

LEA_obeso_a: elm correlation matrix

elm1: *_Lachnospiraceae;Other	1.00	0.10	0.87	0.74	0.90	0.92	0.55	-0.14	0.10	0.73	0.76	0.25	0.47	-0.28	-0.17
elm2: *_Bacteroides	0.10	1.00	0.07	0.34	0.26	0.40	0.38	0.56	0.92	0.12	0.03	0.19	0.52	0.90	0.90
elm3: *_Blautia	0.87	0.07	1.00	0.33	0.96	0.68	0.83	-0.13	0.25	0.96	0.98	-0.15	0.74	-0.27	0.00
elm4: *_Faecalibacterium	0.74	0.34	0.33	1.00	0.46	0.91	0.07	0.09	0.10	0.15	0.16	0.63	0.06	0.07	-0.09
elm5: *_	0.90	0.26	0.96	0.46	1.00	0.77	0.80	-0.01	0.39	0.91	0.91	0.02	0.79	-0.10	0.14
elm6: *_	0.92	0.40	0.68	0.91	0.77	1.00	0.47	0.10	0.30	0.55	0.55	0.38	0.43	0.05	0.05
elm7: *_Veillonellaceae;Other	0.55	0.38	0.83	0.07	0.80	0.47	1.00	0.27	0.61	0.93	0.87	-0.50	0.91	0.17	0.44
elm8: *_Ruminococcaceae;Other	-0.14	0.56	-0.13	0.09	-0.01	0.10	0.27	1.00	0.62	0.04	-0.17	-0.33	0.41	0.75	0.63
elm9: *_Parabacteroides	0.10	0.92	0.25	0.10	0.39	0.30	0.61	0.62	1.00	0.37	0.24	-0.11	0.77	0.85	0.96
elm10: *_Collinsella	0.73	0.12	0.96	0.15	0.91	0.55	0.93	0.04	0.37	1.00	0.98	-0.38	0.84	-0.15	0.15
elm11: *_Streptococcus	0.76	0.03	0.98	0.16	0.91	0.55	0.87	-0.17	0.24	0.98	1.00	-0.30	0.74	-0.28	0.02
elm12: *_Dorea	0.25	0.19	-0.15	0.63	0.02	0.38	-0.50	-0.33	-0.11	-0.38	-0.30	1.00	-0.35	-0.01	-0.15
elm13: *_	0.47	0.52	0.74	0.06	0.79	0.43	0.91	0.41	0.77	0.84	0.74	-0.35	1.00	0.34	0.62
elm14: *_Sutterella	-0.28	0.90	-0.27	0.07	-0.10	0.05	0.17	0.75	0.85	-0.15	-0.28	-0.01	0.34	1.00	0.92
elm15: *_Acidaminococcus	-0.17	0.90	0.00	-0.09	0.14	0.05	0.44	0.63	0.96	0.15	0.02	-0.15	0.62	0.92	1.00
	elm1	elm2	elm3	elm4	elm5	elm6	elm7	elm8	elm9	elm10	elm11	elm12	elm13	elm14	elm15