

diets_h_pl_3_pre: elm correlation matrix

elm1: *_Bacteroides	1.00	0.76	0.74	0.80	0.68	0.34	0.61	0.82	0.49	0.23	0.23	0.41	0.54	0.56	0.93
elm2: *_	0.76	1.00	0.90	0.83	0.16	0.74	0.86	0.26	0.50	0.76	0.75	0.70	0.75	0.09	0.82
elm3: *_Faecalibacterium	0.74	0.90	1.00	0.98	0.43	0.89	0.99	0.34	0.83	0.79	0.80	0.91	0.96	0.43	0.91
elm4: *_	0.80	0.83	0.98	1.00	0.61	0.81	0.94	0.50	0.88	0.66	0.67	0.87	0.94	0.60	0.96
elm5: *_Sutterella	0.68	0.16	0.43	0.61	1.00	0.10	0.33	0.90	0.65	-0.17	-0.15	0.29	0.41	0.98	0.69
elm6: *_	0.34	0.74	0.89	0.81	0.10	1.00	0.95	-0.11	0.79	0.96	0.96	0.98	0.95	0.18	0.63
elm7: *_	0.61	0.86	0.99	0.94	0.33	0.95	1.00	0.19	0.85	0.87	0.87	0.96	0.98	0.36	0.84
elm8: *_Ruminococcus	0.82	0.26	0.34	0.50	0.90	-0.11	0.19	1.00	0.36	-0.30	-0.30	0.05	0.19	0.79	0.69
elm9: *_Blautia	0.49	0.50	0.83	0.88	0.65	0.79	0.85	0.36	1.00	0.58	0.60	0.90	0.92	0.74	0.76
elm10: *_Dialister	0.23	0.76	0.79	0.66	-0.17	0.96	0.87	-0.30	0.58	1.00	1.00	0.88	0.83	-0.11	0.48
elm11: *_Desulfovibrio	0.23	0.75	0.80	0.67	-0.15	0.96	0.87	-0.30	0.60	1.00	1.00	0.89	0.84	-0.08	0.48
elm12: *_Parabacteroides	0.41	0.70	0.91	0.87	0.29	0.98	0.96	0.05	0.90	0.88	0.89	1.00	0.99	0.38	0.70
elm13: *_Coprococcus	0.54	0.75	0.96	0.94	0.41	0.95	0.98	0.19	0.92	0.83	0.84	0.99	1.00	0.47	0.80
elm14: *_Lachnospira	0.56	0.09	0.43	0.60	0.98	0.18	0.36	0.79	0.74	-0.11	-0.08	0.38	0.47	1.00	0.64
elm15: *_Lachnospiraceae;Other	0.93	0.82	0.91	0.96	0.69	0.63	0.84	0.69	0.76	0.48	0.48	0.70	0.80	0.64	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15