

LEA_gem_ob_g1: elm correlation matrix

elm1: *_	1.00	0.99	0.67	0.05	0.63	0.91	0.57	0.98	0.83	0.24	-0.66	0.95	0.96	0.66	0.62
elm2: *_Bacteroides	0.99	1.00	0.63	-0.01	0.58	0.89	0.51	0.94	0.79	0.18	-0.75	0.92	0.94	0.60	0.57
elm3: *_Blautia	0.67	0.63	1.00	0.76	0.99	0.92	0.98	0.70	0.97	-0.38	-0.47	0.84	0.86	0.98	1.00
elm4: *_	0.05	-0.01	0.76	1.00	0.81	0.45	0.85	0.15	0.60	-0.59	0.05	0.34	0.33	0.78	0.81
elm5: *_Ruminococcus	0.63	0.58	0.99	0.81	1.00	0.89	1.00	0.69	0.96	-0.33	-0.36	0.83	0.83	1.00	1.00
elm6: *_	0.91	0.89	0.92	0.45	0.89	1.00	0.85	0.91	0.99	-0.09	-0.63	0.98	0.99	0.90	0.89
elm7: *_Erysipelotrichaceae;Other	0.57	0.51	0.98	0.85	1.00	0.85	1.00	0.65	0.93	-0.34	-0.30	0.79	0.78	0.99	1.00
elm8: *_Veillonellaceae;Other	0.98	0.94	0.70	0.15	0.69	0.91	0.65	1.00	0.85	0.32	-0.49	0.97	0.95	0.73	0.67
elm9: *_Lachnospiraceae;Other	0.83	0.79	0.97	0.60	0.96	0.99	0.93	0.85	1.00	-0.20	-0.56	0.94	0.95	0.96	0.95
elm10: *_Faecalibacterium	0.24	0.18	-0.38	-0.59	-0.33	-0.09	-0.34	0.32	-0.20	1.00	0.36	0.11	0.02	-0.24	-0.37
elm11: *_Roseburia	-0.66	-0.75	-0.47	0.05	-0.36	-0.63	-0.30	-0.49	-0.56	0.36	1.00	-0.55	-0.64	-0.32	-0.39
elm12: *_Dialister	0.95	0.92	0.84	0.34	0.83	0.98	0.79	0.97	0.94	0.11	-0.55	1.00	0.99	0.85	0.82
elm13: *_	0.96	0.94	0.86	0.33	0.83	0.99	0.78	0.95	0.95	0.02	-0.64	0.99	1.00	0.84	0.82
elm14: *_Collinsella	0.66	0.60	0.98	0.78	1.00	0.90	0.99	0.73	0.96	-0.24	-0.32	0.85	0.84	1.00	0.99
elm15: *_	0.62	0.57	1.00	0.81	1.00	0.89	1.00	0.67	0.95	-0.37	-0.39	0.82	0.82	0.99	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15