# dl

2L:

```
mel  MF PNQNNGA APGQGPAVDGQQSL NYNGL PAQQQQQL AQSTKNVRKKPYVK      50
sim  MF PSQNNGGAPGQGPAA DGQQSL NYNGL PAQQQQQL AQSTKNVRKKPYVK      50

mel  I TEQPAGKAL RF RYECEGRSAGSI PGVNSTPENKTYPTI EI VGYKGRAVV     100
sim  I TEQPAGKAL RF RYECEGRSAGSI PGVNSTPENKTYPTI EI VGYKGRAVV     100
RHD

mel  VVSCVTKDTPYRPHPHNL VGKEGCKKGVCTL EI NSETMRAVF SNL GI QCV     150
sim  VVSCVTKDTPYRPHPHNL VGKEGCKKGVCTL EI NSETMRAVF SNL GI QCV     150

mel  KKKDI EAAL KAREEI RVDPF KTGF SHRF QPSSI DL NSVRL CF QVF MESEQ  200
sim  KKKDI EAAL KAREEI RVDPF KTGF SHRF QPSSI DL NSVRL CF QVF MESEQ  200

mel  KGRF TSPL PPVVSEPI F DKKAMSDL VI CRL CSCSATVF GNTQI I LL CEKV  250
sim  KGRF TSPL PPVVSEPI F DKKAMSDL VI CRL CSCSATVF GNTQI I LL CEKV  250

mel  AKEDI SVRF F EEKNGQSVWEAF GDF QHTDVHKQTAI TF KTPRYHTL DI TE  300
sim  AKEDI SVRF F EEKNGQSVWEAF GDF QHTDVHKQTAI TF KTPRYHTL EI TE  300

mel  PAKVF I QL RRPSDGVTSEAL PF EYVPMDSGKHTF WNL HRHL KRKPDEDL F  350
sim  PAKVF I QL RRPSDGVTSEAL PF EYVPMDSD- - - - - - - PAHL RRK- - - - - -  337

mel  QQI L RL DAKREVQPPTI EVI DL DTPKI DVQREI PSEMEF NHEESQQSEPA  400
sim  - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - -  337

mel  L EQEQSVQQEQYTQEQSL QQEQYTQEQSL QQEQYL QQL EQQQSF QL EEPM  450
sim  - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - -  337
```

# dl

2L:

| | | |
|---|---|---|
| mel | QQDQELPAQQSFDQAIDHLPDHTSDHIPEDMEAADAHAEAEAHRLRSEQE | 500 |
| sim | - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - | 337 |

| | | |
|---|---|---|
| mel | KEIDTIIDEKVRELEQLDLGQQLEPRPLTANDKITEWMKSSEIEQQVHEP | 550 |
| sim | - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - | 337 |

| | | |
|---|---|---|
| mel | SPTAEADVLDSALEISKADKTLDELLETVAELDEIYTDFKVQRDTYKNTI | 600 |
| sim | - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - | 337 |

| | | |
|---|---|---|
| mel | QNELAGLQGRAPLQVEDSFDDAATYTSLQIAFKNPVLIPMDDIMPPTPPM | 650 |
| sim | - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - | 337 |

| | | |
|---|---|---|
| mel | SQCAPEDAHQHYDPVEVNSQARKPETPMRPVPPVPPAILTIQYPPEEDKL | 700 |
| sim | - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - | 337 |

| | | |
|---|---|---|
| mel | PPLPPKRIRKQDSNAENRSIEANTVQTKPSTGESPLNKRLPPAPKNPNFN | 750 |
| sim | - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - | 337 |

| | | |
|---|---|---|
| mel | TLPRQKKPGFFSKLFSRRKSKPDLAQGQENSSILDSKANSREPSIGHFNM | 800 |
| sim | - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - | 337 |

| | | |
|---|---|---|
| mel | QDPMRASLRSSKSAAPFISNPAPAKSSPVKAKKPGSKLTKPVGRSVSSVS | 850 |
| sim | - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - | 337 |

| | | |
|---|---|---|
| mel | GKRPAYLNADVVHIPLKGDSVNSLPQQQRTEGYSQSSTISVGAGLDRRTA | 900 |
| sim | - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - | 337 |

# dl

2L:

mel    SALQLADIPISEGGMELVAIADRQSLHNLVSSIEGHFNVQLDPNLDLTEA    950
sim    - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - -    337

mel    EHFALYTSIPPLAAASEFDETSAYYAPVDAGEILTPDEVAKRLAAANGI    999
sim    - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - -    337