Regression_Practice_1

August 4, 2023

1 Bài thực hành 1

1.1 Vấn đề

Dư đoán khả năng tiến triển của bênh tiểu đường thông qua các chỉ số sinh lý của cơ thể.

1.2 Thông tin dữ liệu:

- Số lượng mẫu: 442 (thông tin từ 442 bệnh nhân)
- Số lượng thuộc tính: Thông tin các thuộc tính (10 cột giá trị đầu tiên): Age(tuổi), Sex (giới tính), Body mass index (chỉ số khối cơ thể), Average blood pressure(huyết ap trung bình), S1, S2, S3, S4, S5, S6 (sáu phép đo huyết thanh khác).
- Mục tiêu: Cột 11, chỉ số đánh giá mức độ tiến triển của bệnh 1 năm sau khi điều trị.

! Chú ý: Dữ liệu thông tin thuộc tính đã được chuẩn hoá

Xem thêm thông tin về nguồn dữ liêu tai: (https://www4.stat.ncsu.edu/~boos/var.select/diabetes.html)

2 Hướng giải quyết

Giả sử rằng khả năng tiến triển của bệnh tiểu đường (ký hiệu: y) là đại lượng phụ thuộc tuyến tính vào các thông tin sinh lý của bệnh nhân như các thuộc tính đã mô tả ở trên (tuổi, giới tính, chỉ số khối, ... - ký hiệu: x1, x2, ... x_n):

```
y = w0 + w1*x1 + w2*x2 + ... + w_n*x_n
```

Mục tiêu: Tìm được bộ trọng số [w0, w1, ... w_n] biểu diễn mối quan hệ này.

#Các bước tiến hành

2.1 Thư viện sử dụng

- matplotlib: phục vụ vẽ các đồ thị
- numpy: tính toán các phép biến đổi trên ma trân / vector
- math: thực hiện một số hàm tính toán
- pandas: phục vụ chuyển đổi trên dữ liệu dang bảng
- scikit-learn: (sklearn) thư viện hỗ trợ xây dựng các mô hình học máy, các hàm training và testing.

[]: !pip install pandas

```
[]: import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
import pandas as pd
import math

from sklearn import datasets, linear_model
from sklearn.metrics import mean_squared_error, r2_score
```

2.2 Đọc dữ liệu

Dữ liệu về bệnh tiểu đường được hỗ trợ bởi sklearn, đọc dữ liệu thông qua hàm datasets.load_diabetes()

Xem thêm các bộ dữ liệu khác tại https://scikit-learn.org/stable/datasets/index.html#toy-datasets. https://scikit-learn.org/stable/datasets/toy_dataset.html

Dữ liêu nhân về ở dang object với các thành phần thuộc tính:

- data: ma trận 2 chiều (442x10) các thông tin bệnh nhân được chuẩn hoá về dạng số thực.
- target: mảng các số thực (442,) chỉ số tiến triển của bệnh tiểu đường.

```
[]: # lay du lieu diabetes - du lieu ve benh tieu duong
    diabetes = datasets.load_diabetes()
    print("Số chiều dữ liệu input: ", diabetes.data.shape)
    print("Kiểu dữ liệu input: ", type(diabetes.data))
    print("Số chiều dữ liệu target: ", diabetes.target.shape)
    print("Kiểu dữ liệu target: ", type(diabetes.target))
    print()

print("5 mẫu dữ liệu đầu tiên:")
    print("input: ", diabetes.data[:5])
    print("target: ",diabetes.target[:5])
    #print("data[5,1]", diabetes.data[4,1])
```

Chia dữ liệu làm 2 phần training 362 mẫu và testing 80 mẫu

```
[]: # cat nho du lieu, lay 1 phan cho qua trinh thu nghiem,
# chia train test cac mau du lieu
# diabetes_X = diabetes.data[:, np.newaxis, 2]
diabetes_X = diabetes.data

diabetes_X_train = diabetes_X[:361]
diabetes_y_train = diabetes.target[:361]

diabetes_X_test = diabetes_X[362:]
diabetes_y_test = diabetes.target[362:]
```

2.3 Xây dựng mô hình Regression sử dụng Sklearn

Thử nghiệm xây dựng mô hình hồi quy (Linear Regression / Ridge Regression) để học được bộ tham số

- Linear Regression linear_model.LinearRegression()
- Ridge Regression linear_model.Ridge()

```
[]: # Xay dung model su dung sklearn
regr = linear_model.LinearRegression()
```

2.4 Training mô hình

Sử dụng Dữ liệu đã được chia ở bước trước đó để thực hiện training model.

=> Tìm được bộ trọng số [w0, w1, ... w_n]

```
[]: # Huấn luyện mô hình Linear Regression
    regr.fit(diabetes_X_train, diabetes_y_train)
    print("[w1, ... w_n] = ", regr.coef_)
    print("w0 = ", regr.intercept_)
```

2.5 Dự đoán các mẫu dữ liệu trong tập test

2.6 Đánh giá

Sử dụng độ đo RMSE tính căn bậc 2 của trung bình bình phương lỗi. $> \text{RMSE}(y, \hat{y}) = \sqrt{\frac{1}{n_{\text{samples}}} \sum_{i=0}^{n_{\text{samples}}-1} (y_i - \hat{y}_i)^2}$.

- Lỗi càng nhỏ càng thể hiện mô hình có khả năng học và dư đoán hiệu quả
- Như thế nào là nhỏ?

```
[]: # Giá trị RMSE của mô hình Linear Regression
math.sqrt(mean_squared_error(diabetes_y_test, diabetes_y_pred))
```

```
[]: | !pip install seaborn
```

2.6.1 Vẽ biểu đồ phân phối cho chỉ số thực tế

```
[]: import seaborn as sns
sns.distplot(diabetes_y_test)
pd.DataFrame(data=diabetes_y_test, columns=["values"]).describe()
```

2.6.2 Vẽ biểu đồ phân phối cho chỉ số dự đoán của mô hình linear regression

2.6.3 Vẽ biểu đồ so sánh kết quả dự đoán và thực tế

```
[]: import matplotlib.pyplot as plt

plt.figure(figsize=(12,8))

plt.plot(diabetes_y_test)
plt.plot(diabetes_y_pred)

plt.xlabel('Patients')

plt.ylabel('Index')

# function to show the plot
plt.show()
```