Programação II + Estruturas de Dados para Bioinformática

Visualização de grafos

Hugo Pacheco

DCC/FCUP 22/23

Grafos

- Umas aulas atrás (NetworkX):
 - Representar redes de dados interligados como grafos
 - Utilização de algoritmos de grafos
- Esta aula (NetworkX + Graphviz):
 - Visualização de grafos
 - Mais exemplos

Grafos

• Visualização de grafos é um problema complexo



- Minimizar sobreposições, maximizar distâncias, etc
- Vamos explorar visualização de grafos em Python
 - Funcionalidades base do NetworkX
 - Integração com Graphviz
- Não vamos ver ferramentas mais completas de visualização de grafos
 - E.g., Citoscape, Gephi

NetworkX (draw)

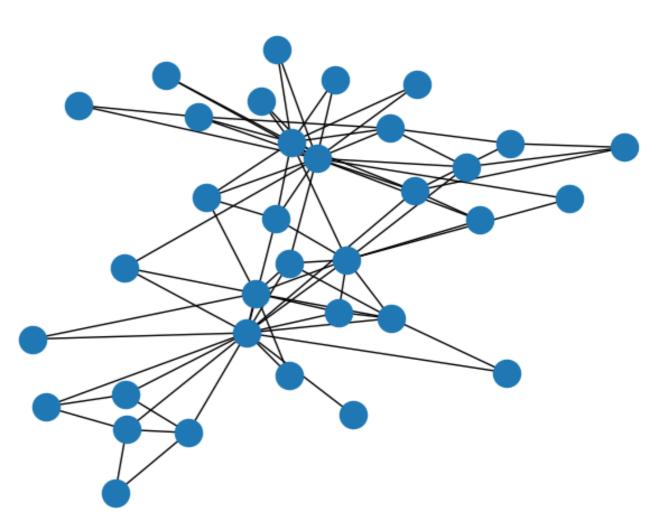
Visualizar um grafo de exemplo



Se redesenhar o grafo, as posição mudam!

```
import networkx as nx
import matplotlib.pyplot as plt

g = nx.karate_club_graph()
print(g.nodes(data=True))
# [(0, {'club': 'Mr. Hi'}),...]
print(g.edges(data=True))
# [(0, 1, {'weight': 4}),...]
nx.draw(g)
plt.show()
```



- Como é que o NetworkX decide como desenhar o grafo?
 - Utiliza um layout, e.g., um dicionário { nodo : Posição2D }
- O default é o spring layout, que tende a desenhar nodos mais conectados mais próximos uns dos outros

```
l = nx.spring layout(g)
print(1)
# {0: array([-0.24019787,
-0.346233711), ...}
l = nx.spring layout(g)
print(1)
# {0: array([-0.07914912,
0.460133681), ...}
nx.draw(g,pos=1)
```

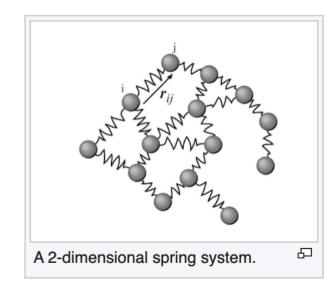
Spring system 文 Add languages ~

Tools ∨

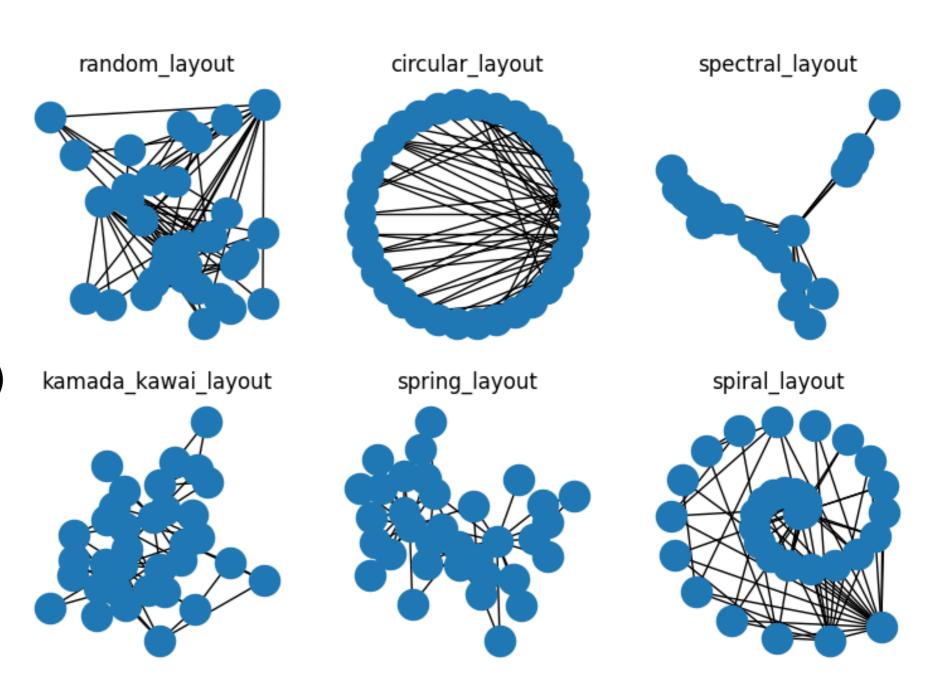
From Wikipedia, the free encyclopedia

Article Talk

In engineering and physics, a spring system or spring **network** is a model of physics described as a graph with a position at each vertex and a spring of given stiffness and length along each edge. This generalizes Hooke's law to higher dimensions. This simple model can be used to solve the



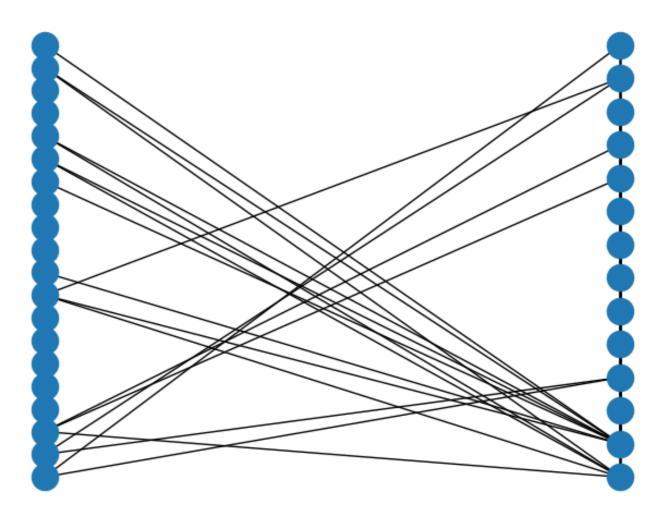
 Há vários layouts disponíveis (documentação)



- O bipartite_layout desenha o grafo de acordo com duas partições
 - Temos que passar os nodos que constituem uma delas

```
g = nx.karate_club_graph()

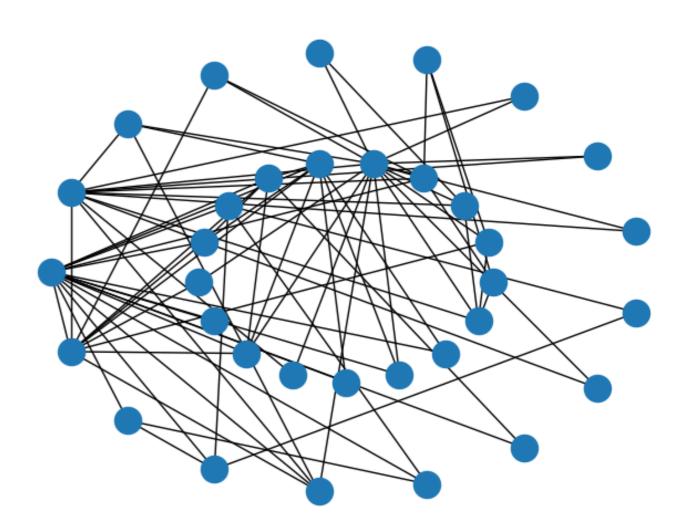
ns = [n for n in g.nodes()
if n < 20 ]
nx.draw(g,pos=nx.bipartite
_layout(g,ns))</pre>
```



- O shell_layout desenha o grafo por níveis
 - Temos que passar uma lista de níveis, em que um nível é uma lista de nodos

```
g = nx.karate_club_graph()

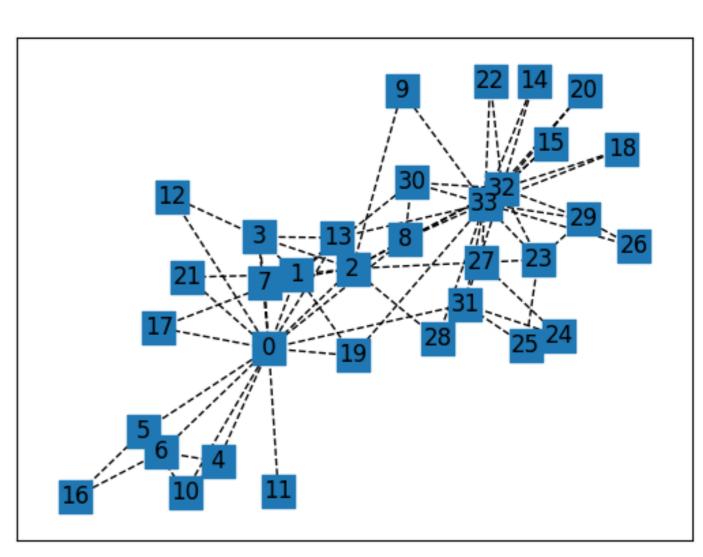
ns = [[n for n in
g.nodes() if n % i == 0]
for i in range(1,3)]
nx.draw(g,pos=nx.shell_lay
out(g,ns))
```



NetworkX (draw_networkx)

- Podemos costumizar melhor a visualização
 - e.g., formato de nodos, formato de arestas

```
g = nx.karate_club_graph()
nx.draw_networkx(
   g
   ,node_shape='s'
   ,style="--")
plt.show()
```



NetworkX (draw_networkx)

 Podemos costumizar melhor a visualização (por nodo)

 e.g., labels, tamanho, cor

NetworkX (draw_networkx)

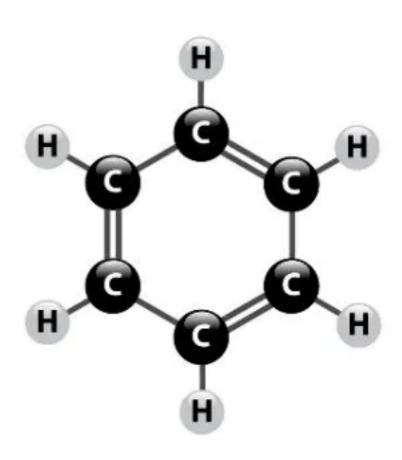
- Podemos costumizar melhor a visualização (por aresta)
 - e.g., labels, grossura, cor

```
nx.spirar_layout(g)
nx.draw_networkx(g,pos=ps,width=ws,edge_color=cs)
nx.draw_networkx_edge_labels(g,pos=ps,edge_labels=ls,font_color='red')
```

Exemplo (Molécula)

- Desenhar uma molécula no formato MOL2 (mais detalhes), e.g., benzeno
 - nodos = átomos; arestas = ligações

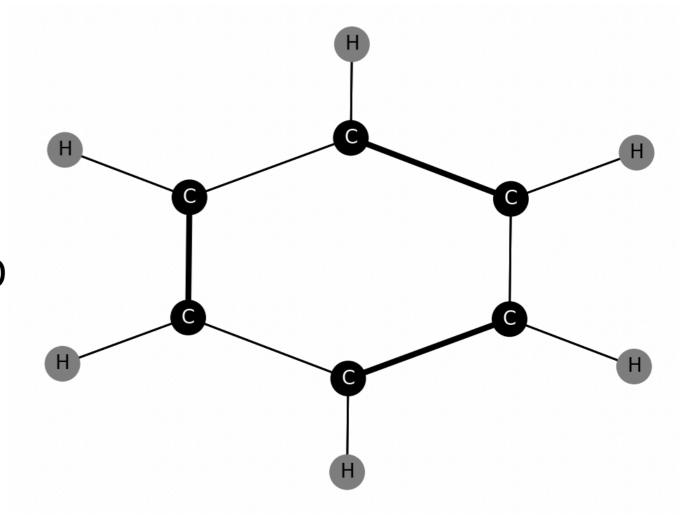
```
@<TRIPOS>MOLECULE
    benzene
     12 12 0 0 0
    SMALL
    NO CHARGES
10
   Any comment about the molecule goes here. No need for a pound sign he
12
13
    @<TRIPOS>ATOM
14
          1 C
                                            -0.0005 C.ar
                       -0.7600
                                   1.1691
                                                               BENZENE
15
          2 C
                                   1.2447
                        0.6329
                                            -0.0012 C.ar
                                                               BENZENE
16
          3 C
                        1.3947
                                   0.0765
                                             0.0004 C.ar
                                                             1 BENZENE
          4 C
17
                        0.7641
                                  -1.1677
                                             0.0027 C.ar
                                                             1 BENZENE
18
          5 C
                       -0.6288
                                  -1.2432
                                             0.0001 C.ar
                                                             1 BENZENE
19
          6 C
                                                             1 BENZENE
                       -1.3907
                                  -0.0751
                                            -0.0015 C.ar
20
          7 H
                       -1.3536
                                   2.0792
                                                             1 BENZENE
                                             0.0005 H
21
          8 H
                        1.1243
                                   2.2140
                                            -0.0028 H
                                                             1 BENZENE
22
          9 H
                        2.4799
                                   0.1355
                                            -0.0000 H
                                                             1 BENZENE
23
         10 H
                        1.3576
                                  -2.0778
                                             0.0063 H
                                                             1 BENZENE
24
         11 H
                       -1.1202
                                  -2.2126
                                            -0.0005 H
                                                                BENZENE
25
         12 H
                       -2.4759
                                  -0.1340
                                            -0.0035 H
                                                             1 BENZENE
    @<TRIPOS>BOND
27
                          ar
               2
28
                          ar
```



Benzeno C_6H_6

Exemplo (Molécula)

- 1. Ler ficheiro MOL2 retirado daqui
- Converter <TRIPOS>ATOM num DataFrame
- 3. Converter <TRIPOS>BOND num DataFrame
- 4. Juntar ambos num grafo NetworkX



5. Desenhar nodos e arestas

NetworkX ← Graphviz

 Podemos adicionalmente utilizar layouts do Graphviz (via a biblioteca *pygraphviz*)

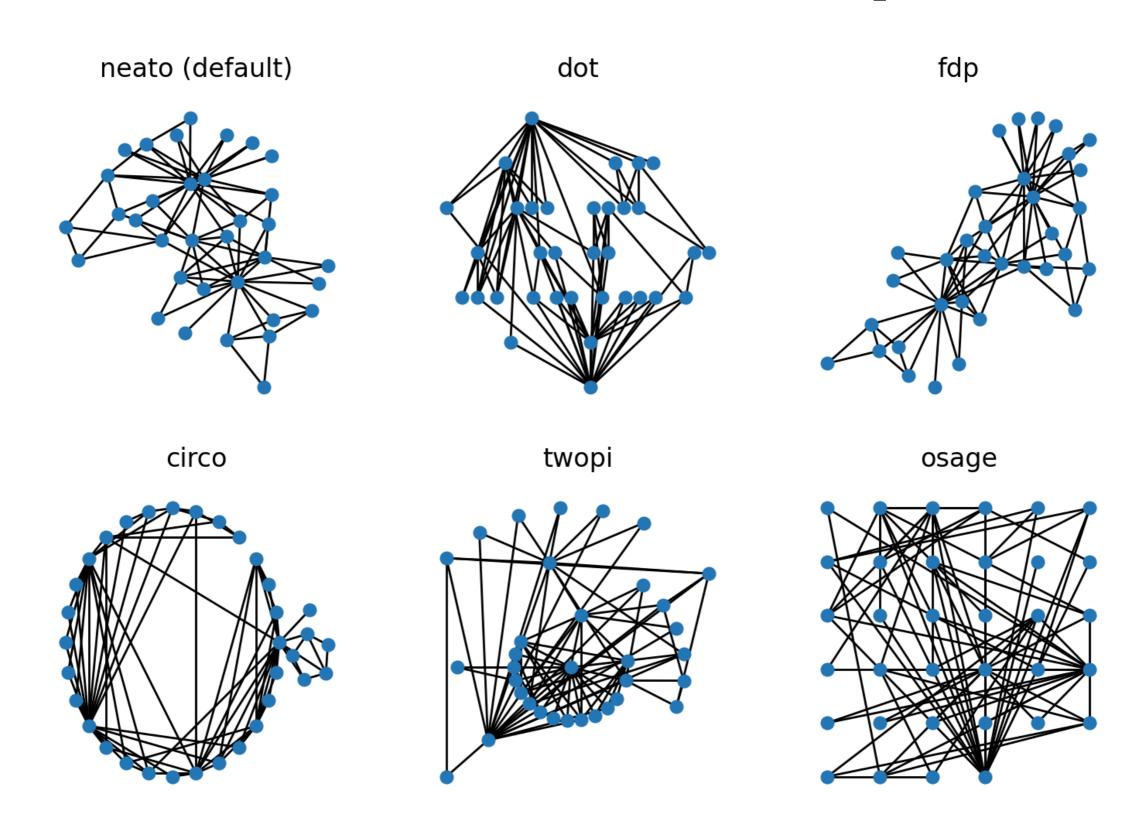
Particularmente útil para grafos maiores

g = nx.karate club graph()

nx.draw(g,pos=1)

```
= nx.nx agraph.pygraphviz layout(g)
```

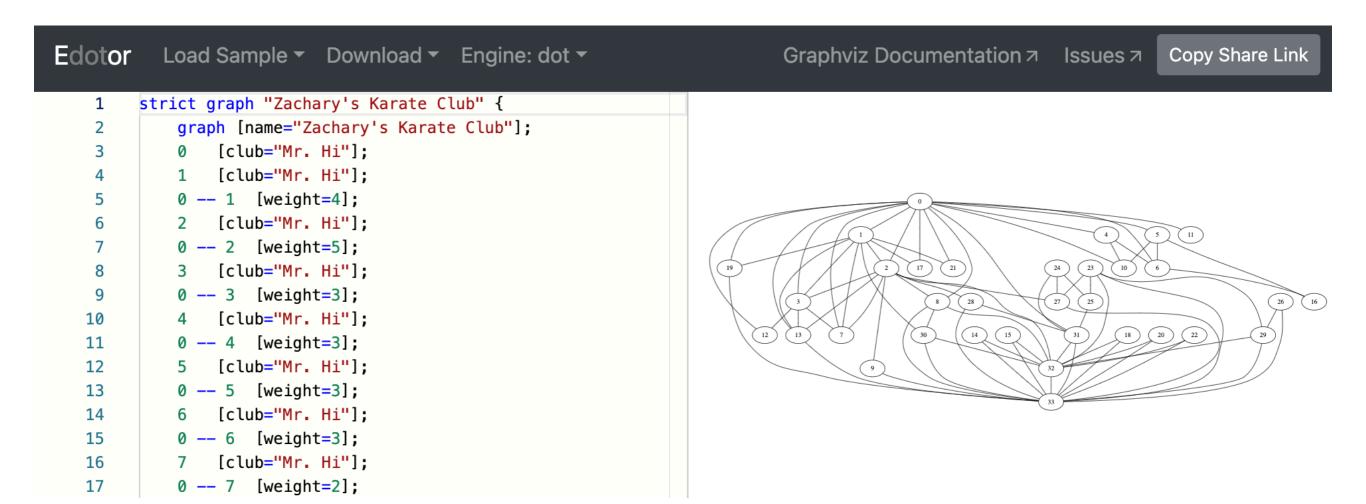
NetworkX ← Graphviz



NetworkX -> Graphviz

- Podemos converter um grafo no formato Graphviz, e.g., exportar para ficheiro DOT
- Particularmente útil para processamento adicional, e.g., https://edotor.net/

```
g = nx.karate_club_graph()
ag = nx.nx_agraph.to_agraph(ag)
ag.write('karate.dot')
```



NetworkX -> Graphviz

- O Graphviz é bastante mais configurável (documentação)
- Pygraphviz = interface programática
- Mais features:
 - clusters
 - formatação
 - layout
 - etc

