

kwashiorkor_gen_h_h257B: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	0.62	0.82	0.57	0.75	-0.25	-0.37	-0.01	-0.05	0.81	-0.24	0.09	0.38	-0.61	-0.61
elm2:Prevotella	0.62	1.00	0.54	0.38	0.65	0.23	0.09	0.60	0.12	0.86	0.32	0.65	0.93	-0.33	-0.46
elm3:Streptococcus	0.82	0.54	1.00	0.06	0.32	0.22	0.11	0.37	-0.46	0.54	0.20	0.47	0.50	-0.30	-0.31
elm4:Lactobacillus	0.57	0.38	0.06	1.00	0.94	-0.42	-0.47	-0.31	0.77	0.77	-0.38	-0.40	0.04	-0.26	-0.29
elm5:Megasphaera	0.75	0.65	0.32	0.94	1.00	-0.31	-0.40	-0.09	0.60	0.93	-0.26	-0.12	0.33	-0.40	-0.45
elm6:Veillonella	-0.25	0.23	0.22	-0.42	-0.31	1.00	0.99	0.89	-0.12	-0.03	0.99	0.75	0.49	0.74	0.66
elm7:Megamonas	-0.37	0.09	0.11	-0.47	-0.40	0.99	1.00	0.83	-0.10	-0.16	0.97	0.67	0.37	0.82	0.76
elm8:Bacteroides	-0.01	0.60	0.37	-0.31	-0.09	0.89	0.83	1.00	-0.16	0.25	0.93	0.95	0.83	0.40	0.27
elm9:Faecalibacterium	-0.05	0.12	-0.46	0.77	0.60	-0.12	-0.10	-0.16	1.00	0.40	-0.08	-0.38	-0.08	0.26	0.21
elm10:Collinsella	0.81	0.86	0.54	0.77	0.93	-0.03	-0.16	0.25	0.40	1.00	0.03	0.24	0.63	-0.36	-0.44
elm11:Blautia	-0.24	0.32	0.20	-0.38	-0.26	0.99	0.97	0.93	-0.08	0.03	1.00	0.80	0.58	0.70	0.60
elm12:Haemophilus	0.09	0.65	0.47	-0.40	-0.12	0.75	0.67	0.95	-0.38	0.24	0.80	1.00	0.88	0.14	0.02
elm13:Dorea	0.38	0.93	0.50	0.04	0.33	0.49	0.37	0.83	-0.08	0.63	0.58	0.88	1.00	-0.13	-0.28
elm14:Escherichia	-0.61	-0.33	-0.30	-0.26	-0.40	0.74	0.82	0.40	0.26	-0.36	0.70	0.14	-0.13	1.00	0.99
elm15:Fusobacterium	-0.61	-0.46	-0.31	-0.29	-0.45	0.66	0.76	0.27	0.21	-0.44	0.60	0.02	-0.28	0.99	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15