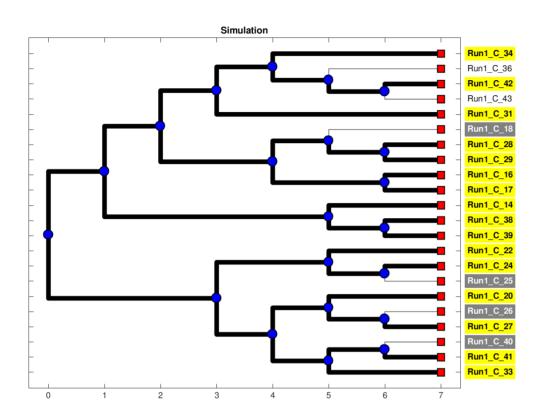
## Example 01 (config.json)

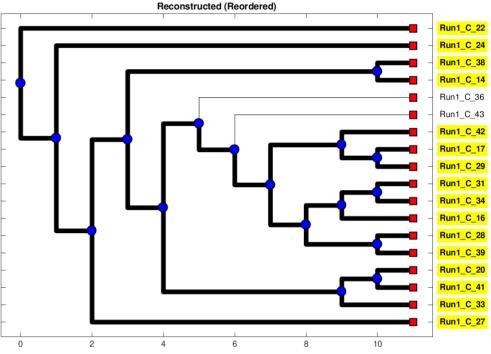
## **Parameters**

Mutation: True
Allelic Dropouts: True
Noises: True
Early Stop Population: 0

## **Mutation Table**

names	C_14	C_16	C_17	C_18	C_20	C_22	C_24	C_25	C_26	C_27	C_28	C_29	C_31	C_33	C_34	C_36	C_38	C_39	C_40	C_41	C_42	C_43	root
LOC_1	NaN	19	19	NaN	21	19	19	NaN	NaN	NaN	NaN	19	19	20	19	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	19	20	19
LOC_2	NaN	25	21	NaN	22	NaN	20	NaN	NaN	NaN	NaN	21	NaN	21	24	NaN	23	NaN	NaN	22	24	NaN	20
LOC_3	8	8	8	NaN	7	NaN	7	NaN	NaN	NaN	8	8	8	7	8	8	NaN	8	NaN	7	8	8	7
LOC_4	NaN	7	7	NaN	7	7	7	NaN	NaN	7	NaN	NaN	NaN	7	7	7	NaN	7	NaN	7	7	NaN	7
LOC_5	7	7	9	NaN	7	7	7	NaN	NaN	NaN	7	NaN	7	7	7	NaN	NaN	7	NaN	7	8	NaN	7
LOC_6	18	NaN	21	NaN	16																		
LOC_7	NaN	NaN	13	NaN	15	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	13	13	14	14	14	15	NaN	13	NaN	14	NaN	NaN	13
LOC_8	20	19	19	NaN	NaN	22	NaN	NaN	NaN	21	19	19	19	NaN	NaN	19	20	NaN	NaN	22	NaN	NaN	22
LOC_9	14	NaN	15	14	15	15	15	NaN	NaN	15	NaN	15	14	NaN	15								
LOC_10	NaN	17																					





RefTree_taxa	22.0	Triples	332.0
Tree_taxa	18.0	Triples_toYuleAvg	0.6073
Common_taxa	18.0	Triples_toUnifAvg	0.6114
MatchingCluster	49.0	MatchingPair	83.0
MatchingCluster_toYuleAvg	0.6897	MatchingPair_toYuleAvg	0.7802
MatchingCluster_toUnifAvg	0.6093	MatchingPair_toUnifAvg	0.798
R-F_Cluster	13.5	MAST	11.0
R-F_Cluster_toYuleAvg	0.8552	MAST_toYuleAvg	0.9372
R-F_Cluster_toUnifAvg	0.8531	MAST_toUnifAvg	0.9347
NodalSplitted	34.4819	CopheneticL2Metric	21.6102
NodalSplitted_toYuleAvg	0.6936	CopheneticL2Metric_toYuleAvg	0.5508
NodalSplitted_toUnifAvg	0.5689	CopheneticL2Metric_toUnifAvg	0.4781

9.1%