

kwashiorkor_gen_h_h95B: elm correlation matrix

elm1:Prevotella	1.00	0.81	-0.76	0.98	-0.83	0.99	-0.52	0.96	-0.04	-0.58	0.94	-0.91	0.12	-0.94	0.89
elm2:Bifidobacterium	0.81	1.00	-0.23	0.90	-0.34	0.72	-0.93	0.94	-0.62	-0.95	0.96	-0.50	0.68	-0.55	0.99
elm3:Lactobacillus	-0.76	-0.23	1.00	-0.63	0.99	-0.84	-0.16	-0.56	-0.62	-0.09	-0.49	0.96	0.55	0.94	-0.38
elm4:Faecalibacterium	0.98	0.90	-0.63	1.00	-0.72	0.95	-0.67	1.00	-0.22	-0.71	0.98	-0.83	0.30	-0.86	0.95
elm5:Streptococcus	-0.83	-0.34	0.99	-0.72	1.00	-0.90	-0.04	-0.65	-0.52	0.03	-0.58	0.99	0.45	0.97	-0.48
elm6:Roseburia	0.99	0.72	-0.84	0.95	-0.90	1.00	-0.40	0.92	0.09	-0.46	0.88	-0.96	-0.01	-0.98	0.82
elm7:Bacteroides	-0.52	-0.93	-0.16	-0.67	-0.04	-0.40	1.00	-0.73	0.87	1.00	-0.79	0.13	-0.91	0.20	-0.86
elm8:Blautia	0.96	0.94	-0.56	1.00	-0.65	0.92	-0.73	1.00	-0.31	-0.77	1.00	-0.77	0.38	-0.81	0.98
elm9:Ruminococcus	-0.04	-0.62	-0.62	-0.22	-0.52	0.09	0.87	-0.31	1.00	0.84	-0.39	-0.37	-1.00	-0.31	-0.50
elm10:Eubacterium	-0.58	-0.95	-0.09	-0.71	0.03	-0.46	1.00	-0.77	0.84	1.00	-0.83	0.20	-0.88	0.26	-0.89
elm11:Dorea	0.94	0.96	-0.49	0.98	-0.58	0.88	-0.79	1.00	-0.39	-0.83	1.00	-0.71	0.46	-0.76	0.99
elm12:Mitsuokella	-0.91	-0.50	0.96	-0.83	0.99	-0.96	0.13	-0.77	-0.37	0.20	-0.71	1.00	0.29	1.00	-0.62
elm13:Collinsella	0.12	0.68	0.55	0.30	0.45	-0.01	-0.91	0.38	-1.00	-0.88	0.46	0.29	1.00	0.23	0.57
elm14:Coprococcus	-0.94	-0.55	0.94	-0.86	0.97	-0.98	0.20	-0.81	-0.31	0.26	-0.76	1.00	0.23	1.00	-0.67
elm15:Clostridium	0.89	0.99	-0.38	0.95	-0.48	0.82	-0.86	0.98	-0.50	-0.89	0.99	-0.62	0.57	-0.67	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15