

IBS_h_C_amplicons_family: elm correlation matrix

elm1:Prevotellaceae	1.00	-0.90	-0.85	-0.29	-0.59	-0.82	-0.14	-0.79	-0.50	-0.45	-0.25	-0.31	-0.15	0.31	-0.11
elm2:Bacteroidaceae	-0.90	1.00	0.64	-0.10	0.46	0.83	-0.10	0.80	0.37	0.35	0.06	-0.01	-0.18	-0.35	-0.09
elm3:Ruminococcaceae	-0.85	0.64	1.00	0.39	0.44	0.66	0.09	0.78	0.47	0.61	0.45	0.33	0.20	-0.21	0.28
elm4:Lachnospiraceae	-0.29	-0.10	0.39	1.00	0.16	-0.07	0.25	-0.09	0.43	-0.03	0.16	0.89	0.88	-0.01	0.18
elm5:Alcaligenaceae	-0.59	0.46	0.44	0.16	1.00	0.40	0.20	0.27	0.23	0.50	0.53	0.30	0.10	0.10	0.45
elm6:Porphyromonadaceae	-0.82	0.83	0.66	-0.07	0.40	1.00	0.03	0.77	0.02	0.26	0.03	0.04	-0.03	-0.30	-0.08
elm7:Veillonellaceae	-0.14	-0.10	0.09	0.25	0.20	0.03	1.00	0.03	0.11	0.18	0.18	-0.00	0.15	-0.14	0.36
elm8:Rikenellaceae	-0.79	0.80	0.78	-0.09	0.27	0.77	0.03	1.00	0.34	0.55	0.17	-0.13	-0.23	-0.30	0.10
elm9:uc_Clostridiales	-0.50	0.37	0.47	0.43	0.23	0.02	0.11	0.34	1.00	0.39	0.28	0.26	0.16	-0.38	0.10
elm10:uc_Firmicutes	-0.45	0.35	0.61	-0.03	0.50	0.26	0.18	0.55	0.39	1.00	0.61	-0.12	-0.16	-0.25	0.52
elm11:uc_Bacteria	-0.25	0.06	0.45	0.16	0.53	0.03	0.18	0.17	0.28	0.61	1.00	0.21	0.13	-0.22	0.27
elm12:Erysipelotrichaceae	-0.31	-0.01	0.33	0.89	0.30	0.04	-0.00	-0.13	0.26	-0.12	0.21	1.00	0.89	0.08	0.07
elm13:Clostridiales_incertae_sedis_XIV	-0.15	-0.18	0.20	0.88	0.10	-0.03	0.15	-0.23	0.16	-0.16	0.13	0.89	1.00	-0.14	-0.05
elm14:Enterobacteriaceae	0.31	-0.35	-0.21	-0.01	0.10	-0.30	-0.14	-0.30	-0.38	-0.25	-0.22	0.08	-0.14	1.00	0.52
elm15:Clostridiales_incertae_sedis_XIII	-0.11	-0.09	0.28	0.18	0.45	-0.08	0.36	0.10	0.10	0.52	0.27	0.07	-0.05	0.52	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15