# Trabalho06

## higor lucas de Araujo Freitas

2024-10-07

## Exercico livro 1

### **English**

A large body of evidence shows that soy has health benefits for most people. Some of these benefits come largely from isoflavones, plant compounds that have estrogen-like properties. The amount of isoflavones varies widely depending on the type of food processing. A consumer group purchased various soy products and ran laboratory tests to determine the amount of isoflavones in each product. There were three major categories of soy products: cereals and snacks (1), energy bars (2), and veggie burgers (3). Five different products from each of the three categories were selected, and the amount of isoflavones (in mg) was determined for an adult serving of the product. The consumer group wanted to determine if the average amount of isoflavones was different for the three sources of soy products. The data are given in Table 8.7. Use these data to test the research hypothesis of a difference in the mean isoflavone levels for the three categories. Use a 0.05.

Source of Soy	1	soflavo	ne Cont	ent (mş	g)	Sample Sizes	Sample Means	Sample Variances	
1	3	17	12	10	4	5	9.20	33.7000	
2	19	10	9	7	5	5	10.00	29.0000	
3	25	15	12	9	8	5	13.80	46.7000	
Overall						15	11.00		

Figure 1: table-with-data

The null and alternative hypotheses for this example are

H0: All samples are the same Ha: At least one of the three population means is different from the rest

### Português

Um grande conjunto de evidências mostra que a soja traz benefícios à saúde da maioria das pessoas. Alguns desses benefícios vêm em grande parte das isoflavonas, compostos vegetais que têm propriedades semelhantes ao estrogênio. A quantidade de isoflavonas varia amplamente dependendo o tipo de processamento de alimentos. Um grupo de consumidores comprou vários produtos de soja e realizou testes laboratoriais para

determinar a quantidade de isoflavonas em cada produto. Havia três categorias principais de produtos de soja: cereais e snacks (1), produtos energéticos barras (2) e hambúrgueres vegetarianos (3). Cinco produtos diferentes de cada um dos três categorias foram selecionadas e a quantidade de isoflavonas (em mg) foi determinada para uma porção adulta do produto. O grupo de consumidores queria determinar se o a quantidade média de isoflavonas foi diferente para as três fontes de produtos de soja. Os dados são apresentados na Tabela 8.7. Use esses dados para testar a hipótese de pesquisa de uma diferença nos níveis médios de isoflavonas para as três categorias. Use um 0.05

```
# Criando a base para executar os test
cereals_and_snacks <- c(3,17,12,10,4)
energy_bars <- c(19,10,9,7,5)
veggie_burgers <- c(25,15,12,9,8)

# Combinar os dados em um data frame
dados <- data.frame(
   Altura = c(cereals_and_snacks, energy_bars, veggie_burgers),
   Semente = factor(rep(c("A", "B", "C"), each = 5))
)

# Realizar o teste ANOVA
resultado_anova <- aov(Altura ~ Semente, data = dados)
summary(resultado_anova)</pre>
```

```
## Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
## Semente 2 60.4 30.20 0.828 0.46
## Residuals 12 437.6 36.47
```

## Df (Graus de liberdade):

#### Semente: 2.

Este valor é o número de grupos (tipos de sementes) menos um. Como há três tipos de sementes, os graus de liberdade são 3 - 1 = 2.

#### Residuals: 95.

Os graus de liberdade residuais são calculados subtraindo o número total de grupos do tamanho total da amostra. Se cada grupo tem 5 observações, então a amostra total é 15. Assim, os graus de liberdade residuais são 15 - 3 = 12.

### Sum Sq (Soma dos Quadrados):

#### Semente: 60.4

Este valor representa a soma dos quadrados entre os grupos. Ele mede a variação total entre as médias dos diferentes tipos de sementes.

#### Residuals: 437.6.

Este valor representa a soma dos quadrados dentro dos grupos, que mede a variação dentro de cada tipo de semente.

## Mean Sq (Média dos Quadrados):

Semente: 30.20.

É a soma dos quadrados entre os grupos dividida pelos respectivos graus de liberdade (60.4 / 2).

Residuals: 36.47.

É a soma dos quadrados dentro dos grupos dividida pelos respectivos graus de liberdade (36.47/12).

F value (Valor F): 0.828.

Este é o resultado da divisão da média dos quadrados entre os grupos pela média dos quadrados dentro dos grupos (30.20 / 36.47). O valor F é usado para determinar a significância estatística das diferenças entre as médias dos grupos.

Pr(>F) (p-valor):

0.46

Este é o p-valor associado ao teste F. Ele indica a probabilidade de observar um valor F tão extremo quanto (ou mais extremo que) o observado, assumindo que a hipótese nula é verdadeira Neste caso, o p-valor é maior, ficando em um nível de significância convencional de 0.05.

Interpretação: Como o valor-p é maior que 0.05, você não rejeita a hipótese nula (H0), ou seja, não há diferença significativa nas médias de altura das plantas entre os tipos de sementes

Portanto, não é necessário realizar uma análise post-hoc como o teste de Tukey, já que a ANOVA não indicou uma diferença significativa.

### Exercico 2

A clinical psychologist wished to compare three methods for reducing hostility levels in university students and used a certain test (HLT) to measure the degree of hostility. A high score on the test indicated great hostility. The psychologist used 24 students who obtained high and nearly equal scores in the experiment. Eight were selected at random from among the 24 problem cases and were treated with method 1. Seven of the remaining 16 students were selected at random and treated with method 2. The remaining nine students were treated with method 3. All treatments were continued for a one-semester period. Each student was given the HLT test at the end of the semester, with the results shown in Table 8.9. Use these data to perform an analysis of variance to determine whether there are differences among mean scores for the three methods. Use alfa = .05

#### **Portugues**

Um psicólogo clínico desejava comparar três métodos para reduzir a hostilidade níveis em estudantes universitários e usou um determinado teste (HLT) para medir o grau de hostilidade. Uma pontuação alta no teste indicava grande hostilidade. A psicóloga usou 24 alunos que obtiveram pontuações altas e quase iguais no experimento. Oito foram selecionados aleatoriamente entre os 24 casos problemáticos e foram tratados com método 1. Sete dos 16 alunos restantes foram selecionados aleatoriamente e tratados com o método 2. Os nove alunos restantes foram tratados com o método 3. Todos os tratamentos continuaram por um período de um semestre. Cada aluno recebeu o HLT teste no final do semestre, com resultados apresentados

Method	Test Scores									Mean	Standard Deviation	Sample Size
1	96	79	91	85	83	91	82	87		86.750	5.625	8
2	77	76	74	73	78	71	80			75.571	3.101	7
3	66	73	69	66	77	73	71	70	74	71.000	3.674	9

Figure 2: table\_with\_dataset

na Tabela 8.9. Use estes dados para realizar uma análise de variância para determinar se existem diferenças entre as pontuações médias dos três métodos. Usar alfa = .05

```
student_A \leftarrow c(96,79,91,85,83,91,82,87)
student_B \leftarrow c(77,76,74,73,78,71,80)
student_C \leftarrow c(66,73,69,66,77,73,71,70,74)
# Combinar os dados em um data frame
dados <- data.frame(</pre>
 Student = c(student A, student B, student C),
 Method = factor(rep(c("A", "B", "C"), each = 8))
)
# Realizar o teste ANOVA
resultado_anova <- aov(Student ~ Method, data = dados)
summary(resultado_anova)
##
               Df Sum Sq Mean Sq F value
                                             Pr(>F)
## Method
                2 1038.6
                            519.3
                                    24.83 2.93e-06 ***
               21 439.3
## Residuals
                             20.9
## Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
# Realizar o teste post-hoc de Tukey se necessário
if (summary(resultado_anova)[[1]][["Pr(>F)"]][[1]] < 0.05) {</pre>
  tukey_res <- TukeyHSD(resultado_anova)</pre>
  print(tukey_res)
}
##
     Tukey multiple comparisons of means
##
       95% family-wise confidence level
##
## Fit: aov(formula = Student ~ Method, data = dados)
##
## $Method
##
          diff
                       lwr
                                          p adj
                                 upr
## B-A -12.375 -18.138882 -6.611118 0.0000654
## C-A -15.125 -20.888882 -9.361118 0.0000044
## C-B -2.750 -8.513882 3.013882 0.4647497
```

#### Interpretação

Os resultados do teste de Tukey mostram que há diferenças significativas nas notas média dos alunos entre várias notas. Apenas a comparação entre os tipos de sementes B e C não mostrou uma diferença estatisticamente significativa (p ajustado maior que 0.05).

A comparação entre os métodos A e B e A e C mostra diferenças significativas, enquanto a comparação entre B e C não apresenta diferença estatisticamente significativa.

### **Including Plots**

### Exercico 3

Because many HMOs either do not cover mental health costs or provide only minimal coverage, ministers and priests often need to provide counseling to persons suffering from mental illness. An interdenominational organization wanted to determine whether the clerics from different religions have different levels of awareness with respect to the causes of mental illness. Three random samples were drawn, one containing 10 Methodist ministers, a second containing 10 Catholic priests, and a third containing 10 Pentecostal ministers. Each of the 30 clerics was then examined, using a standard written test, to measure his or her knowledge about causes of mental illness. The test scores are listed in Table 8.12. Does there appear to be a significant difference in the mean test scores for the three religions?

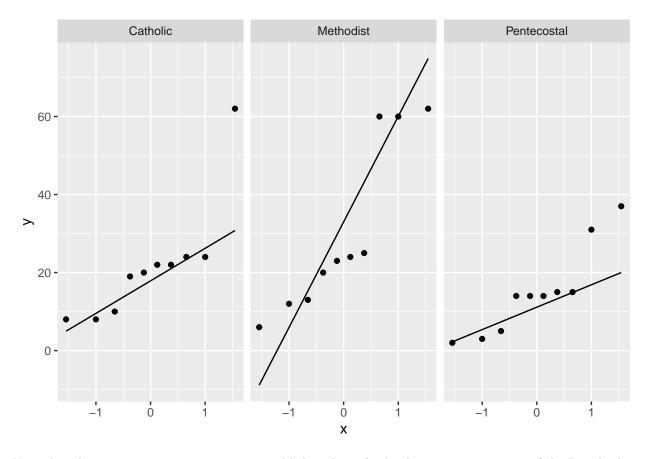
Ha: At least one of the three groups of clerics differs from the others with respect to knowledge about causes of mental illness.

H0: There is no difference among the three groups with respect to knowledge about the causes of mental illness (i.e., the samples of scores were drawn from identical populations).

```
## Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
## tratamento 2 1206 603 2.161 0.135
## Residuals 27 7533 279

# Aplicar teste de Kruskal-Wallis
kruskal_result <- kruskal.test(cleric ~ tratamento)
kruskal_result</pre>
```

```
##
## Kruskal-Wallis rank sum test
##
## data: cleric by tratamento
## Kruskal-Wallis chi-squared = 3.311, df = 2, p-value = 0.191
dataCleric <- data.frame(cleric, tratamento)</pre>
# Testando a normalidade para cada grupo
for (nivel in unique(dataCleric$tratamento)) {
  group_cleric <- dataCleric$cleric[dataCleric$tratamento == nivel]</pre>
  shapiro_result <- shapiro.test(group_cleric)</pre>
  cat("Resultados do teste de Shapiro-Wilk para o grupo", nivel, ":\n")
  print(shapiro_result)
  cat("\n") # Adiciona espaço entre os resultados para clareza
}
## Resultados do teste de Shapiro-Wilk para o grupo Methodist :
##
   Shapiro-Wilk normality test
##
##
## data: group_cleric
## W = 0.81494, p-value = 0.02201
##
##
## Resultados do teste de Shapiro-Wilk para o grupo Catholic :
##
   Shapiro-Wilk normality test
##
##
## data: group_cleric
## W = 0.73048, p-value = 0.002065
##
##
## Resultados do teste de Shapiro-Wilk para o grupo Pentecostal :
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: group_cleric
## W = 0.86148, p-value = 0.07944
ggplot(dataCleric, aes(sample = cleric)) +
  facet_wrap(~ tratamento) +
  stat_qq() +
  stat_qq_line()
```



Note that the  $\mbox{echo}$  = FALSE parameter was added to the code chunk to prevent printing of the R code that generated the plot.