## kwashiorkor\_gen\_k46A: elm correlation matrix

	K	was	1110	INU	' <u>-</u> 9'	<u>-                                    </u>	<b>N40</b>	Λ. ς	21111	COI	161	acio	11 11	iati	17
elm1:Bifidobacterium	1.00	0.18	-0.36	-0.07	0.36	-0.35	-0.24	0.45	-0.24	0.08	-0.07	-0.26	0.31	-0.25	-0.02
elm2:Streptococcus	0.18	1.00	-0.42	-0.32	0.96	-0.40	-0.22	-0.19	-0.29	-0.22	0.90	-0.32	0.48	-0.32	-0.28
elm3:Prevotella	-0.36	-0.42	1.00	0.89	-0.46	0.99	0.40	0.29	0.57	0.70	-0.26	0.83	-0.70	0.87	0.84
elm4:Bacteroides	-0 <b>.0</b> 7	-0.32	0.89	1.00	-0.34	0.85	0.14	0.22	0.31	0.93	-0.15	0.64	-0.47	0.75	0.99
elm5:Escherichia	0.36	0.96	-0.46	-0.34	1.00	-0.44	-0.26	0.02	-0.31	-0.22	0.77	-0.33	0.48	-0.36	-0.29
elm6:Faecalibacterium	-0.35	-0.40	0.99	0.85	-0.44	1.00	0.52	0.34	0.68	0.63	-0.26	0.91	-0.69	0.93	0.79
elm7:Roseburia	-0.24	-0.22	0.40	0.14	-0.26	0.52	1.00	0.33	0.97	-0.17	-0.29	0.75	-0.52	0.71	0.04
elm8:Collinsella	0.45	-0.19	0.29	0.22	0.02	0.34	0.33	1.00	0.45	0.08	-0.45	0.56	-0.23	0.42	0.18
elm9:Blautia	-0.24	-0.29	0.57	0.31	-0.31	0.68	0.97	0.45	1.00	-0.02	-0.36	0.87	-0.64	0.81	0.21
elm10:Parabacteroides	0.08	-0.22	0.70	0.93	-0.22	0.63	-0.17	0.08	-0.02	1.00	-0.06	0.34	-0.31	0.48	0.97
elm11:Lactobacillus	-0.07	0.90	-0.26	-0.15	0.77	-0.26	-0.29	-0.45	-0.36	-0.06	1.00	-0.28	0.54	-0.21	-0.12
elm12:Dorea	-0.26	-0.32	0.83	0.64	-0.33	0.91	0.75	0.56	0.87	0.34	-0.28	1.00	-0.57	0.97	0.55
elm13:Veillonella	0.31	0.48	-0.70	-0.47	0.48	-0.69	-0.52	-0.23	-0.64	-0.31	0.54	-0.57	1.00	-0.53	-0.43
elm14:Akkermansia	-0.25	-0.32	0.87	0.75	-0.36	0.93	0.71	0.42	0.81	0.48	-0.21	0.97	-0.53	1.00	0.67
elm15:Sutterella	-0.02	-0.28	0.84	0.99	-0.29	0.79	0.04	0.18	0.21	0.97	-0.12	0.55	-0.43	0.67	1.00
	TUIS	ζ <sub>1/1/2</sub>	em3	suna	ens	94/18	<4/10	84/18	64/18	o <sub>tujo</sub>	eln11	stuys	eln <sub>13</sub>	elm <sub>14</sub>	6/11/5