

IBS\_P2 Metatranscriptores\_TAIL: times corr matrix

	t.P2D1	t.P2D3.1	t.P2D3.2	t.P2D4	t.P2D5	t.P2D7	t.P2D14	t.P2D21	t.P2D27	t.P2D28	t.P2D35	t.P2D42	t.P2D49	t.P2D56
t.P2D1	1.00	0.03	-0.04	-0.05	nan	0.02	0.03	0.00	0.16	-0.06	-0.06	nan	-0.03	-0.05
t.P2D3.1	0.03	1.00	-0.09	-0.05	nan	0.17	0.59	-0.05	-0.07	-0.08	-0.05	nan	0.15	0.01
t.P2D3.2	-0.04	-0.09	1.00	-0.05	nan	-0.10	-0.08	-0.04	-0.07	0.04	-0.04	nan	-0.09	-0.06
t.P2D4	-0.05	-0.05	-0.05	1.00	nan	-0.10	-0.03	-0.04	0.70	-0.06	-0.04	nan	0.08	0.05
t.P2D5	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
t.P2D7	0.02	0.17	-0.10	-0.10	nan	1.00	-0.00	0.09	-0.11	0.32	0.33	nan	-0.02	0.08
t.P2D14	0.03	0.59	-0.08	-0.03	nan	-0.00	1.00	-0.07	-0.05	-0.05	-0.03	nan	0.44	0.03
t.P2D21	0.00	-0.05	-0.04	-0.04	nan	0.09	-0.07	1.00	-0.05	-0.05	-0.04	nan	-0.07	-0.06
t.P2D27	0.16	-0.07	-0.07	0.70	nan	-0.11	-0.05	-0.05	1.00	-0.08	-0.05	nan	0.10	-0.09
t.P2D28	-0.06	-0.08	0.04	-0.06	nan	0.32	-0.05	-0.05	-0.08	1.00	0.48	nan	0.02	0.12
t.P2D35	-0.06	-0.05	-0.04	-0.04	nan	0.33	-0.03	-0.04	-0.05	0.48	1.00	nan	-0.07	0.08
t.P2D42	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
t.P2D49	-0.03	0.15	-0.09	0.08	nan	-0.02	0.44	-0.07	0.10	0.02	-0.07	nan	1.00	0.07
t.P2D56	-0.05	0.01	-0.06	0.05	nan	0.08	0.03	-0.06	-0.09	0.12	0.08	nan	0.07	1.00