	kwa	ashi	iork	or_	gen	_h_	h25	57A	: eli	m c	orre	elat	ion	ma	trix
elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.22	-0.56	-0.69	-0.66	-0.66	0.96	-0.24	-0.44	0.74	0.44	0.53	-0.53	-0.26	-0.44
elm2:Prevotella	-0.22	1.00	-0.11	-0.21	0.39	0.71	-0.26	-0.59	-0.54	-0.26	-0.28	0.17	0.03	0.92	-0.54
elm3:Streptococcus	-0.56	-0.11	1.00	0.64	0.43	0.17	-0.29	0.28	0.38	0.09	0.43	0.23	0.49	-0.28	0.40
elm4:Megamonas	-0.69	-0.21	0.64	1.00	0.80	-0.05	-0.57	-0.01	0.18	-0.18	-0.27	-0.47	0.92	-0.37	0.17
elm5:Veillonella	-0.66	0.39	0.43	0.80	1.00	0.25	-0.59	-0.50	-0.30	-0.23	-0.46	-0.34	0.92	0.16	-0.30
elm6:Blautia	-0.66	0.71	0.17	-0.05	0.25	1.00	-0.69	0.11	0.20	-0.72	-0.30	-0.12	-0.10	0.83	0.19
elm7:Megasphaera	0.96	-0.26	-0.29	-0.57	-0.59	-0.69	1.00	-0.21	-0.40	0.89	0.66	0.71	-0.43	-0.38	-0.39
elm8:Bacteroides	-0.24	-0.59	0.28	-0.01	-0.50	0.11	-0.21	1.00	0.98	-0.32	0.25	-0.16	-0.40	-0.32	0.98
elm9:Brachyspira	-0.44	-0.54	0.38	0.18	-0.30	0.20	-0.40	0.98	1.00	-0.44	0.12	-0.29	-0.22	-0.29	1.00
elm10:Collinsella	0.74	-0.26	0.09	-0.18	-0.23	-0.72	0.89	-0.32	-0.44	1.00	0.74	0.75	-0.03	-0.52	-0.43
elm11:Faecalibacterium	0.44	-0.28	0.43	-0.27	-0.46	-0.30	0.66	0.25	0.12	0.74	1.00	0.88	-0.33	-0.41	0.15
elm12:Enterococcus	0.53	0.17	0.23	-0.47	-0.34	-0.12	0.71	-0.16	-0.29	0.75	0.88	1.00	-0.36	-0.02	-0.26
elm13:Haemophilus	-0.53	0.03	0.49	0.92	0.92	-0.10	-0.43	-0.40	-0.22	-0.03	0.33	-0.36	1.00	-0.22	-0.22
elm14:Escherichia	-0.26	0.92	-0.28	-0.37	0.16	0.83	-0.38	-0.32	-0.29	-0.52	-0.41	-0.02	-0.22	1.00	-0.30
elm15:Roseburia	-0.44	-0.54	0.40	0.17	-0.30	0.19	-0.39	0.98	1.00	-0.43	0.15	-0.26	-0.22	-0.30	1.00
	Tujo	¿ws	em3	enna	ems	94/10	<4/1/2	84/10	64/13	otus	em1	STUJS	eln13	elm ₂₄	eln15