

NW_na_mao

Algoritmo Needleman-Wunsch para alinhamento de sequências, utilizando a matriz BLOSUM62.

Argumentos

- -e ou -entrada = Entrada de arquivo FASTA com duas sequencias. Requerido para execução
- -s ou -saida =Arquivo de Saída de Dados, Requerido para execução

Exemplo de Uso

```
python3 nw_na_mao.py -e corona.fasta -s saida.log
```

Configurações

O algoritmo permite a configuração em seu código fonte (linhas 5 a 9) da pontuação a ser utilizada em match, mismatch e gaps. Por padrão o código é apresentado configurado para utilizar a matriz BLOSUM62 (linha 65 a 69), ignorando os valores de MATCH e MISMATCH informados.

```
# Config Pontuacao
MATCH   = 1; # +1 para match (ou BLOSUM62)
MISMATCH = -1; # -1 para mismatch (ou BLOSUM62)
GAP     = 0; # penalidade de criacao de gap
GAP2    = 0; # penalidade de extensao de gap
```