

kwashiorkor\_gen\_h\_h10A: elm correlation matrix

elm1:Prevotella	1.00	-0.94	-0.79	0.73	-0.97	-0.97	0.51	0.94	0.96	0.34	0.32	-1.00	0.62	0.70	-0.82
elm2:Bifidobacterium	-0.94	1.00	0.95	-0.92	1.00	1.00	-0.76	-1.00	-1.00	-0.63	-0.61	0.91	-0.32	-0.43	0.96
elm3:Lactobacillus	-0.79	0.95	1.00	-1.00	0.92	0.92	-0.93	-0.95	-0.93	-0.84	-0.83	0.73	-0.00	-0.12	1.00
elm4:Faecalibacterium	0.73	-0.92	-1.00	1.00	-0.88	-0.88	0.96	0.92	0.89	0.89	0.88	-0.67	-0.09	0.03	-0.99
elm5:Streptococcus	-0.97	1.00	0.92	-0.88	1.00	1.00	-0.70	-1.00	-1.00	-0.56	-0.54	0.94	-0.40	-0.50	0.94
elm6:Veillonella	-0.97	1.00	0.92	-0.88	1.00	1.00	-0.70	-1.00	-1.00	-0.56	-0.54	0.94	-0.40	-0.50	0.94
elm7:Blautia	0.51	-0.76	-0.93	0.96	-0.70	-0.70	1.00	0.77	0.72	0.98	0.98	-0.43	-0.37	-0.26	-0.91
elm8:Bacteroides	0.94	-1.00	-0.95	0.92	-1.00	-1.00	0.77	1.00	1.00	0.64	0.62	-0.91	0.31	0.42	-0.97
elm9:Roseburia	0.96	-1.00	-0.93	0.89	-1.00	-1.00	0.72	1.00	1.00	0.58	0.56	-0.93	0.38	0.48	-0.95
elm10:Clostridium	0.34	-0.63	-0.84	0.89	-0.56	-0.56	0.98	0.64	0.58	1.00	1.00	-0.25	-0.53	-0.43	-0.81
elm11:Dorea	0.32	-0.61	-0.83	0.88	-0.54	-0.54	0.98	0.62	0.56	1.00	1.00	-0.23	-0.55	-0.45	-0.80
elm12:Collinsella	-1.00	0.91	0.73	-0.67	0.94	0.94	-0.43	-0.91	-0.93	-0.25	-0.23	1.00	-0.68	-0.76	0.77
elm13:Eubacterium	0.62	-0.32	-0.00	-0.09	-0.40	-0.40	-0.37	0.31	0.38	-0.53	-0.55	-0.68	1.00	0.99	-0.06
elm14:Ruminococcus	0.70	-0.43	-0.12	0.03	-0.50	-0.50	-0.26	0.42	0.48	-0.43	-0.45	-0.76	0.99	1.00	-0.17
elm15:Helicobacter	-0.82	0.96	1.00	-0.99	0.94	0.94	-0.91	-0.97	-0.95	-0.81	-0.80	0.77	-0.06	-0.17	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15