

kwashiorkor\_gen\_h196B: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.64	-0.16	0.06	-0.62	-0.29	0.35	-0.50	-0.36	-0.22	-0.22	0.16	0.05	-0.50	-0.18
elm2:Prevotella	-0.64	1.00	0.34	0.06	0.72	0.49	-0.00	0.69	0.40	0.33	0.67	0.19	0.44	0.75	0.65
elm3:Streptococcus	-0.16	0.34	1.00	-0.12	0.47	0.71	-0.15	0.11	0.24	0.20	0.44	0.05	0.02	0.13	0.01
elm4:Lactobacillus	0.06	0.06	-0.12	1.00	0.14	-0.23	0.61	0.21	0.61	-0.25	0.20	0.41	0.57	0.37	-0.19
elm5:Faecalibacterium	-0.62	0.72	0.47	0.14	1.00	0.72	-0.01	0.52	0.39	-0.24	0.80	-0.18	0.04	0.74	0.45
elm6:Blautia	-0.29	0.49	0.71	-0.23	0.72	1.00	-0.03	0.28	0.03	-0.03	0.79	-0.02	-0.12	0.28	0.24
elm7:Collinsella	0.35	-0.00	-0.15	0.61	-0.01	-0.03	1.00	-0.13	0.03	-0.20	0.38	0.71	0.65	0.06	-0.01
elm8:Bacteroides	-0.50	0.69	0.11	0.21	0.52	0.28	-0.13	1.00	0.67	0.01	0.49	-0.04	0.20	0.81	0.39
elm9:Veillonella	-0.36	0.40	0.24	0.61	0.39	0.03	0.03	0.67	1.00	0.03	0.27	-0.04	0.45	0.68	0.17
elm10:Megamonas	-0.22	0.33	0.20	-0.25	-0.24	-0.03	-0.20	0.01	0.03	1.00	-0.21	0.38	0.41	-0.22	0.08
elm11:Dorea	-0.22	0.67	0.44	0.20	0.80	0.79	0.38	0.49	0.27	-0.21	1.00	0.18	0.31	0.66	0.52
elm12:Brachyspira	0.16	0.19	0.05	0.41	-0.18	-0.02	0.71	-0.04	-0.04	0.38	0.18	1.00	0.67	-0.12	-0.22
elm13:Haemophilus	0.05	0.44	0.02	0.57	0.04	-0.12	0.65	0.20	0.45	0.41	0.31	0.67	1.00	0.33	0.35
elm14:Ruminococcus	-0.50	0.75	0.13	0.37	0.74	0.28	0.06	0.81	0.68	-0.22	0.66	-0.12	0.33	1.00	0.62
elm15:Weissella	-0.18	0.65	0.01	-0.19	0.45	0.24	-0.01	0.39	0.17	0.08	0.52	-0.22	0.35	0.62	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15