kwashiorkor_gen_h268A: rank matrix & stability

_	1,11,00	<u> </u>	<u>_9 </u>				D
Bifidobacterium	1	1	1	1	1	1	1
Streptococcus	9	4	2	2	13	6	9
Bacteroides	10	2	6	4	2	7	4
Prevotella	237	2 3	3	6	2 3	5	7
Lactobacillus	4	8	5	ž	15	10	ź
	16	16	4	12	6		2 3
Megasphaera						9 3 2	2
_Collinsella	117	11	7	3	10	3	8
Escherichia	2	10	9	9	9		21
Faecalibacterium	8	5	8	8	4	4	10
Dorea	13	15	11	13	7	8	5
Blautia	6	7	10	14	5	14	12
Enterococcus	11	9	15	26	19	11	6
Veillonella	5	6	12	10	12	13	14
Mastadenovirus	3	44	227	206	238	240	239
	7	120	161		236	51	178
Campylobacter			101	5		21	
Megamonas	53	209	108	11	8	38	20
Parabacteroides	222	20	33	40	52	12	11
Clostridium	14	14	19	19	11	15	23
Ruminococcus	15	18	29	15	14	16	17
Senegalemassilia	30	34	23	27	25	19	13
Eubacterium	39	13	25	23	16	18	24
Acidaminococcus	58	41	13	29	28	29	16
Actinomyces	62	26	24	16	29	17	18
	12	27	16	22	33	24	26
Corynebacterium				22			
Roseburia	22	25	32	36	17	21	30
Coprobacillus	119	138	14	18	23	33	35
Olsenella	217	231	18	24	46	23	19
Dialister	133	151	21	21	24	27	22
Coprococcus	18	12	36	31	22	35	34
Mitsuokella	199	53	233	213	63	89	15
Haemophilus	157	24	31	17	26	26	39
Eggerthella	20	23	22	25	40	22	31
Bilophila	88	17	26	112	36	25	25
	19	19	20 27	20	34	23 28	70
Flavonifractor	19	19		20			
Rothia	32	31	30	33	35	20	40
Klebsiella	23	21	17	39	49	34	54
Varibaculum	305	33	304	305	18		
Gordonibacter	31	32	28	32	53	31	32
Peptoclostridium	17	22	34	30	31	66	55
Anaerococcus	77	103	46	43	20	171	167
Atopobium	45	38	38	28	57	41	28
Penicillium	25	37	20	241	260	84	38
Finegoldia	143	162	186	162	27	211	206
Anaerostipes	79	104	61	37	38	37	168
Fusobacterium	147	166	187	35	45	32	209
			91				
Butyrivibrio	97	117		123	39	44	46
Enorma	137	158	41	59	79	53	33
Peptoniphilus	229	242	255	242	30	264	133
Micrococcus	197	213	109	68	72	30	244
Peptostreptococcus	230	243	45	34	51	40	263
				- /,	- /,	4	4
	<i> − , − </i>	ŝ	ot other	E	E	żs04.0	Š
			CA,		ξ,	\Q``	ઢુઁ
			9	OSRUTE	OGRUTE	0,	ts0080

Rank Stability Index (in %