——— Data Mining——

Abalone Data

| 2017110505김나형 | | 2017110526유혜림 | | 2017110530홍제연 |

INDEX

1 분석 배경 및 목적

데이터 전처리 과정

- 1. 변수 단위 회귀
- 2. 비논리적 관측치 대체 및 제가
- 3. 변수 샘섬
- 4. 파생 변수 이상치 제가
- 5. 타깃 변수 범주화
- 6. 변수 선택 및 데이터 변환

3 모델링



분석 배경 및 목적

분석배경 및 목적 –



전복의 나이는 껍질의 윤문 수로 측정 But 과정이 복잡



대신, 길이와 무게로 전복의 성장 정도 추론 가능

분석 배경 및 목적

전복 양식사업이활발한 Tasmania 지역 1차 산업 수산부의 데이터를 이용



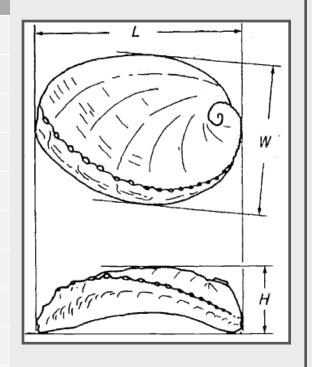
1. 분석목적

- 1. 전복의 성장 정도 예측
- 2. 전복양식사업의이익창출을위한인사이트도출

분석 배경 및 목적 _

2. 데이터 소개 구성: 4177행x9개변수

변수명	변수설명	단위
Sex	전복의 성별	
Length	전복 껍질에서 가장 긴 부분의 길이	mm
Diameter	전복 껍질에서 Length의 수직 방향의 길이	mm
Height	전복 껍질과 속살을 포함한 전복의 두메	mm
Whole weight	전복 전체의 무게	g
Shucked weight	내장을 제외한 전복 살의 무게	g
Viscera weight	피를 제거한 내장의 무게	g
Shell weight	물기를 제귀한 껍질의 무게	g
Rings	전복의 껍질에 나타난 윤문 수	

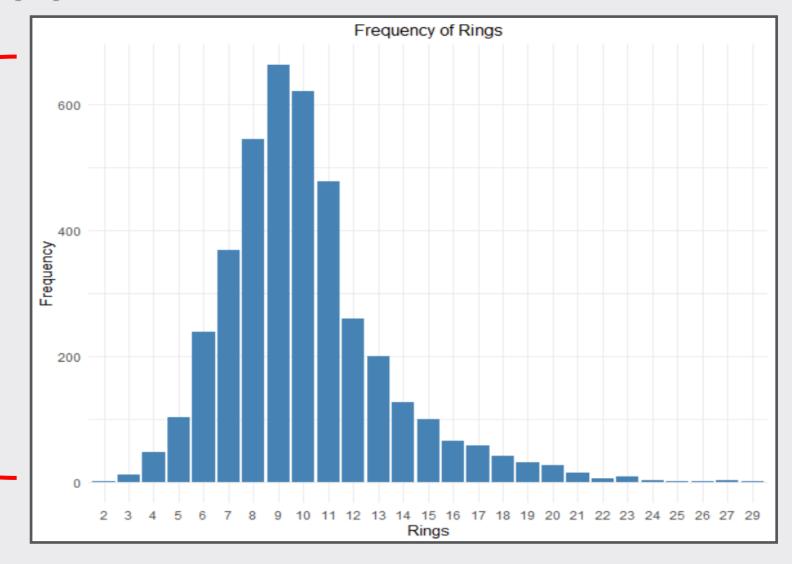




분석 배경 및 목적

2. 데이터 소개

윤문수에 따른 개체수의 <mark>불균형이 심함</mark>



2 데이터 전처리 —

1. 변수 단위 회귀

Length	Diameter		Viscera weight	Shell weight
0.455	0.365	•••	0.1010	0.150
0.350	0.265	•••	0.0485	0.070
0.625	0.485		0.2610	0.2960
0.710	0.555	•••	0.3765	0.4950



X 200

Length	Diameter		Viscera weight	Shell weight
91	73	•••	20.2	30
70	53	•••	9.7	14
125	97		52.2	59.2
142	111	•••	75.3	99.0

2. 비논리적 관측치 제 개

- 전복의 두메 (Height)가 0인 경우 (2개)

OBS	Sex	Height	Whole weight	 Shell weight	Rings
1258	I	0	25.3	 23.0	8
3997	I	0	26.8	 70.1	6



OBS	Sex	Height	Whole weight	 Shell weight	Rings
1258	I	23.208	25.3	 23.0	8

1258행 같은 성별, 같은 Rings LH 평균으로 대체

3997햄 삭제

전복의 전체 무게 < 전복의 껍질 무게 논리적 오류

2 데이터 전처리 -

2. 비논리적 관측치 제가

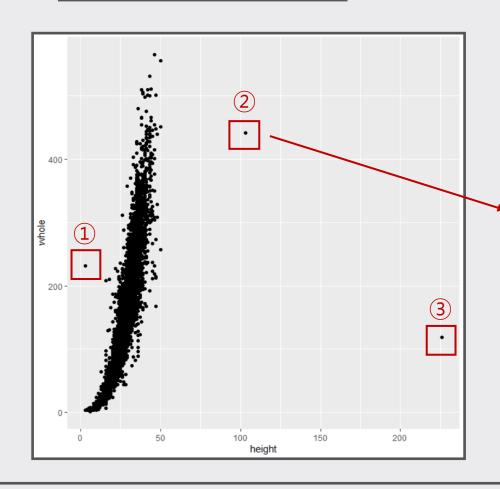
- 전복의 전체 무게 < 전복 살 무게 + 전복 내장 무게 + 전복 껍질 무게 인 경우 (159개)

OBS	Sex		Whole weight	Shucked Weight	Viscera weight	Shell weight	살 + 내장 +껍질 무게의 합
43	I	•••	14.0	6.3	4.7	4.0	15
44	I		8.4	5.1	3.0	2.4	10.5
4047	M		133.1	57.0	29.8	53.8	140.6
4144	F		271.8	128.4	65.1	81.0	274.5

159개 **행 삭제** 논리적 오류

2. 비논리적 관측치 제가

- 그래프상 이상치 (3개)



OBS	Sex	Length		Height	Whole weight	Shell weight
1175	F	127	•••	3	231.3	102.3
1418	M	141		103	442	221.5
2052	F	91	•••	226	118.8	66.4

- ① 1175행: 두께(height)만 극히 작은 값을 보임
- ② 1418행: 원래 큰 전복으로 보이지만 무게(weight)가 특히 더 큰 값을 보임
- ③ 2052행: 두께(height)만 극히큰 값을 보임

2. 비논리적 관측치 제거

- 그래프상 이상치 (3개)

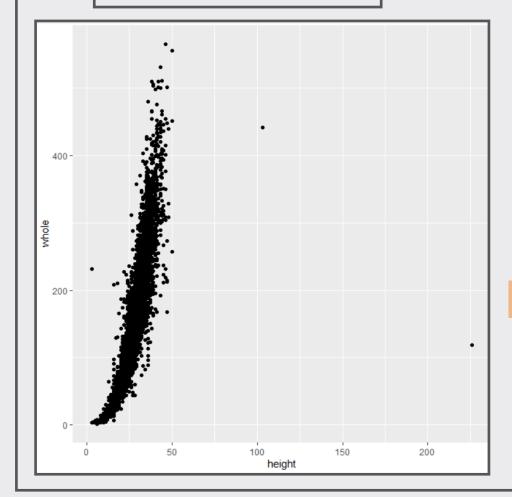
① 1175행: 성별이 점해진 전복 (Sex가 M,F임) 중 같은 rings 내 제 3사분위수 값으로 대체

②1418햄:제귀

③ 2052행: 성별이 정해진 전복 (Sex가 M,F임) 중 같은 rings 내 제 1사분위수 값으로 대체

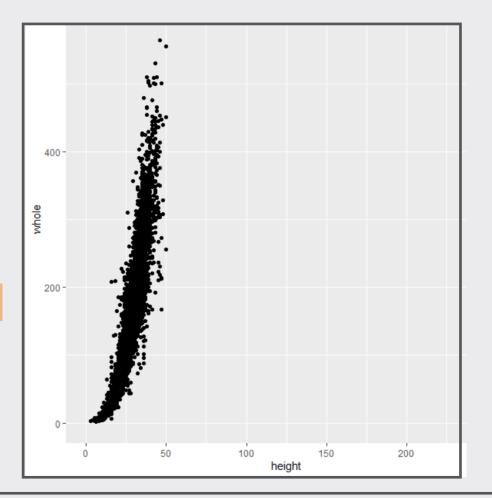
OBS	Sex	Length		Height	Whole weight	Shell weight
1175	F	127	•••	33	231.3	102.3
2052	F	91	•••	24	118.8	66.4

2. 비논리적 관측치 제가 - 그래프상 이상치 (3개)



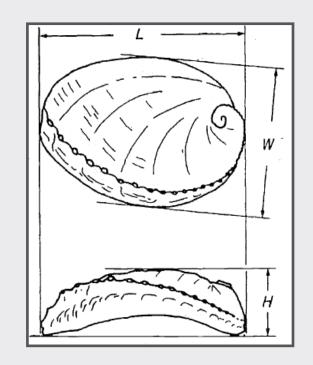


이상치 대체 확인



2. 비논리적 관측치제개

- Length < Diameter 인 경우 (1개)
- Length : 전복의 껍질에서 가장 긴 길이



OBS	Sex	Length	Diameter	
43	I	37	75	



0BS	Sex	Length	Diameter	
43		75	37	

두 변수 값 교체

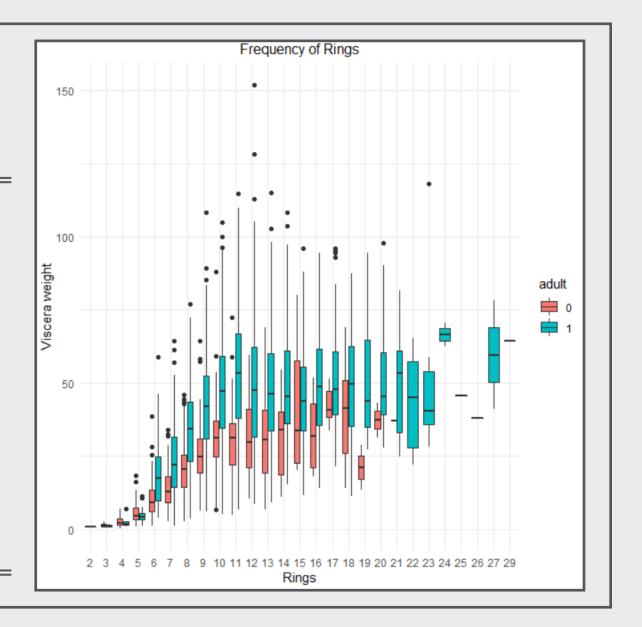
3. 변수 생성 | - Adult

Infant

- 실제로 어린 전복
- 나이가 많거나 크기가 큼에도 내장이 제대로 형성되지 않아 성별을 논할 수 없는 전복

Female, Male → Adult=1 Infant → Adult=0

→ 성별 결정 여부에 따라 내장의 무게를 비교해본 결과 치패의 내장 무게는 성별이 결정된 전복의 무게보다 덜 나가는 것을 확인



데이터 전처리 —

3. 변수 생성

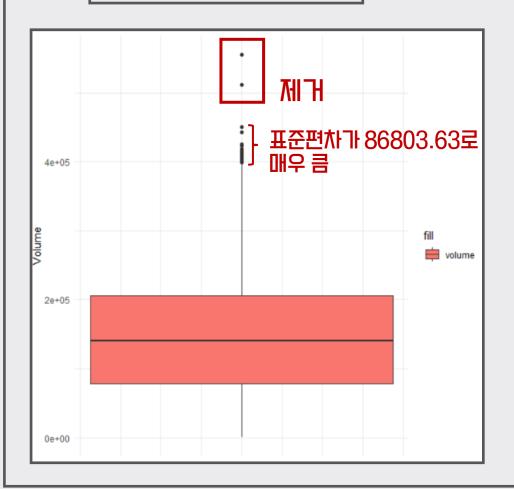
변수명	변수 설명	계산식
Adult	전복의 성숙 (성인 여부)	Female, Male → 1 / Infant → 0
Volume	전복의 부Ⅱ	$\frac{4}{3} \times \pi \times \frac{\text{length}}{2} \times \frac{\text{diameter}}{2} \times \frac{\text{height}}{2}$
Shell size	껍질의 크기 (껍질의 가장 긴 길이를 포함하는 단면)	$\pi \times \frac{\text{length}}{2} \times \frac{\text{diameter}}{2}$
Whole Unit	단위 부피당 전체 무게	Whole weight Volume
Shucked unit	단위 부피당 고기(살)의무게	Shucked weight Volume

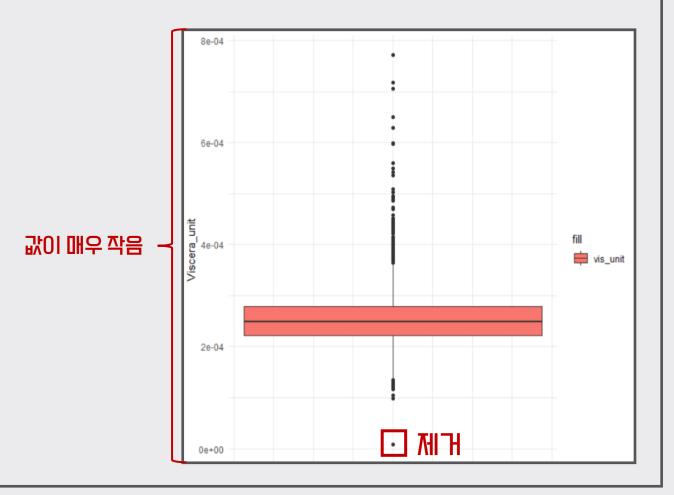
데이터 전처리 —

3. 변수 생성

변수명	변수 설명	계산식
Viscera Unit	단위 부피당 내장의 무게	Viscera weight Volume
Shell ratio	단위 면적 당 껍질의 무게	Shell weight Shell size
Weight ratio	전체 무게에서 내장과 살이 차지하는 비율	Shucked weight+Viscera weight Volume
Size growth	연 평균 껍질의 성장 정도	Shell size (rings+1.5)

4. 파생 변수 이상치제거 - 전복의 부II (Volume), 단위 부II 당 내장 무게 (Viscera_unit)





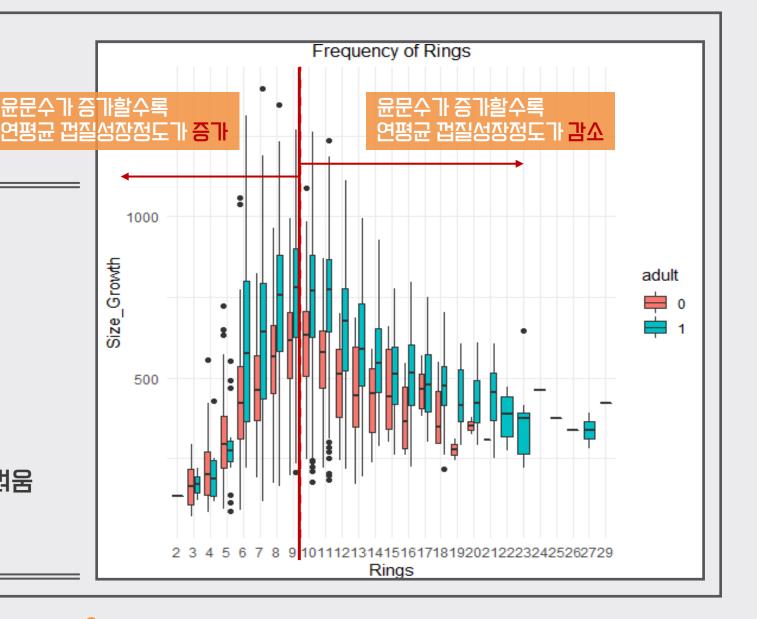
. 파생 변수 이상치 제거 - 단위 부피 당 전체 무게와 살의 무게 (Whole_unit, Shucked_unit)



5. 타깃 변수 범주화

Rings 2~9 → Status = 0 Rings 10~29 → Status = 1

Status 가 1인 전복은 성장 가능성이 ↓ → 양식을 제속해도 큰 이익을 참출하기 어려움

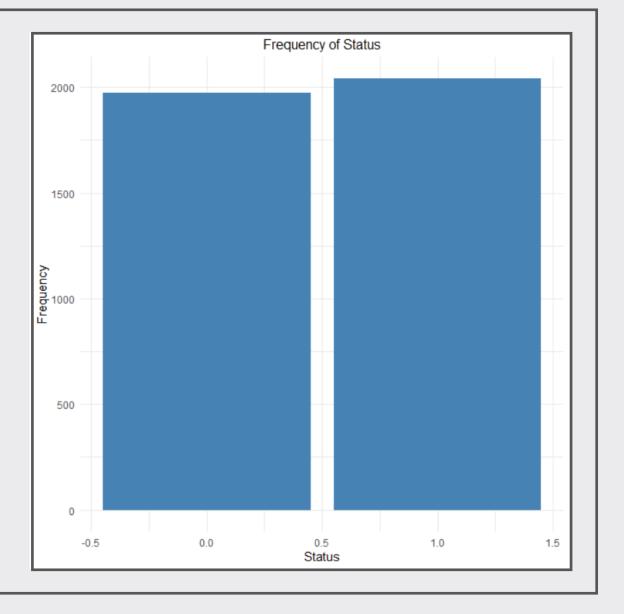


2 데이터 전처리 -

5. 타깃변수범주화 - Status 별 빈도

Frequency of Status				
0	1			
1972	2039			

범주 별 데이터 불균형이 비교적 해소됨



6. 변수 선택

- 삼관 계수 확인

기존변수중 'Sex ','Whole weight', 'Shucked weight', 'Viscera weight', 'Shell weight'

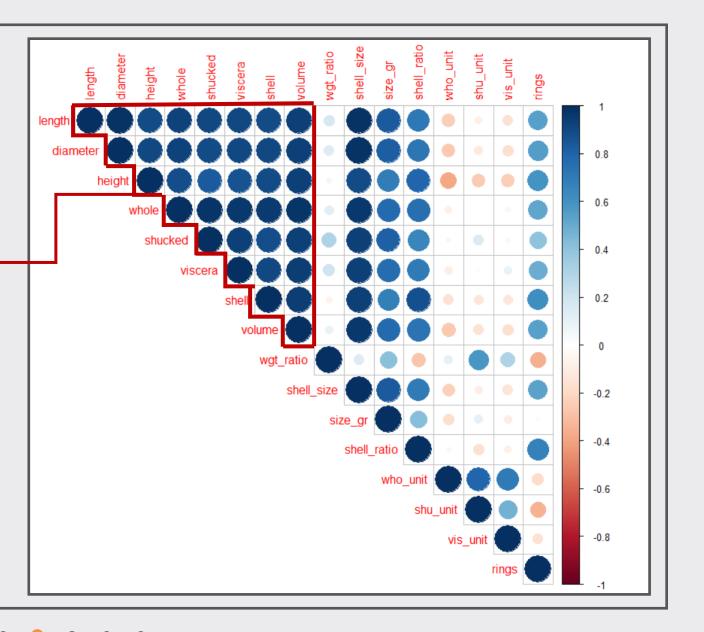
→ 파생변수들이 그 역할을 대신하고 있음

'Length', 'Diameter'

- → 상관관계 큼
- → 'Shell size' 변수 만들었음

'Volume'

→ 단위 변수들 만드는데 사용하여 제거



6. 변수 선택

- VIF 확인

	Height	Weight raito	Shell size	Size Growth
VIF	12.141628	44.071348	10.500820	5.049784
	Shell ratio	Whole unit	Shucked unit	Viscera unit
VIF	6.269821	116.675089	101.056129	25.574988

전복의 크기에 대한 정보는 Shell size로 알 수 있음

→ Height 제 귀

전체 무게에 대한 정보는 살, 내장, 껍질의 무게의 합으로 알 수 있음

→ Whole unit 제귀

Size growth 변수는 rings의 정보를 포함한 변수

→ Size growth 제귀

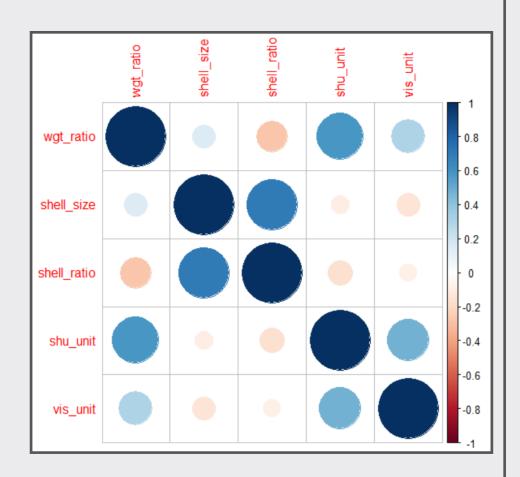
대부분의 변수가 다중 공선성이 매우 큼

6. 변수 선택

- 최종 변수

	VIF
(살+내장)무게의비율	2.4939
껍질의 크기	3.2120
단위 면적당 껍질의 무게	3.1628
단위부피당 살의 무게	1.8951
단위부피당 내장의 무게	1.3620

모든 변수 VIF < 10 임



2 데이터 전처리 –

7. 데이터 변환

- 정규화

OBS	Adult	Weight Ratio_sc			Shucked unit_sc		Status
1	1	0.5981346	0.3160797	0.3023258	0.4892487	0.3419855	1
2	1	0.6591272	0.1676786	0.2369367	0.3770095	0.2955172	0
		0.4780570	0.4304797	0.3200239	0.2125549	0.2089937	0
4105	1						
4106	1	0.7517565	0.5567699	0.3804880	0.2348570	0.2256609	0

모든 연속형 변수의 값이 0~1 사이



로지스틱 모형 : 오즈 해석 등 모형 해석이 가능함.

랜덤 포레스트 모형 : 이상치에 덜 민감. 변수 중요도 확인

평가지표

이익 도표는 로제스틱 모형을 평가하는 용도로만 사용하되, k급 교차검증으로 정확도를 구하여 두 모형을 비교함.

. k걥 교차검증을 활용한 로지스틱 회귀 모형 구축

1. train: test = 8:2로 분리

test

2. 4겹 교차검증

valid			
	valid		
		valid	
			valid



0부터 1개시 0.025 단위로 cutoff 후보 값 만든 후, 평균 정확도가 가장 높았던 최적 cutoff값 도출.

교차 검증 결과					
최적 모형	Full model				
최적 Cutoff 값	0.525				
평균 정확도	0.7934				

. k겹 교차검증을 활용한 로지스틱 회귀 모형 구축

구축된 모형의 회귀계수					
Intercept	-1.9128	***			
Adult	0.6830	***			
Weight_ratio_sc	-4.4203	***			
Shell_ratio_sc	6.8455	***			
Shell_size_sc	5.5460	***			
Shucked_unit_sc	-4.3082	***			
Viscera_unit_sc	3.3399	***			

-Test set 018-

	실제 범주				
	status	0	1		
예측 범주	0	318	70		
	1	89	325		
점확도	민감	도	■01 도		
80.17%	78.13	3% 8	32.28%		

2. 구축된 로지스틱 모형 평가

전체 평균에 비해 십분위 0에 1.93배 높은 비율로 status=1 이 포함 되어있음

decile	Predicted Prob	% of Status=1	Cum % of Status=1	# of Status=1	% of Total Status=1	Cum # of Status=1	Cum % of Total Status=1	Lift(%)	Cum Lif t(%)
0	97.24%	98.77%	98.77%	80	19.32%	80	19.32%	193.24	193.24
1	89.78%	88.75%	93.79%	71	17.15%	151	36.47%	171.50	182.37
2	81.04%	83.75%	90.46%	67	16.18%	218	52.66%	161.84	175.52
3	71.93%	73.75%	86.29%	59	14.25%	277	66.91%	142.51	167.27
4	58.35%	61.25%	81.30%	49	11.84%	326	78.74%	118.36	157.49
5	45.74%	41.25%	74.64%	33	7.97%	359	86.71%	79.71	144.52
6	30.59%	33.75%	68.81%	27	6.52%	386	93.24%	65.22	133.20
7	18.21%	26.25%	63.49%	21	5.07%	407	98.31%	50.72	122.89
8	8.67%	7.50%	57.28%	6	1.45%	413	99.76%	14.49	110.84
9	2.92%	1.23%	51.62%	1	0.24%	414	100.00%	2.42	-
total	50.45%	51.62%	-	414	100%	-	-	-	-

2. 구축된 로제스틱 모형 평가

입분위 0부터 입분위 4까지 구축된 로제스틱 모형이 평균 모형보다 더 효율적

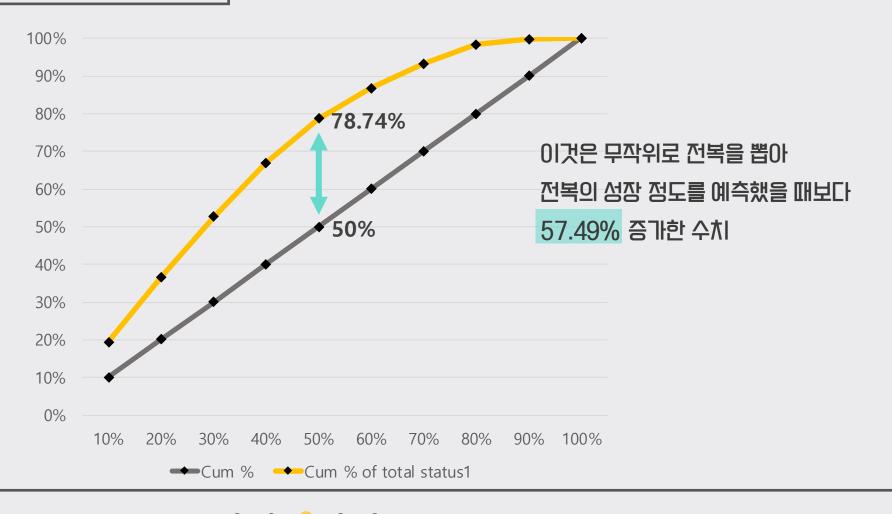
decile	Predicted Prob	% of Status=1	Cum % of Status=1	# of Status=1	% of Total Status=1	Cum # of Status=1	Cum % of Total Status=1	Lift(%)	Cum Lif t(%)
0	97.24%	98.77%	98.77%	80	19.32%	80	19.32%	193.24	193.24
1	89.78%	88.75%	93.79%	71	17.15%	151	36.47%	171.50	182.37
2	81.04%	83.75%	90.46%	67	16.18%	218	52.66%	161.84	175.52
3	71.93%	73.75%	86.29%	59	14.25%	277	66.91%	142.51	167.27
4	58.35%	61.25%	81.30%	49	11.84%	326	78.74%	118.36	157.49
5	45.74%	41.25%	74.64%	33	7.97%	359	86.71%	79.71	144.52
6	30.59%	33.75%	68.81%	27	6.52%	386	93.24%	65.22	133.20
7	18.21%	26.25%	63.49%	21	5.07%	407	98.31%	50.72	122.89
8	8.67%	7.50%	57.28%	6	1.45%	413	99.76%	14.49	110.84
9	2.92%	1.23%	51.62%	1	0.24%	414	100.00%	2.42	-
total	50.45%	51.62%	-	414	100%	-	-	-	-

2. 구축된 로지스틱 모형 평가

입분위이 부터 입분위 4까지 전체 데이터의 절반만으로도 Status=1인 전복을 78.74% 찾을 수 있음

	decile	Predicted Prob	% of Status=1	Cum % of Status=1	# of Status=1	% of Total Status=1	Cum # of Status=1	Cum % of Total Status=1	Lift(%)	Cum Lif t(%)
	0	97.24%	98.77%	98.77%	80	19.32%	80	19.32%	193.24	193.24
	1	89.78%	88.75%	93.79%	71	17.15%	151	36.47%	171.50	182.37
	2	81.04%	83.75%	90.46%	67	16.18%	218	52.66%	161.84	175.52
	3	71.93%	73.75%	86.29%	59	14.25%	277	66.91%	142.51	167.27
Г	4	58.35%	61.25%	81.30%	49	11.84%	326	78.74%	118.36	157.49
	5	45.74%	41.25%	74.64%	33	7.97%	359	86.71%	79.71	144.52
	6	30.59%	33.75%	68.81%	27	6.52%	386	93.24%	65.22	133.20
	7	18.21%	26.25%	63.49%	21	5.07%	407	98.31%	50.72	122.89
	8	8.67%	7.50%	57.28%	6	1.45%	413	99.76%	14.49	110.84
	9	2.92%	1.23%	51.62%	1	0.24%	414	100.00%	2.42	-

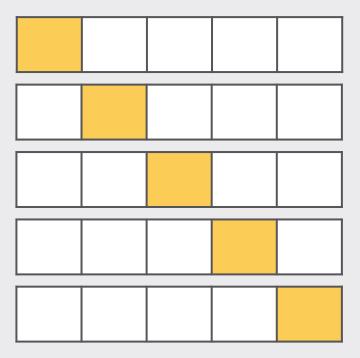
2. 구축된 로지스틱 모형 평가





3. k겹 교차검증을 활용한 랜덤 포레스트 모형 구축

1. 5겹 교차검증 (train:test=8:2)





교차 검증 결과					
1	0.7783				
2	0.8105				
3	0.7993				
4	0.7930				
5	0.7780				
평균 정확도	0.7918				

평균 정확도와 가장 유사, 이때의 혼돈행렬과 변수 중요도를 도출함

3. 구축된 랜덤 포레스트 모형 평가



-검증 데이터 이용-

	실제 범주					
	status	0	1			
예측 범주	0	299	96			
	1	71	336			
점확도	민김	도	■01 도			
79.30%	6 81.0	3% 7	77.83%			



<u>4</u> 결론

1. 오즈 해석

점장 점체기 : status=1, 점장기 : status=0

변수명	성장 정체기 전복의 오즈 변화	
성별 정해진 전복	1.98 Ш	

변수명	한 단위 증가할 때 성장 정체기 전복의 오즈 변화		
전체 무게 중 (살+내장) 비율	0.188 HH		
단위 면적 당 껍질 무게	1.104 비		
단위 부피 당 내장의 무게	0.996 HH		
단위 부피 당 내장의 무게	1.002 出		

※ 정규화 전으로 변환하여 오즈 변화 해석함



중요 변수 이익 도표 도출

decile	adult	shell_size	weight_ratio	shucked_unit	viscera_unit	shell_ratio
0	98.77%	10008.34	56.09%	0.000407	0.000233	0.008985
1	96.25%	9760.95	62.52%	0.000463	0.000249	0.007640
2	93.75%	9127.77	64.06%	0.000473	0.000246	0.007073
3	91.25%	8627.17	65.25%	0.000493	0.000256	0.006770
4	90.00%	7765.13	65.57%	0.000514	0.000257	0.006427
5	76.25%	7042.99	65.84%	0.000519	0.000262	0.006138
6	66.25%	6204.43	66.10%	0.000517	0.000252	0.005700
7	33.75%	5231.13	65.36%	0.000516	0.000255	0.005218
8	18.75%	4194.96	65.73%	0.000544	0.000252	0.004738
9	6.17%	3014.78	67.39%	0.000600	0.000271	0.003862

-Test set 이용한 중요 변수 이익 도표-

- 1. 성별이 정해진 전복일수록
- 2. 껍질 면적이 클수록
- 3. 전체 무게 중 살과 내장의 비율이 감소할수록
- 4. 단위 부피당 살의 무게가 작을수록
- 5. 단위 면적당 껍질 무게가 클수록



성장 정체기 전복일 가능성이 높다.



3. 모형의 활용 제안

추가적으로 비용을 투자한 가치가 있음 성장기전복 양식을 중단하고 판매하는 것이 더 효율적

전복의 성장 정도 분류 모형



양식업자들이 특정 전복을 계속해서 양식할 지 판단할 근거 제공



4. 연구의 한계 및 향후 과제



41

____ 감 사 합 니 다 ! ____

발표 들어주셔서 감사합니다

Q&A