

IBS_h_A_amplicons_family_TAIL: elm correlation matrix

elm1:Alcaligenaceae	1.00	0.27	-0.01	0.03	-0.15	0.04	-0.04	0.04	0.08	0.38	0.08	0.39	0.07	-0.13	0.46
elm2:Leuconostocaceae	0.27	1.00	0.09	-0.04	0.12	0.10	0.01	0.13	0.00	0.04	-0.02	-0.08	-0.16	0.06	-0.11
elm3:uc_Betaproteobacteria	-0.01	0.09	1.00	-0.14	-0.09	-0.00	-0.08	0.16	-0.12	-0.09	-0.12	-0.12	-0.07	-0.10	-0.10
elm4:Erysipelotrichaceae	0.03	-0.04	-0.14	1.00	0.17	-0.14	-0.09	-0.01	0.19	-0.09	-0.11	-0.06	0.12	0.02	0.10
elm5:Clostridiales_incertae_sedis_XIII	-0.15	0.12	-0.09	0.17	1.00	-0.06	-0.08	-0.15	-0.17	-0.07	-0.16	-0.14	-0.12	-0.08	-0.08
elm6:Synergistaceae	0.04	0.10	-0.00	-0.14	-0.06	1.00	-0.08	-0.10	-0.11	0.21	-0.04	0.12	-0.11	-0.07	-0.07
elm7:Moraxellaceae	-0.04	0.01	-0.08	-0.09	-0.08	-0.08	1.00	-0.07	-0.10	-0.04	-0.10	-0.02	-0.07	-0.05	-0.05
elm8:Coriobacteriaceae	0.04	0.13	0.16	-0.01	-0.15	-0.10	-0.07	1.00	0.08	-0.10	-0.05	-0.11	-0.09	0.18	0.38
elm9:Desulfovibrionaceae	0.08	0.00	-0.12	0.19	-0.17	-0.11	-0.10	0.08	1.00	-0.11	0.04	-0.12	0.31	0.49	-0.07
elm10:Enterobacteriaceae	0.38	0.04	-0.09	-0.09	-0.07	0.21	-0.04	-0.10	-0.11	1.00	-0.11	0.64	-0.08	-0.05	-0.05
elm11:Victivallaceae	0.08	-0.02	-0.12	-0.11	-0.16	-0.04	-0.10	-0.05	0.04	-0.11	1.00	-0.12	-0.10	0.27	-0.07
elm12:Micrococcaceae	0.39	-0.08	-0.12	-0.06	-0.14	0.12	-0.02	-0.11	-0.12	0.64	-0.12	1.00	0.34	-0.06	-0.06
elm13:Bacillaceae	0.07	-0.16	-0.07	0.12	-0.12	-0.11	-0.07	-0.09	0.31	-0.08	-0.10	0.34	1.00	-0.05	-0.05
elm14:Comamonadaceae	-0.13	0.06	-0.10	0.02	-0.08	-0.07	-0.05	0.18	0.49	-0.05	0.27	-0.06	-0.05	1.00	-0.03
elm15:Lactobacillaceae	0.46	-0.11	-0.10	0.10	-0.08	-0.07	-0.05	0.38	-0.07	-0.05	-0.07	-0.06	-0.05	-0.03	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15