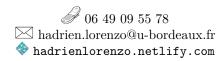
Hadrien Lorenzo

108 rue des Terres de Borde 33800 Bordeaux, France





Cursus universitaire

- 2008 : BAC S, mention très bien. Lycée Guillaume Apollinaire, Nice.
- 2008 2011 : Étudiant en classes préparatoires, filière PSI. Lycée Masséna, Nice.
- 2015 :
 - Diplôme ingénieur Centrale Supélec, majeure MATIS (Mathématiques Appliquées au Traitement de l'Information et du Signal), Gif-sur-Yvette.
 - Master de recherche de l'université Paris-Sud, ATSI (Automatique et Traitement du Signal et des Images), Orsay.
- 2019 : Doctorat de l'université de Bordeaux, Biostatistique.

Collaborations

- International AIDS Vaccine Initiative, Londres, Royaume-Uni : Jonathan Hare.
- University Medical Center Hamburg-Eppendorf, 1st Department of Medicine, 20246, Hambourg, Allemagne: Anne Rechtien.
- Equipe SISTM, INSERM U1219, INRIA BSO, Bordeaux, France : Laura Richert, Solenne Delahaye, Henri Bonnabau et Boris Hejblum.
- Equipe Vintage, INSERM U1219, Bordeaux, France : Misbah Razzaq, Felipe Leal Valentim et David-Alexandre Trégouët.
- Equipe Biomarqueurs, INRA, Bordeaux, France: Marie-Pierre Ellies.

Articles publiés

- RECHTIEN, A.*, L. RICHERT*, H. LORENZO, ..., R. THIÉBAUT, M. ALTFLED, M. ADDO. 2017, « Systems Vaccinology Identifies an Early Innate Immune Signature as a Correlate of Antibody Responses to the Ebola Vaccine rVSV-ZEBOV », Cell reports, vol. 20, n°9, p. 2251−2261.,

 €
- LORENZO, H., R. MISBAH, J. ODEBER, P.-E. MORANGE, J. SARACCO, D.-A. TRÉGOÜET ET R. THIÉBAUT. 2019, « High-dimensional multi-block analysis of factors associated with thrombin generation potential », 2019 IEEE 32nd International Symposium on Computer-Based Medical Systems (CBMS), IEEE, p. 453–458,
- LORENZO, H.*, ELLIES-OURY, M.-P.*, C. DENOYELLE, J. SARACCO ET B. PICARD. 2019, « An original methodology for the selection of biomarkers of tenderness in five different muscles », Foods, vol. 8, n°6, p. 206, €

^{*.} Même contribution des auteurs.

Articles soumis

- LORENZO, H., J. SARACCO ET R. THIÉBAUT. 2019, « Supervised learning for multi-block incomplete data », arXiv preprint arXiv:1901.04380, €
- LORENZO, H., J. SARACCO ET R. THIÉBAUT. 2019, « ddsPLS : A Package to Deal with Multiblock Supervised Problems with Missing Samples in High Dimension »,

Communications orales dans un congrès international

- LORENZO, H., R. THIÉBAUT ET J. SARACCO. 2018, « Multi-block high-dimensional lasso penalized analysis with imputation of missing data applied to postgenomic data in an Ebola vaccine trial », Annual workshop on Statistical Methods for Post Genomic Data SMPGD 2018, Montpellier, France.
- LORENZO, H., J. SARACCO ET R. THIÉBAUT. 2019, « High-Dimensional Multi-Block Analysis of Factors Associated with Thrombin Generation Potential », 32nd IEEE CBMS International Symposium on Computer-Based Medical Systems CBMS2019, Cordoue, Espagne.

Communications orales dans un congrès national

— LORENZO, H., J. SARACCO ET R. THIÉBAUT. 2018, « Une PLS multivoie parcimonieuse avec observations manquantes pour données hétérogènes », Journées de Statistique 2018 - Société Française de Statistique (SFdS), EDF Lab Paris Saclay, France.

Communications affichées

- LORENZO, H., J. SARACCO ET R. THIÉBAUT. 2019, « Apprentissage supervisé pour données massives multi-blocs incomplètes », JED 2019 EDSP2, Bordeaux, France.
- Hare, J., C. Streatfield, J. Yates, W. Kilembe, S. Lakhi, H. Lorenzo, ... et J. Gilmour. 2016. « CD4 T-cell Counts More Closely Associate with the Cytokine Profiles Observed in Acutely Infected Volunteers than Viral Load or Replicative Capacity », AIDS research and human retroviruses (Vol. 32, pp. 170-170). 140 Huguenot street, 3rd fl, New Rochelle, NY 10801 USA: Mary Ann Liebert, Inc. □

Séminaires

- ENS de Lyon, L3, « Introduction à l'apprentissage statistiques », 21 janvier 2020, Sept Laux, France.
- Sanofi Pasteur, présentation des résultats de thèse, 20 janvier 2020, Lyon, France
- Séminaires de biostatistique, BPH U1219, Bordeaux, France.
- Séminaires de l'équipe SISTM, BPH U1219, Bordeaux, France.
- Séminaires des doctorants de l'ISPED, BPH U1219, Bordeaux, France.

Enseignements

- M2 Biostatistiques, ISPED, Bordeaux, France:
 - 2017-2018 : Cours et travaux dirigés : 26h.
 - 2018-2019 : Cours et travaux dirigés : 6h.
- Double cursus Ecole Santé-Sciences, équivalent M1, ISPED, Bordeaux, France:

- 2018-2019 : Cours et travaux dirigés : 24h.
- 3A ingénieur Biostatistiques, ENSAI, Rennes (Bruz), France:
 - 2018-2019 : Projet de génétique : 21h.
- École d'été de l'ISPED, Bordeaux, France :
 - 2017-2018 : Cours et travaux dirigés : 6h.
- DU BDSI (Big data et statistique pour l'ingénieur), ENSC, Bordeaux, France :
 - 2018-2019 : Cours et travaux dirigés : 11h.

Encadrements

- Valentin Kochegarov, stage de 3 mois, mai à juillet 2019.
 - \ll Etude des méthodes de l'analyse de l'expression différentielle des données de sequençage d'ARN à haut débit. \gg

Développements logiciels

- Package ddspls :
 - Version R stabilisée sur le CRAN et la vignette associée.
 - Version R en développement sur GitHub via

https://github.com/hlorenzo/ddsPLS.

— Version Python en développement sur GitHub via

https://github.com/hlorenzo/py_ddspls.

— Site informatique personnel (R blogdown) via

https://hadrienlorenzo.netlify.com/.