kwashiorkor_gen_k196A: elm correlation matrix

					<u></u>										
elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.44	-0.56	-0.37	-0.42	-0.59	0.34	-0.40	-0.39	0.51	0.45	-0.38	0.56	-0.59	-0.39
elm2:Prevotella	-0.44	1.00	0.86	0.89	0.80	0.75	0.13	0.73	0.14	0.01	-0.06	0.33	0.28	0.64	0.83
elm3:Faecalibacterium	-0.56	0.86	1.00	0.66	0.83	0.77	0.32	0.78	0.21	0.15	-0.26	0.68	-0.05	0.62	0.57
elm4:Bacteroides	-0.37	0.89	0.66	1.00	0.81	0.65	0.07	0.78	0.34	-0.12	-0.12	0.06	0.36	0.69	0.83
elm5:Blautia	-0.42	0.80	0.83	0.81	1.00	0.71	0.21	0.95	0.55	0.02	-0.17	0.46	0.10	0.76	0.54
elm6:Ruminococcus	-0.59	0.75	0.77	0.65	0.71	1.00	-0 <u>.0</u> 7	0.61	0.45	0.10	-0.11	0.44	0.22	0.80	0.61
elm7:Collinsella	0.34	0.13	0.32	0.07	0.21	-0.07	1.00	0.39	-0.32	0.74	0.03	0.27	0.16	-0.21	0.01
elm8:Dorea	-0.40	0.73	0.78	0.78	0.95	0.61	0.39	1.00	0.50	0.10	-0.13	0.39	0.08	0.69	0.56
elm9:Eubacterium	-0.39	0.14	0.21	0.34	0.55	0.45	-0.32	0.50	1.00	-0.28	-0.40	0.14	-0.10	0.81	0.12
elm10:Lactobacillus	0.51	0.01	0.15	-0.12	0.02	0.10	0.74	0.10	-0.28	1.00	0.28	0.07	0.52	-0.24	-0.20
elm11:Streptococcus	0.45	-0.06	-0.26	-0.12	- 0.1 7	-0.11	0.03	- 0.1 3	-0.40	0.28	1.00	-0.29	0.50	-0.38	-0.03
elm12:Roseburia	-0.38	0.33	0.68	0.06	0.46	0.44	0.27	0.39	0.14	0.07	-0.29	1.00	-0.43	0.34	0.16
elm13:Veillonella	0.56	0.28	-0.05	0.36	0.10	0.22	0.16	0.08	-0.10	0.52	0.50	-0.43	1.00	0.05	0.30
elm14:Coprococcus	-0.59	0.64	0.62	0.69	0.76	0.80	-0.21	0.69	0.81	-0.24	-0.38	0.34	0.05	1.00	0.63
elm15:Megamonas	-0.39	0.83	0.57	0.83	0.54	0.61	0.01	0.56	0.12	-0.20	-0.03	0.16	0.30	0.63	1.00
	Tujo	ζ ₁ /1/2	elnz	sup ₁	elns	gu _{llo}	<4/1/2	84/18	64/10	ozunzo	1744	<7W/2	s/mz3	274/18	344