kwashiorkor_gen_h188B: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.39	-0.12	0.03	-0.43	-0.04	-0.05	-0.41	-0.33	-0.31	0.30	0.02	0.12	- 0.1 5	0.01
elm2:Prevotella	-0.39	1.00	0.45	-0.08	0.38	-0.00	0.39	0.15	0.55	0.33	0.04	-0.13	0.09	0.30	0.44
elm3:Bacteroides	-0.12	0.45	1.00	-0.06	0.54	-0.30	0.20	0.25	0.69	0.88	0.31	-0.11	0.75	0.11	0.70
elm4:Lactobacillus	0.03	-0.08	-0.06	1.00	-0.29	- 0.1 7	0.35	-0.26	-0.01	-0.20	0.26	-0.09	-0.06	-0.16	0.24
elm5:Faecalibacterium	-0.43	0.38	0.54	-0.29	1.00	-0.23	0.00	0.90	0.60	0.70	0.01	-0.05	0.34	0.47	0.24
elm6:Streptococcus	-0.04	-0.00	-0.30	-0.17	-0.23	1.00	-0.22	-0.27	-0.16	-0.23	-0.24	-0.04	-0.15	-0.20	-0.47
elm7:Collinsella	-0.05	0.39	0.20	0.35	0.00	-0.22	1.00	-0.17	0.51	-0.12	0.69	-0.14	-0.23	0.24	0.66
elm8:Blautia	-0.41	0.15	0.25	-0.26	0.90	-0.27	- 0.1 7	1.00	0.35	0.45	-0.06	-0.07	0.11	0.34	0.01
elm9:Dorea	-0.33	0.55	0.69	-0.01	0.60	-0.16	0.51	0.35	1.00	0.61	0.31	-0.13	0.31	0.21	0.68
elm10:Roseburia	-0.31	0.33	0.88	-0.20	0.70	-0.23	-0.12	0.45	0.61	1.00	-0.10	-0.09	0.82	0.18	0.37
elm11:Megasphaera	0.30	0.04	0.31	0.26	0.01	-0.24	0.69	-0.06	0.31	-0.10	1.00	-0.06	-0.11	-0.09	0.66
elm12:Mastadenovirus	0.02	- 0.1 3	-0.11	-0.09	-0.05	-0.04	-0.14	-0.07	- 0.1 3	-0.09	-0.06	1.00	-0.06	-0.02	-0.19
elm13:Escherichia	0.12	0.09	0.75	-0.06	0.34	-0.15	-0.23	0.11	0.31	0.82	-0.11	-0.06	1.00	0.04	0.26
elm14:Eubacterium	-0.15	0.30	0.11	-0.16	0.47	-0.20	0.24	0.34	0.21	0.18	-0.09	-0.02	0.04	1.00	0.24
elm15:Sutterella	0.01	0.44	0.70	0.24	0.24	-0.47	0.66	0.01	0.68	0.37	0.66	- <mark>0.1</mark> 9	0.26	0.24	1.00
	emi	¿ws	em3	elna	ens	9 _{U/o}	<u></u> / _{0/0}	enn8	64/13	OTUJS	ttu _{ls}	<71U/0	elm23	s/m14	stu ₁ s