

kwashiorkor\_gen\_k188A: rank matrix & stability

Bifidobacterium	1	1	1	1	1	2	2	1	1	2	3	1	2	4	2	5	2	99.4
Prevotella	502	13	3	5	2	1	1	2	2	1	8	2	1	3	1	1	1	81.8
Streptococcus	2	4	7	12	21	10	8	7	3	6	1	3	7	1	12	4	10	97.0
Bacteroides	114	29	14	2	4	3	3	5	7	4	10	8	8	11	7	8	6	94.9
Eubacterium	261	30	17	22	13	16	4	32	19	13	15	10	3	2	4	11	7	87.6
Faecalibacterium	20	273	68	6	3	5	5	10	5	3	5	4	9	6	3	3	3	88.9
Blautia	16	140	19	11	5	6	9	16	9	7	6	6	13	5	9	2	5	80.9
Lactobacillus	7	6	16	4	19	30	19	4	6	17	30	9	4	30	18	42	39	93.0
Collinsella	188	2	6	7	7	8	6	9	10	9	12	7	6	10	8	15	13	91.9
Megasphaera	386	9	4	3	6	24	14	13	18	33	398	26	19	33	14	79	52	59.5
Dorea	236	247	35	8	8	9	10	11	8	5	7	5	12	9	6	6	8	90.0
Roseburia	534	32	30	26	14	4	16	24	4	10	4	11	10	12	5	7	14	79.1
Escherichia	11	8	2	9	15	23	22	3	21	35	35	33	5	23	24	34	45	94.4
Ruminococcus	24	18	21	16	11	11	12	28	20	8	17	15	14	19	17	9	4	96.8
Clostridium	12	39	5	13	12	12	15	19	14	15	14	14	17	16	15	16	18	96.6
Catenibacterium	163	176	231	241	37	34	105	224	15	11	11	13	46	8	11	12	15	74.2
Brachyspira	132	146	206	216	201	260	268	12	11	12	2	25	47	28	27	14	232	75.4
Helicobacter	310	318	61	80	352	109	50	31	35	127	37	371	11	7	349	50	47	36.1
Veillonella	652	3	9	14	34	14	17	8	17	27	13	28	27	13	16	18	17	73.9
Mastadenovirus	383	17	418	423	54	7	453	420	46	444	55	435	457	491	415	21	432	14.1
Sutterella	604	607	10	10	10	15	13	14	22	14	22	20	18	37	20	57	613	60.5
Parabacteroides	468	474	108	17	9	18	11	15	31	16	25	16	32	45	35	32	21	79.6
Barnesiella	115	129	191	201	32	31	7	36	39	21	53	86	64	69	41	75	64	82.5
Coprococcus	192	204	59	27	22	20	25	30	30	18	20	18	29	18	29	13	12	90.2
Enterococcus	251	10	20	24	33	25	45	6	12	26	23	38	100	24	39	17	30	80.0
Phascolarctobacterium	489	493	514	103	40	52	49	39	55	49	19	36	63	38	32	10	9	81.7
Mitsuokella	411	416	103	63	66	67	63	99	58	59	70	19	15	15	10	19	16	81.7
Dialister	229	239	29	18	18	17	18	21	23	24	29	21	21	25	19	27	24	90.2
Campylobacter	150	163	8	34	44	32	35	53	37	34	9	35	16	22	36	48	26	86.3
Senegalemassilia	563	41	40	38	17	21	23	20	16	20	570	17	20	26	21	45	20	49.4
Butyrivibrio	143	156	74	83	60	35	29	41	32	30	27	45	39	29	56	26	11	89.6
Subdoligranulum	595	598	13	28	16	19	20	42	28	25	44	49	68	44	25	22	19	74.8
Actinomyces	29	5	11	15	26	26	30	27	29	28	24	23	24	31	23	25	28	97.0
Haemophilus	303	311	349	61	344	55	48	18	26	22	21	48	41	21	342	23	23	51.1
Aeromonas	59	78	55	95	142	138	174	50	90	197	52	178	132	14	40	28	173	65.5
Anaerostipes	91	107	172	43	25	13	26	44	27	58	28	58	252	52	162	41	48	67.7
Acidaminococcus	43	47	53	23	35	44	24	17	25	31	65	22	22	35	13	47	27	90.4
Staphylococcus	3	593	46	46	71	85	611	80	626	607	85	606	66	66	111	101	53	11.4
Enterobacter	22	261	64	52	52	94	112	74	61	129	278	324	163	17	42	20	96	68.0
Acinetobacter	8	65	18	85	129	194	65	72	75	187	96	167	125	20	122	30	116	64.0
Klebsiella	4	21	23	21	48	54	155	22	83	407	48	394	26	32	31	24	387	41.1
Weissella	657	657	657	657	658	659	661	658	13	45	45	660	30	93	659	661	658	33.3
Coprobacillus	191	203	24	30	27	22	21	40	71	44	43	128	75	55	244	49	46	55.0
Olsenella	456	461	27	20	30	59	41	29	33	39	467	27	28	39	22	61	36	91.2
Atopobium	107	7	22	19	39	46	38	37	44	46	32	34	54	51	28	40	34	91.2
Lactococcus	349	357	391	394	385	418	424	389	24	134	51	57	434	27	385	44	401	34.0
Leuconostoc	362	370	401	91	398	429	436	402	40	428	377	12	43	49	395	73	413	27.7
Peptoclostridium	10	19	26	31	29	28	51	64	52	32	39	37	48	47	47	38	29	47.5
Rothia	540	24	25	29	550	51	42	26	45	47	26	122	37	34	37	51	41	47.5
Corynebacterium	5	14	12	139	95	56	79	61	119	55	50	51	33	62	247	55	276	66.6
	01	02	03	04	05KwPre	06RUTF	07RUTF	08KwPost	09	10	11	12	13	14	15	16	17	