QuickVina Molecular Docking Results with 2D Chemical Structures

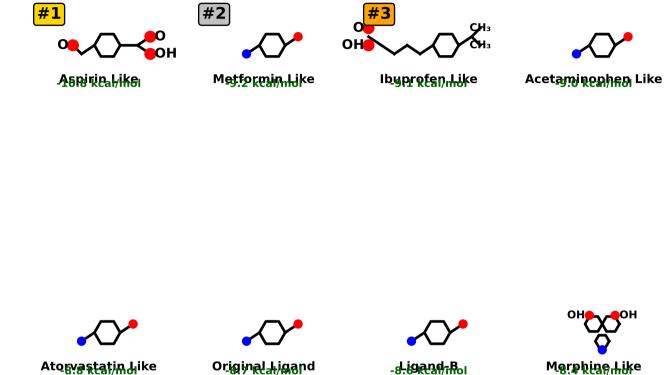
ANÁLISIS RESUMEN:

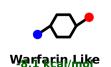
Total de Ligandos Probados: 11
Mejor Afinidad de Unión: -10.8 kcal/mol (Aspirin Like)
Afinidad Promedio: -8.8 kcal/mol
Tiempo Total: 35.0 segundos
Rango de Puntuaciones: -10.8 a -7.6 kcal/mol

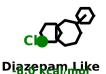
RANKING POR AFINIDAD DE UNIÓN:

Pos	Nombre del Ligando	Puntuación	(kcal/mol)	Premio
1 2 3 4 5 6 7 8 9 10	Aspirin Like Metformin Like Ibuprofen Like Acetaminophen Like Atorvastatin Like Original Ligand Ligand-B Morphine Like Warfarin Like Diazepam Like Caffeine Like	-10.8 -9.2 -9.1 -9.0 -8.8 -8.7 -8.6 -8.4 -8.1 -8.0	#1 #2 #3	

Estructuras Químicas 2D Realistas









NOTAS:

- Puntuaciones más negativas indican interacciones proteína-ligando más fuertes
- Las estructuras mostradas son diagramas químicos 2D realistas
- Todo el docking realizado con QuickVina 2 con parámetros idénticos
- Sitio de unión: centro (139, 145, 171), tamaño (25×25×25) Å