	kwa	ash	iork	or_	gen	_h_	h25	59B	: el	m c	orr	elat	ion	ma	atrix
ium	1.00	-0.27	-0.14	-0.28	-0.26	-0.09	0.97	-0.28	0.97	-0.28	-0.29	-0.46	-0.28	-0.28	-0.27

		J. O	. •	` -	90.	·—· ·—	– -			• • •	•		. •		, .
elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.27	-0.14	-0.28	-0.26	-0.09	0.97	-0.28	0.97	-0.28	-0.29	-0.46	-0.28	-0.28	-0.27
elm2:Streptococcus	-0.27	1.00	-0.30	-0.34	0.76	0.98	-0.25	-0.33	-0.25	-0.35	-0.34	-0.24	-0.34	-0.33	-0.33
elm3:Lactobacillus	-0.14	-0.30	1.00	-0.20	0.35	-0.38	-0.37	-0.22	-0.37	-0.18	-0.22	0.16	-0.21	-0.23	-0.22
elm4:Prevotella	-0.28	-0.34	-0.20	1.00	-0.32	-0.43	-0.24	1.00	-0.23	1.00	1.00	-0.30	1.00	1.00	1.00
elm5:Veillonella	-0.26	0.76	0.35	-0.32	1.00	0.68	-0.41	-0.32	-0.42	-0.32	-0.33	-0.35	-0.33	-0.32	-0.32
elm6:Escherichia	-0.09	0.98	-0.38	-0.43	0.68	1.00	-0.06	-0.42	-0.06	-0.44	-0.43	-0.28	-0.43	-0.42	-0.42
elm7:Klebsiella	0.97	-0.25	-0.37	-0.24	-0.41	-0.06	1.00	-0.24	1.00	-0.25	-0.24	-0.36	-0.24	-0.23	-0.23
elm8:Faecalibacterium	-0.28	-0.33	-0.22	1.00	-0.32	-0.42	-0.24	1.00	-0.22	1.00	1.00	-0.30	1.00	1.00	1.00
elm9:Enterobacter	0.97	-0.25	-0.37	-0.23	-0.42	-0.06	1.00	-0.22	1.00	-0.24	-0.23	-0.37	-0.23	-0.22	-0.22
elm10:Collinsella	-0.28	-0.35	-0.18	1.00	-0.32	-0.44	-0.25	1.00	-0.24	1.00	1.00	-0.29	1.00	1.00	1.00
elm11:Bacteroides	-0.29	-0.34	-0.22	1.00	-0.33	-0.43	-0.24	1.00	-0.23	1.00	1.00	-0.28	1.00	1.00	1.00
elm12:Campylobacter	-0.46	-0.24	0.16	-0.30	-0.35	-0.28	-0.36	-0.30	-0.37	-0.29	-0.28	1.00	-0.28	-0.30	-0.31
elm13:Blautia	-0.28	-0.34	-0.21	1.00	-0.33	-0.43	-0.24	1.00	-0.23	1.00	1.00	-0.28	1.00	1.00	1.00
elm14:Megamonas	-0.28	-0.33	-0.23	1.00	-0.32	-0.42	-0.23	1.00	-0.22	1.00	1.00	-0.30	1.00	1.00	1.00
elm15:Eubacterium		-0.33	-0.22	1.00	-0.32	-0.42	-0.23	1.00	-0.22	1.00	1.00	-0.31	1.00	1.00	1.00
	em,	24/8	6/1/13	bu ₁₀	SUNS	94/18	<4/1/0	84/18	64/10	elm20	elm ₁	<714/18	6/11/3	6/11/4	em15