kwashiorkor_gen_h188B: rank matrix & stability

									, . .	raint matrix a stability							
Bifidobacterium	1	1	1	1		1	3	2	2	1	6	1	2	2	1	1	1
Prevotella	22	16	10	2	3	2	2	1	1	3	1	3	1	1	2	2	2
Bacteroides	122	17	157	3	4	5	ī	3	6	11	5	7	7	5	8	9	7
				5	2	16				7						3	
_ Lactobacillus	10	3	35				35	4	21		46	2	5	4	3		11
Faecalibacterium	265	30	24	7	9	3	5	8	3	4	2	10	4	8	7	7	4
Streptococcus	2	2	3	25	6	13	19	12	7	6	14	9	3	3	4	6	10
Collinsella	195	23	5	6	7	6	13	5	5	8	21	4	8	7	5	5	3
Blautia	130	47	21	10	13	7	8	11	8	10	3	13	9	12	10	11	5
Dorea	235	25	266	8	11	8	7	9	10	9	7	6	6	6	6	4	6
Roseburia	17	26	22	31	8	10	4	26	4	13	4	28	11	11	9	27	12
				4	19	21	21	10	39	16	34	12	24	17		12	13
Megasphaera	379	20	16												16		
Mastadenovirus	375	408	396	423	412	14	449	439	415	2	437	464	87	428	26	440	443
Escherichia	4	12	2	29	5	20	6	22	27	12	33	18	25	26	54	41	20
Eubacterium	261	40	39	21	10	4	16	21	16	17	10	24	18	18	13	21	16
Sutterella	598	602	23	9	12	11	12	7	12	26	24	8	19	13	20	8	18
Ruminococcus	16	19	12	15	18	12	10	23	13	22	12	19	13	22	14	17	17
Parabacteroides	459	482	474	19	16	15	9	6	31	58	13	14	28	34	33	28	33
Staphylococcus	3	24	590	598	593	173	190	600	72	598	128	166	85	51	98	603	189
	403	433	421	57	91	59	140	59	59	45	40	5	14	9	11	10	9
Mitsuokella						9											
Clostridium	8	35	18	13	17		15	15	14	21	11	22	16	23	21	19	14
Brachyspira	133	184	168	138	209	167	101	29	11	5	9	17	21	41	256	30	25
Veillonella	21	13	4	26	15	18	39	18	15	18	18	23	12	10	22	20	24
Catenibacterium	166	215	199	255	28	272	18	274	20	23	8	37	10	91	12	36	23
Senegalemassilia	562	569	11	18	20	22	27	14	18	19	26	15	17	16	19	18	19
Campylobacter	148	198	26	12	14	45	38	41	42	20	45	26	20	14	17	15	15
Akkermansia	73	132	110	185	21	205	11	17	28	217	68	250	296	189	213	217	229
Dialister	229	276	28	17	22	19	25	13	23	27	19	20	23	19	25	22	21
Acidaminococcus	49	95	73	33	48	40	29	16	38	24	47	11	29	15	15	13	22
Helicobacter	316	354	338	372	106	87	50	37	49	30	53	58	15	25	37	14	8
				_	24												
T4likevirus	604	608	60/	611		616	14	614	606	614	614	619	619	613	608	615	613
Actinomyces	57	7_	7	27	25	28	43	25	24	31	29	25	26	20	35	16	26
Anaerostipes	96	155	133	40	37	17	23	49	19	48	16	136	30	53	49	53	32
Subdoligranulum	591	595	49	14	45	23	26	94	25	49	15	89	35	52	43	45	169
Odoribacter	447	470	463	67	29	81	17	35	67	57	25	54	36	33	36	43	41
Coprococcus	199	246	231	32	38	25	24	38	22	25	17	27	27	29	28	32	27
Enterococcus	19	69	19	34	97	52	65	100	9	14	43	67	52	42	30	44	48
Klebsiella	6	55	6	52	26	46	49	80	97	47	65	16	130	70	18	409	49
Atopobium	112	4	9	42	23	44	33	33	45	37	63	33	43	24	45	24	37
		344	33	35	66				17	15	42	39	22	27	29		44
Haemophilus	306					382	83	20								31	
Corynebacterium	5	8	232	61	49	50	141	58	43	43	81	43	40	31	48	37	38
Peptoclostridium	24	34	17	16	47	41	34	40	37	38	22	49	32	57	40	59	31
Olsenella	450	473	20	24	34	36	70	24	47	33	114	21	31	30	39	23	29
Rothia	543	9	8	560	30	47	71	60	34	35	58	35	41	38	31	42	54
Megamonas	378	411	399	20	32	24	36	19	418	62	57	44	67	106	436	81	79
Fusobacterium	282	99	308	28	35	362	22	362	29	372	87	90	220	126	364	191	374
Desulfovibrio	228	275	259	43	33	110	20	69	64	158	74	94	95	309	117	330	98
Bilophila	128	181	163	11	62	242	54	246	212	254	248	220	326	227	250	254	268
Gordonibacter	300	41	41	22	42	34	58	31	30	46	67	29	37	32	32	35	28
	12	5	74	134	432	461	466	459		458	454	186	231	445	452		168
Micrococcus					208	132	278		436						255	458	
Brachybacterium	132	6	167	127				72	217	102	253	292	330	80		259	66
	~	S	ŝ	8	,e	4	4	*	8	40	77	\$	3	25	97	\$	8
	S	S	S	0	50,00	\$	5	Q SS	0	\sim	\sim	\rightarrow	\sim	\sim	\sim	\sim	\sim

Rank Stability Index (in %)