.89	-0.29	1.00	0.87	0.10	-0.17	-0.08	-0.39
elm11: *_Oscillospira	0.82	0.49	0.58	-0.28	0.84	-0.00	0.94	0.80	-0.22	0.87	1.00	0.12	-0.03	-0.05	-0.16
elm12: *_Lachnospiraceae;Other	0.61	0.84	-0.47	0.92	-0.15	0.95	-0.19	0.53	0.93	0.10	0.12	1.00	-0.95	0.98	0.83
elm13: *_Lachnospira	-0.45	-0.88	0.32	-0.89	0.07	-0.83	0.22	-0.57	-0.86	-0.17	-0.03	-0.95	1.00	-0.94	-0.67
elm14: *_Clostridiales;Other;Other	0.48	0.75	-0.60	0.97	-0.31	0.97	-0.37	0.38	0.98	-0.08	-0.05	0.98	-0.94	1.00	0.88
elm15: *_	0.43	0.42	-0.85	0.89	-0.58	0.96	-0.49	0.05	0.94	-0.39	-0.16	0.83	-0.67	0.88	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15