Final Project - Human Protein Atlas Image Classification

隊名:NTU_r06521504_隊名我想想

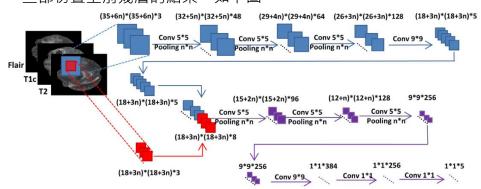
隊員: 陳譽仁 土木所交通組 R06521504

趙浩雅 土木所交通組 R06521511

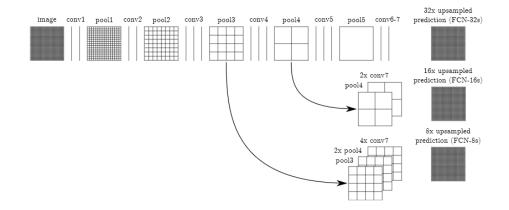
Introduction & Motivation

近幾年,深度學習成為機器學習中最受重視的一區,而藉由此技術完成的影像辨識系統被廣泛的運用在各個領域;其中,藉由影像辨識的系統,可輔助醫療判斷細胞狀況,藉以進行醫療診斷之輔助。考量到台灣未來 AI 的潛在姓,本次報告我們便選擇相關題目,利用 CNN 架構去進行圖像辨識,並用ensemble 的架構去加強模型。在建立模型部分,本次報告參考兩個方面,分別為 paper 與競賽上參賽者分享的 Kernel。

a. Paper 方面,本報告參考了 Zhao et al., 2018 的研究[1],本篇論文是對大腦腫瘤進行辨識與圖像的分區(segmentation),在模式比較底層的部分引用了 Fully Convolutional Neural Network 所衍伸的架構,在模式中的一些部份疊上前幾層的結果,如下圖。



雖然分區不是本報告所選主題要做的事情,但是因為該主題是要辨識散布在圖片上的一些特徵,其中的架構或許可以拿來參考。因此,參考了 FCN 的文章[2],這個架構將模式較後面的部分 upsampling,再與前面 maxpooling 前的卷積層結果相加以保留一些特徵在圖片上的位置資訊。



b. 初期參考的 Kernel 則是來自 Kaggle 上的 Kernel[3],其中包含完整的程式碼,其模式為數個卷積層的疊加,其中一個卷積層有四個平行的卷積層,各自使用不同的 kernel 大小,應該是為了方便取出不同大小的特徵並疊加在一起。本報告所使用的模式架構則以[4]作者後續教學文使用的模式架構為基礎,建立出本報告所使用的模式。

Data Preprocessing \ Feature Engineering

目前讀取資料的方法、f1 score 的計算、Data generator 參考本競賽其他參加者在 Kernel 分享的程式碼[3],對圖片資料先用 np.stack 的方式將同一細胞之紅、綠、藍、黃圖連接,以便在之後 training 過程讀取特徵值。為了增強數據,本報告用 imgaug 的套件將圖片進行平移、縮放、錯切等動作並加入少量的噪音,由於擔心其數據會造成過大偏差,未使用像素平移。考慮到有部分種類數量過少,會在訓練過程中被忽略或著是被切除,在最開始切資料的時候我們另外進行篩選,避免出現未訓練該項目的狀況。

Model Description

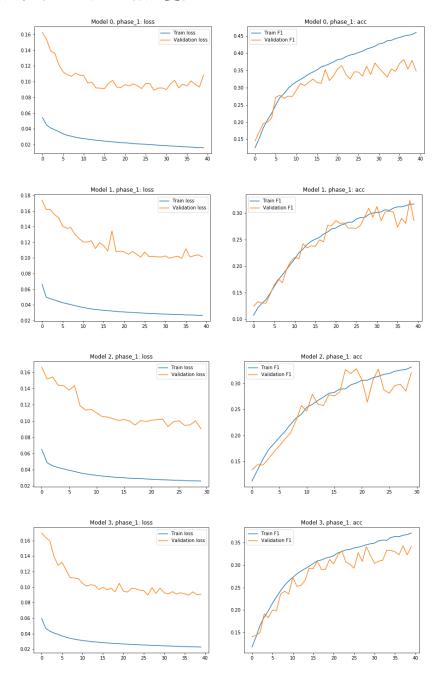
本報告於開始先建立一個 CNN+DNN 的基礎模型,其架構如下圖所示:

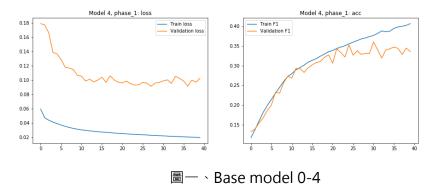
Layer (type)Output Shape	Param #	Connecte	d to
input_1 (InputLayer) (None	, 256, 256, 4)	0	•
batch_normalization_1 (Batch	nNor (None, 256	, 256, 4)	16input_1[0][0]
conv2d_1 (Conv2D) (None	, 254, 254, 32)	1184	batch_normalization_1[0][0]
batch_normalization_2 (Batch	nNor (None, 254	, 254, 32)	128 conv2d_1[0][0]
max_pooling2d_1 (MaxPooling2	2D) (None, 127	, 127, 32)	0 batch_normalization_2[0][0]

<pre>dropout_1 (Dropout)</pre>	(None,	127,	127,	32)	0 max	_pooling2d_1[0][0]
1 - \ 1 /	` /					

batch_normalization_3	(BatchNor (None,	127	, 127, 32)	128	dropout_1[0][0]
conv2d_2 (Conv2D)	(None, 63, 63, 6	4)	18496	batch_norm	nalization_3[0][0]
batch_normalization_4	(BatchNor (None,	63,	63, 64)	256	conv2d_2[0][0]
conv2d_3 (Conv2D)	(None, 61, 61, 6	4)	36928	batch_norm	nalization_4[0][0]
batch_normalization_5	(BatchNor (None,	61,	61, 64)	256	conv2d_3[0][0]
conv2d_4 (Conv2D)	(None, 59, 59, 6	4)	36928	batch_norm	nalization_5[0][0]
batch_normalization_6	(BatchNor (None,	59,	59, 64)	256	conv2d_4[0][0]
max_pooling2d_2 (MaxPe	ooling2D) (None,	29,	29, 64)	0 batch_norm	nalization_6[0][0]
dropout_2 (Dropout)	(None, 29, 29, 6	4)	0 max_poo	ing2d_2[0][0)]
batch_normalization_7	(BatchNor (None,	29,	29, 64)	256	dropout_2[0][0]
conv2d_5 (Conv2D)	(None, 27, 27, 1	28)	73856	batch_norm	nalization_7[0][0]
batch_normalization_8	(BatchNor (None,	27,	27, 128)	512	conv2d_5[0][0]
conv2d_6 (Conv2D)	(None, 25, 25, 1	28)	147584	batch_norm	nalization_8[0][0]
batch_normalization_9	(BatchNor (None,	25,	25, 128)	512	conv2d_6[0][0]
conv2d_7 (Conv2D)	(None, 23, 23, 1	28)	147584	batch_norm	nalization_9[0][0]
dropout_3 (Dropout)	(None, 23, 23, 1	28)	0 conv2d_7	7[0][0]	
global_average_poolin	g2d_1 (Glo (None,	32)	0 dropout_	_1[0][0]	
global_average_poolin	g2d_2 (Glo (None,	64)	0 dropout_	_2[0][0]	
global_average_poolin	g2d_3 (Glo (None,	128)0 dropout_	_3[0][0]	
concatenate_1 (Concatenate_plobal_average_policy)	ooling2d_2[0][0]	224)O global_a	average_pooli	ng2d_1[0][0]
batch_normalization_1	O (BatchNo (None,	224)896	concatenat	e_1[0][0]
dense_1 (Dense)	(None, 256)57600)	batch_no	ormalization_	10[0][0]
dropout_4 (Dropout)	(None, 256)0 den	se_1	[0][0]		
batch_normalization_1	1 (BatchNo (None,	256)1024	dropout_4[0][0]
dense_2 (Dense)	(None, 256)65792		batch_no	ormalization_	11[0][0]
dropout_5 (Dropout)	(None, 256)0 den	se_2	[0][0]		
dense_3 (Dense)	(None, 28) 7196		dropout	_5[0][0]	
activation_1 (Activat	ion) (None,	28)	0 dense_3	[0][0]	

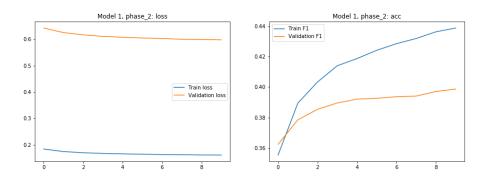
並以此模型架構做參數調整、包含將 kernelsize 設定與其他 dropout 的數值調整,另外建置出八個基礎模型,進行 40 次 epoch 訓練。下圖為模型在訓練過程中 lose 與 F1 數值變化:



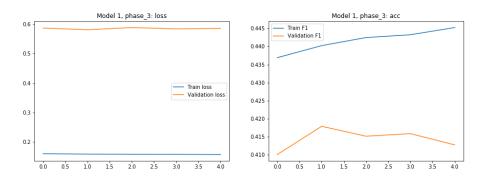


Train lose、Validation lose、Train F1 · Validation F1 變化過程

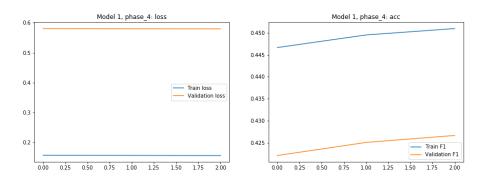
從圖片中可發現,原本的模型在經過四十次 epochs 後 Validation F1 大約落在 0.3-0.35 之間,而且有些還有上升趨勢。所以本報告後續用 pretrain model 用微調(Fine-tune)的方式,對 CNN 與 DNN 部分進行重新訓練,另外產生 24 個 model,兩者過程分別如下:



圖二 Base model 1 pretrain 後用 CNN 繼續訓練 10 個 epochs 後 Train lose、Validation lose、Train F1 · Validation F1 變化過程

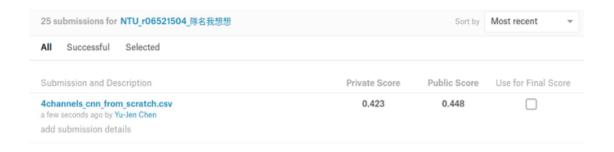


圖三 Base model 1 pretrain+CNN 後用 DNN 繼續訓練 4 個 epochs 後 Train lose、Validation lose、Train F1·Validation F1 變化過程



圖四 Base model 1 pretrain+CNN+DNN 後用 DNN 繼續訓練 2 個 epochs 後
Train lose、Validation lose、Train F1 · Validation F1 變化過程

從圖片趨勢中可以發現,後續訓練已經有一些 overfitting 的現象,不過其 validation F1 依舊有些許上升。最後本報告依照試驗後採用 model 0, model 1, model 2,model 3,model 4 與 model 6,權重部分先是參考 Validation F1 的數值(約在 0.42-0.47 之間)後並進行平移(-0.34),最後依照得到的權重比用 ensemble 的方式進行預測。在 kaggle 上得到 public score 0.448 與 private score 0.423 的成績。



Experiment and Discussion

在最後 ensemble 的部分,從之前測試中可發現平移權重大小其實對最後數據相差極高。以 0.34 與 0.36 做平移值,其相差的 public score 可以差到 0.02。

另外,我們也曾經將 32 個模型中前期未經過 CNN 與 DNN 的模型一併放入 ensemble,在權重都為 1 的狀況下,雖然 public score 並沒有比較高 (0.428),但是後來 private score 出來後可發現其數值較其他模型的 private score 要高(0.428),推測此部分是因為權重未調整到最佳數據,如果進行調整,或許可以得到更高的分數。

Conclusion

本次報告我們先用 CNN 與 DNN 的模型進行訓練,並使用 ensemble 的方式加強模型強度,最終得到不錯的成果。

Reference

- 1. X. Zhao, Wu, Y., Song, G., Li, Z., Zhang, Y., and Fan, Y., "A deep learning model integrating FCNNs and CRFs for brain tumor segmentation," *Medical image analysis*, 43, 98-111, 2018
- 2. Jonathan Long, Evan Shelhamer, Trevor Darrell; The IEEE Conference on Computer Vision and Pattern Recognition (CVPR), 2015, pp. 3431-3440
- Michal Haltuf, "CNN 128x128x4, Keras from scratch [LB 0.328]," kaggle.com, Oct. 30, 2018. [Online]. Available:
 https://www.kaggle.com/rejpalcz/cnn-128x128x4-keras-from-scratch-lb-0 328?fbclid=lwAR2SbpFcM0WhZfs7l9xelukyE6e9bMoUKX_kjxo3fUhaFeS2UUM6QQ2LpT8. [Accessed Dec. 14, 2018].
- Michal Haltuf, "CNN 128x128x4, Keras from scratch [LB 0.328]," kaggle.com, Nov. 4, 2018. [Online]. Available: https://www.kaggle.com/rejpalcz/gapnet-pl-lb-0-385. [Accessed Jan. 13, 2019].