MPHM_h_female_feces: elm correlation matrix

			<u> </u>	<u> </u>		<u> </u>									
elm1:_*_Bacteroides	1.00	-0.39	0.21	0.07	0.13	0.02	0.26	0.20	0.08	-0.21	0.00	-0.08	0.28	0.13	-0.14
elm2:_*_Akkermansia	-0.39	1.00	-0.51	-0.15	-0.50	-0.21	-0.06	-0.34	-0.04	-0.07	-0.12	0.02	-0.45	-0.01	0.28
elm3:_*_Faecalibacterium	0.21	-0.51	1.00	0.34	0.50	0.27	-0.09	0.39	-0.31	-0.17	0.42	0.34	0.32	0.03	0.09
elm4:_*_Lachnospira	0.07	- <mark>0.1</mark> 5	0.34	1.00	0.05	-0.06	0.05	0.02	-0.19	-0.29	-0.01	0.11	0.04	-0.03	0.08
elm5:_*_	0.13	-0.50	0.50	0.05	1.00	0.24	0.04	0.45	-0.08	-0.06	0.29	0.17	0.35	-0.01	-0.06
elm6:_*_Roseburia	0.02	-0.21	0.27	-0.06	0.24	1.00	-0.04	0.11	-0.22	-0.21	0.43	0.29	0.30	0.03	0.01
elm7:_*_Phascolarctobacterium	0.26	-0.06	-0.09	0.05	0.04	-0.04	1.00	0.19	0.12	0.06	-0.16	-0.20	0.09	0.22	-0.23
elm8:_*_Clostridium	0.20	-0.34	0.39	0.02	0.45	0.11	0.19	1.00	0.27	0.06	0.35	0.12	0.11	0.29	0.14
elm9:_*_	0.08	-0.04	-0.31	-0.19	-0.08	-0.22	0.12	0.27	1.00	0.41	-0.24	-0.33	-0.18	0.03	-0.06
elm10:_*_Escherichia	-0.21	-0.07	-0.17	-0.29	-0.06	-0.21	0.06	0.06	0.41	1.00	-0.15	-0.17	-0.24	0.03	-0.10
elm11:_*_Blautia	0.00	-0.12	0.42	-0.01	0.29	0.43	-0.16	0.35	-0.24	- 0.1 5	1.00	0.70	0.19	0.28	0.39
elm12:_*_Coprococcus	-0.08	0.02	0.34	0.11	0.17	0.29	-0.20	0.12	-0.33	- 0.1 7	0.70	1.00	0.08	0.30	0.52
elm13:_*_	0.28	-0.45	0.32	0.04	0.35	0.30	0.09	0.11	-0.18	-0.24	0.19	0.08	1.00	0.02	-0.03
elm14:_*_	0.13	-0.01	0.03	-0.03	-0.01	0.03	0.22	0.29	0.03	0.03	0.28	0.30	0.02	1.00	0.40
elm15:_*_Desulfovibrio		0.28	0.09		-0.06		-0.23		-0.06		0.39		-0.03	0.40	
	Elm?	24/10	em3	eln ₄	ems	94/10	<4/10	84118	64/18	o _{tujo}	elm11	?TU/8	elm13	eln14	elm15