

diets_h_an_10_pre: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	0.94	1.00	0.04	0.91	0.99	0.30	0.77	0.24	0.80	0.99	0.68	0.73	1.00	0.95
elm2: *_	0.94	1.00	0.95	0.39	1.00	0.87	-0.05	0.95	-0.11	0.53	0.89	0.39	0.92	0.95	1.00
elm3: *_	1.00	0.95	1.00	0.09	0.93	0.98	0.26	0.80	0.20	0.77	0.99	0.65	0.76	1.00	0.96
elm4: *_	0.04	0.39	0.09	1.00	0.46	-0.12	-0.94	0.67	-0.96	-0.57	-0.06	-0.70	0.72	0.08	0.36
elm5: *_Faecalibacterium	0.91	1.00	0.93	0.46	1.00	0.83	-0.12	0.97	-0.19	0.47	0.86	0.32	0.95	0.92	0.99
elm6: *_Ruminococcus	0.99	0.87	0.98	-0.12	0.83	1.00	0.45	0.66	0.39	0.88	1.00	0.79	0.61	0.98	0.89
elm7: *_Sutterella	0.30	-0.05	0.26	-0.94	-0.12	0.45	1.00	-0.37	1.00	0.82	0.40	0.90	-0.43	0.27	-0.01
elm8: *_Parabacteroides	0.77	0.95	0.80	0.67	0.97	0.66	-0.37	1.00	-0.43	0.23	0.70	0.07	1.00	0.80	0.93
elm9: *_Paraprevotella	0.24	-0.11	0.20	-0.96	-0.19	0.39	1.00	-0.43	1.00	0.78	0.34	0.87	-0.49	0.20	-0.08
elm10: *_Lachnospira	0.80	0.53	0.77	-0.57	0.47	0.88	0.82	0.23	0.78	1.00	0.86	0.99	0.16	0.77	0.56
elm11: *_Coprococcus	0.99	0.89	0.99	-0.06	0.86	1.00	0.40	0.70	0.34	0.86	1.00	0.76	0.65	0.99	0.91
elm12: *_	0.68	0.39	0.65	-0.70	0.32	0.79	0.90	0.07	0.87	0.99	0.76	1.00	-0.00	0.66	0.42
elm13: *_Lachnospiraceae;Other	0.73	0.92	0.76	0.72	0.95	0.61	-0.43	1.00	-0.49	0.16	0.65	-0.00	1.00	0.75	0.91
elm14: *_Clostridiales;Other;Other	1.00	0.95	1.00	0.08	0.92	0.98	0.27	0.80	0.20	0.77	0.99	0.66	0.75	1.00	0.96
elm15: *_Blautia	0.95	1.00	0.96	0.36	0.99	0.89	-0.01	0.93	-0.08	0.56	0.91	0.42	0.91	0.96	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15