	_kwashiorkor_gen_k56B: elm correlation matrix														
tella	1.00	0.00	0.69	-0.24	0.77	0.17	0.31	0.54	0.73	-0.14	0.36	-0.01	0.57	-0.43	0.03

	K	was	SHILO	IKU	'_9	=''_'	K J U	D. 6	=1111	COI	1610	atio	11 11	ıatı	IX
elm1:Prevotella	1.00	0.00	0.69	-0.24	0.77	0.17	0.31	0.54	0.73	-0.14	0.36	-0.01	0.57	-0.43	0.03
elm2:Bifidobacterium	0.00	1.00	-0.50	0.50	0.57	-0.54	0.55	0.72	-0.54	-0.52	0.84	0.42	-0.67	0.46	-0.07
elm3:Faecalibacterium	0.69	-0.50	1.00	-0.28	0.11	0.11	0.26	0.08	0.83	-0.04	-0.24	-0.36	0.75	-0.28	0.31
elm4:Lactobacillus	-0.24	0.50	-0.28	1.00	-0.03	- 0.1 3	0.51	0.55	-0.46	0.06	0.54	-0.03	-0.39	0.80	0.52
elm5:Bacteroides	0.77	0.57	0.11	-0.03	1.00	-0.11	0.43	0.77	0.28	-0.42	0.73	0.35	0.09	-0.18	-0.11
elm6:Streptococcus	0.17	-0.54	0.11	-0.13	-0.11	1.00	-0.66	-0.30	0.24	0.86	-0.20	0.09	0.34	-0.39	-0.21
elm7:Collinsella	0.31	0.55	0.26	0.51	0.43	-0.66	1.00	0.76	0.10	-0.70	0.49	-0.07	-0.00	0.57	0.65
elm8:Dorea	0.54	0.72	0.08	0.55	0.77	-0.30	0.76	1.00	0.06	-0.39	0.89	0.11	-0.06	0.33	0.30
elm9:Blautia	0.73	-0.54	0.83	-0.46	0.28	0.24	0.10	0.06	1.00	-0.09	-0.28	-0.20	0.97	-0.41	0.31
elm10:Eubacterium	-0.14	-0.52	-0 <u>.0</u> 4	0.06	-0.42	0.86	-0.70	-0.39	-0.09	1.00	-0.19	-0.22	0.06	-0.30	-0.23
elm11:Sutterella	0.36	0.84	-0.24	0.54	0.73	-0.20	0.49	0.89	-0.28	-0.19	1.00	0.19	-0.40	0.21	-0.05
elm12:Enterococcus	-0.01	0.42	-0.36	-0.03	0.35	0.09	-0.07	0.11	-0.20	-0.22	0.19	1.00	-0.29	0.24	-0.37
elm13:Mitsuokella	0.57	-0.67	0.75	-0.39	0.09	0.34	-0.00	-0.06	0.97	0.06	-0.40	-0.29	1.00	-0.36	0.40
elm14:Helicobacter	-0.43	0.46	-0.28	0.80	-0.18	-0.39	0.57	0.33	-0.41	-0.30	0.21	0.24	-0.36	1.00	0.57
elm15:Brachyspira	0.03	-0.07	0.31	0.52	-0.11	-0.21	0.65	0.30	0.31	-0.23	-0.05	-0.37	0.40	0.57	1.00
	Tups	20/0	6/173	6/h	elns	94/10	<4/ _{1/9}	84/18	64/18	OTUJO	elm ₁	<71U/10	eln ₁₃	8/m14	STUJ8