

antibiotics_h_patD_pre_TAILLESS: elm correlation matrix

elm1:p_Bacteroidetes*;g_Bacteroides	1.00	-0.51	-0.92	-0.56	-0.30	-0.35	-0.33	-0.38	-0.10	-0.29	-0.09	0.31	-0.69	-0.79	0.11
elm2:p_Bacteroidetes*;g__	-0.51	1.00	0.80	-0.31	-0.11	0.96	-0.36	-0.45	0.30	-0.59	0.26	-0.48	0.01	0.09	-0.45
elm3:Other*;Other	-0.92	0.80	1.00	0.25	0.23	0.66	0.03	0.09	0.19	-0.08	0.19	-0.44	0.53	0.61	-0.19
elm4:p_Firmicutes*;g__	-0.56	-0.31	0.25	1.00	0.55	-0.44	0.77	0.92	-0.47	0.87	-0.12	0.28	0.75	0.82	0.29
elm5:p_Firmicutes*;g__	-0.30	-0.11	0.23	0.55	1.00	-0.35	0.01	0.69	-0.32	0.27	0.40	-0.15	0.86	0.68	0.69
elm6:p_Proteobacteria*;g_Sutterella	-0.35	0.96	0.66	-0.44	-0.35	1.00	-0.35	-0.58	0.32	-0.62	0.05	-0.35	-0.24	-0.13	-0.56
elm7:p_Firmicutes*;g__	-0.33	-0.36	0.03	0.77	0.01	-0.35	1.00	0.67	-0.64	0.74	-0.44	0.71	0.25	0.56	0.03
elm8:p_Firmicutes*;g_Dialister	-0.38	-0.45	0.09	0.92	0.69	-0.58	0.67	1.00	-0.57	0.80	-0.20	0.38	0.78	0.79	0.63
elm9:p_Cyanobacteria*;g__	-0.10	0.30	0.19	-0.47	-0.32	0.32	-0.64	-0.57	1.00	-0.27	0.12	-0.81	-0.16	-0.41	-0.29
elm10:p_Firmicutes*;g_Faecalibacterium	-0.29	-0.59	-0.08	0.87	0.27	-0.62	0.74	0.80	-0.27	1.00	-0.37	0.33	0.47	0.48	0.25
elm11:p_Firmicutes*;g_Lachnospira	-0.09	0.26	0.19	-0.12	0.40	0.05	-0.44	-0.20	0.12	-0.37	1.00	-0.59	0.24	0.12	-0.17
elm12:p_Verrucomicrobia*;g_Akkermansia	0.31	-0.48	-0.44	0.28	-0.15	-0.35	0.71	0.38	-0.81	0.33	-0.59	1.00	-0.23	0.06	0.19
elm13:p_Firmicutes*;g_Roseburia	-0.69	0.01	0.53	0.75	0.86	-0.24	0.25	0.78	-0.16	0.47	0.24	-0.23	1.00	0.90	0.54
elm14:p_Firmicutes*;Other	-0.79	0.09	0.61	0.82	0.68	-0.13	0.56	0.79	-0.41	0.48	0.12	0.06	0.90	1.00	0.35
elm15:p_Firmicutes*;g_Ruminococcus	0.11	-0.45	-0.19	0.29	0.69	-0.56	0.03	0.63	-0.29	0.25	-0.17	0.19	0.54	0.35	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15