

kwashiorkor_gen_h_h301B: elm correlation matrix

elm1:Bifidobacterium	1.00	-0.23	0.34	-0.98	-0.98	-0.98	-0.75	0.39	-0.97	-0.80	-0.89	0.37	0.34	-0.98	0.39
elm2:Streptococcus	-0.23	1.00	0.70	0.10	0.09	0.10	-0.12	-0.78	0.08	-0.06	0.00	-0.35	-0.36	0.07	-0.35
elm3:Lactobacillus	0.34	0.70	1.00	-0.43	-0.43	-0.43	-0.40	-0.18	-0.42	-0.34	-0.38	0.18	0.17	-0.44	0.19
elm4:Prevotella	-0.98	0.10	-0.43	1.00	1.00	1.00	0.86	-0.34	1.00	0.89	0.96	-0.22	-0.18	1.00	-0.24
elm5:Faecalibacterium	-0.98	0.09	-0.43	1.00	1.00	1.00	0.87	-0.33	1.00	0.90	0.96	-0.21	-0.17	1.00	-0.22
elm6:Megamonas	-0.98	0.10	-0.43	1.00	1.00	1.00	0.86	-0.34	1.00	0.89	0.96	-0.22	-0.19	1.00	-0.24
elm7:Collinsella	-0.75	-0.12	-0.40	0.86	0.87	0.86	1.00	-0.15	0.89	0.99	0.97	0.30	0.33	0.86	0.28
elm8:Escherichia	0.39	-0.78	-0.18	-0.34	-0.33	-0.34	-0.15	1.00	-0.31	-0.15	-0.23	0.41	0.43	-0.30	0.41
elm9:Blautia	-0.97	0.08	-0.42	1.00	1.00	1.00	0.89	-0.31	1.00	0.92	0.98	-0.15	-0.12	1.00	-0.17
elm10:Bacteroides	-0.80	-0.06	-0.34	0.89	0.90	0.89	0.99	-0.15	0.92	1.00	0.98	0.25	0.28	0.90	0.23
elm11:Dorea	-0.89	0.00	-0.38	0.96	0.96	0.96	0.97	-0.23	0.98	0.98	1.00	0.07	0.10	0.96	0.05
elm12:Megasphaera	0.37	-0.35	0.18	-0.22	-0.21	-0.22	0.30	0.41	-0.15	0.25	0.07	1.00	1.00	-0.21	1.00
elm13:Veillonella	0.34	-0.36	0.17	-0.18	-0.17	-0.19	0.33	0.43	-0.12	0.28	0.10	1.00	1.00	-0.17	1.00
elm14:Clostridium	-0.98	0.07	-0.44	1.00	1.00	1.00	0.86	-0.30	1.00	0.90	0.96	-0.21	-0.17	1.00	-0.22
elm15:Enterococcus	0.39	-0.35	0.19	-0.24	-0.22	-0.24	0.28	0.41	-0.17	0.23	0.05	1.00	1.00	-0.22	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15