kwashiorkor_gen_h268A: elm correlation matrix

					_9~	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	. — • •	<i>-,</i>	C				-		
elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.15	0.20	0.11	0.78	0.56	-0.13	0.01	-0.31	0.47	-0.30	0.73	-0.23	0.29	-0.42
elm2:Streptococcus	-0.15	1.00	0.08	0.52	0.48	0.49	0.48	-0.30	-0.21	-0.29	-0.43	-0.29	-0.40	-0.36	0.18
elm3:Bacteroides	0.20	0.08	1.00	0.76	0.23	0.59	-0.04	-0.68	0.35	0.26	0.42	0.24	-0.34	-0.66	-0.76
elm4:Prevotella	0.11	0.52	0.76	1.00	0.42	0.65	0.25	-0.40	0.34	-0.07	0.05	-0.10	-0.30	-0.59	-0.70
elm5:Lactobacillus	0.78	0.48	0.23	0.42	1.00	0.86	0.28	-0.10	-0.28	0.31	-0.50	0.46	-0.56	0.01	-0.30
elm6:Megasphaera	0.56	0.49	0.59	0.65	0.86	1.00	0.45	-0.32	0.10	0.45	-0.20	0.40	-0.81	-0.40	-0.52
elm7:Collinsella	-0.13	0.48	-0.04	0.25	0.28	0.45	1.00	0.17	0.49	0.43	-0.52	0.06	-0.73	-0.51	-0.12
elm8:Escherichia	0.01	-0.30	-0.68	-0.40	-0.10	-0.32	0.17	1.00	0.24	- 0.1 3	-0.15	-0.29	0.20	0.65	0.13
elm9:Faecalibacterium	-0.31	-0.21	0.35	0.34	-0.28	0.10	0.49	0.24	1.00	0.27	0.34	-0.17	-0.30	-0.47	-0.59
elm10:Dorea	0.47	-0.29	0.26	-0.07	0.31	0.45	0.43	- 0.1 3	0.27	1.00	-0.24	0.86	-0.65	-0.35	-0.39
elm11:Blautia	-0.30	-0.43	0.42	0.05	-0.50	-0.20	-0.52	-0.15	0.34	-0.24	1.00	-0.35	0.21	-0.02	-0.19
elm12:Enterococcus	0.73	-0.29	0.24	- 0.1 0	0.46	0.40	0.06	-0.29	-0.17	0.86	-0.35	1.00	-0.37	- 0.1 3	-0.32
elm13:Veillonella	-0.23	-0.40	-0.34	-0.30	-0.56	-0.81	-0.73	0.20	-0.30	-0.65	0.21	-0.37	1.00	0.51	0.24
elm14:Mastadenovirus	0.29	-0.36	-0.66	-0.59	0.01	-0.40	-0.51	0.65	-0.47	-0.35	-0.02	- 0.1 3	0.51	1.00	0.40
elm15:Campylobacter	ш	0.18		-0.70	-0.30	-0.52	-0.12	0.13	-0.59	-0.39	-0.19	-0.32	0.24	0.40	1.00
	Tuys	24/18	enn3	enn4	elms	94/10	<4/1/0	84/18	64/18	OTUJO	elm11	<714/s	eln13	e/m14	stu _{lo}