

2025 年 10 月 13 日至 10 月 19 日周报

何瑞杰  
中山大学, 大湾区大学

1. 项目进展

1.1. 使用神经网络学习生命游戏的演化动力学

1.1.1. 生命游戏规则变种

本周取 Golly 文档中若干邻域大小为 3 的九种其他规则进行实验，每种规则的具体信息列表如下

规则名称	邻域大小	邻域类型	特性描述
B36/S23	3	Moore	和 Conway 的原版生命游戏相似，但有自我复制结构
B3678/S34678	3	Moore	活细胞群中的死细胞的行为与死细胞群中的活细胞的行为相同
B35678/S5678	3	Moore	有不可预测行为的菱形斑点
B2/S	3	Moore	活细胞每代都会死亡，但该系统常常爆发
B234/S	3	Moore	单个的 $2 \times 2$ 会演化为一个波斯地毯
B345/S5	3	Moore	周期极长的振荡器可以自然地出现
B13/S012V	3	Von Neumann	
B2/S013V	3	Von Neumann	

1.1.2. 数据生成

经过进一步研究发现，Golly 虽然支持大量规则，但无法作为包导入 Python 中使用，只限于其程序之内。一番搜索后我找到了 pyseagull，并对所需的关键部分进行了检查。其运行模式十分简单，下面是一段官网给出的模拟代码：

```
import seagull as sg
from seagull.lifeforms import Pulsar

# Initialize board
board = sg.Board(size=(19,60))

# Add three Pulsar lifeforms in various locations
board.add(Pulsar(), loc=(1,1))
board.add(Pulsar(), loc=(1,22))
board.add(Pulsar(), loc=(1,42))

# Simulate board
sim = sg.Simulator(board)
sim.run(sg.rules.conway_classic, iters=1000)
```

相比于先前代码中的逻辑，它要简单得多。即使运行过程中被包装成一个函数，我们依然可以通过 sg.Simulator 中的 get\_history() 方法得到这一次模拟的所有历史数据的 ndarray，其形状为 [iters+1, w, h]，其中 iters 为迭代轮数，w 和 h 为网格尺寸大小。

另外，pyseagull 还支持自定义的简单规则。生命游戏的简单规则可以写为 B[...]/S[...] 的字符串格式。最经典的生命游戏的规则为 B3/S23，意为死细胞邻居存活数为 3 时，下一时刻复活；活细胞邻居存活数为 2 或 3 时下一时刻继续存活，其他情况下一时刻细胞死亡。自定义函数签名如下

```
seagull.rules.life_rule(X: ndarray, rulestring: str)
```

该函数在 pyseagull 的源码实现中通过正则表达式提取 rulestring 中的规则信息。由于其灵活性，在需要时我们可以将其拓展为其他更加复杂的规则，例如改变邻域的形状、将邻域的贡献从各向同性改为各向异性。

### 1.1.3. 对模型和训练的改动

#### 1.1.3.1. 增大卷积核大小

我将 SimpleCNNTiny 和 SimpleCNNSmall 的卷积核大小增加到 5。

#### 1.1.3.2. 缩小并行模型的参数量

我将 MultiScale 网络中并行层中输出的特征图的通道数都降为 2。具体而言，调整后网络的结构如下

```
class MultiScale(nn.Module):
    __version__ = '0.2.0'
    def __init__(self):
        super(MultiScale, self).__init__()
        self.conv_3x3 = nn.Sequential(
            nn.Conv2d(2, 2, kernel_size=3, stride=1,
                      padding=1, padding_mode="circular"),
            nn.BatchNorm2d(2),
            nn.LeakyReLU(0.1)
        )
        self.conv_5x5 = nn.Sequential(
            nn.Conv2d(2, 2, kernel_size=5, stride=1,
                      padding=2, padding_mode="circular"),
            nn.BatchNorm2d(2),
            nn.LeakyReLU(0.1)
        )
        self.conv_3x3_dilated = nn.Sequential(
            nn.Conv2d(2, 2, kernel_size=3, stride=1,
                      padding=2, dilation=2, padding_mode="circular"),
            nn.BatchNorm2d(2),
            nn.LeakyReLU(0.1)
        )
        self.stem = nn.Sequential(
            nn.Conv2d(int(2*3), 4, kernel_size=3, stride=1,
                      padding=1, padding_mode="circular"),
            nn.BatchNorm2d(4),
            nn.ReLU(),
            nn.Conv2d(2, 2, kernel_size=3, stride=1,
                      padding=1, padding_mode="circular")
        )
        ...
```

#### 1.1.3.3. 权重稀疏化

在损失函数中添加 L1 损失。具体计算方式如下

```

l1_reg = 0
for name, param in model.named_parameters():
    if 'weight' in name:
        l1_reg = l1_reg + torch.linalg.vector_norm(param, ord=1, dim=None)

```

然后将 `l1_reg` 假如损失函数中，权重为  $10^{-5}$ 。

此方法来源于 <https://stackoverflow.com/a/58533398>

#### 1.1.4. 群等变 CNN

我发现群等变 CNN 也许可以较好地刻画生命游戏中的平移和旋转不变性——前者通常卷积已经满足，而对于旋转变换，套用群等变 CNN 论文中的记号，假设输入特征图是信号  $f$ ，旋转变换是  $L_\tau$ ，神经网络是  $F$ ，我期待它可以满足

$$L_\tau[F \circ f] = [F \circ [L_\tau f]] \quad (1)$$

而这就是对旋转群的等变性质。依照生命游戏的设定，我们需要神经网络对于晶体群  $p_4$  的等变性。由于在 GCNN 这篇论文后有后人提出更普适的框架 `e2cnn`，而该框架包含我们所需的 `P4CNN`，因此我采用该框架实现可插拔替换的群等变 CNN 模型。该框架使用方便，仅需仿照通常的 CNN 模型，然后做微小的改动，即可实现插拔可用。我对标 `small` 大小的 CNN 模型得到了  $p_4$  群等变 CNN:

```

class SimpleP4CNNSmall(GroupEquivariantCNN):
    __version__ = '0.1.0-p4'
    def __init__(self):
        super().__init__()

        # Define transformation group to be p4
        r2_act = gspaces.Rot2dOnR2(N=4)

        # Define input, hidden and output field type
        in_type = enn.FieldType(r2_act, 2 * [r2_act.trivial_repr])
        hid_type = enn.FieldType(r2_act, 8 * [r2_act.regular_repr])
        out_type = enn.FieldType(r2_act, 2 * [r2_act.trivial_repr])
        self.in_type = in_type
        self.out_type = out_type

        # Network blocks
        self.conv1 = enn.R2Conv(in_type, hid_type, kernel_size=3, bias=False,
                                stride=1, padding=1, padding_mode="circular")
        self.bn1 = enn.InnerBatchNorm(hid_type)
        self.act1 = enn.ReLU(hid_type, inplace=True)
        self.conv2 = enn.R2Conv(hid_type, hid_type, kernel_size=3, bias=False,
                                stride=1, padding=1, padding_mode="circular")
        self.bn2 = enn.InnerBatchNorm(hid_type)
        self.act2 = enn.ReLU(hid_type, inplace=True)
        self.conv3 = enn.R2Conv(hid_type, out_type, kernel_size=3, bias=False,
                                stride=1, padding=1, padding_mode="circular")

    def forward(self, x: Float[Array, "batch 2 w h"]) -> Float[Array, "batch 2 w h"]:
        # Turn pytorch tensor to GeometricTensor
        x: enn.GeometricTensor = enn.GeometricTensor(x, self.in_type)
        x = self.act1(self.bn1(self.conv1(x)))
        x = self.act2(self.bn2(self.conv2(x)))
        x = self.conv3(x)

```

```

# Convert GeometricTensor back to pytorch Tensor
return x.tensor

def export(self, size) -> nn.Module:
    """
    returns a version of model that doesn't require e2cnn package
    """
    return torch.jit.trace(self, torch.randn(*size))

```

为了与模型训练中的 `torchinfo.summary` 函数兼容，我们将调用方式改为 `summary(model.cpu().export(), ...)` 以保证该函数的正常运行。后者的运行结果为

```

=====
Layer (type:depth-idx)                   Output Shape          Param #
=====
SimpleP4CNNSmall                        --                    --
├─R2Conv: 1-1                            --                    96
│   └─BlocksBasisExpansion: 2-1          --                    --
│       └─SingleBlockBasisExpansion: 3-1 --                    --
├─InnerBatchNorm: 1-2                   --                    --
│   └─BatchNorm3d: 2-2                  --                    16
├─ReLU: 1-3                             --                    --
├─R2Conv: 1-4                            --                    1,536
│   └─BlocksBasisExpansion: 2-3          --                    --
│       └─SingleBlockBasisExpansion: 3-2 --                    --
├─InnerBatchNorm: 1-5                   --                    --
│   └─BatchNorm3d: 2-4                  --                    16
├─ReLU: 1-6                             --                    --
├─R2Conv: 1-7                            --                    98
│   └─BlocksBasisExpansion: 2-5          --                    --
│       └─SingleBlockBasisExpansion: 3-3 --                    --
=====
Total params: 1,762
Trainable params: 1,762
Non-trainable params: 0
Total mult-adds (M): 0
=====
Input size (MB): 0.32
Forward/backward pass size (MB): 0.00
Params size (MB): 0.00
Estimated Total Size (MB): 0.32
=====

```

### 1.1.5. 在不同规则的演化系统上的实验结果

实验正在运行，目前的结果是群等变 CNN (small) 可以很好的学习上述的所有规则（测试集正确率接近 100%）。而使用并行多尺度 CNN 的训练结果在区间不连续，例如 B3678/S34678 这样的规则下学习较为困难。另外我注意到对于不同的规则，不能使用一套超参数生成数据，由于规则不同，使用一套参数在某些规则下会产生大量的重复数据，这会影响网络的训练。

具体的结果分析会在下周的周报中呈现，其中包括所有情况的训练曲线，以及对神经网络作为演化模拟器和训练权重的分析。可遇见的困难是，对于群等变 CNN，我应该如何提取并解释它的权重。

参考资料

1. <https://pyseagull.readthedocs.io/>
2. <https://arxiv.org/abs/1602.07576>
3. <https://github.com/QUVA-Lab/e2cnn>

## 2. 文献阅读

### 2.1. Group Equivariant Convolutional Networks

- Taco S. Cohen and Max Welling
- <https://arxiv.org/abs/1602.07576>

### 3. 学习进度

#### 3.1. 机器学习理论

##### 3.1.1. Markov Chain Monte Carlo (MCMC)

#### 3.2. 随机过程

本周学习到了 Poisson 过程，以及一般宽平稳随机过程相关函数的诸性质。

#### 3.3. 随机微分方程

本周没有推进。

## 4. 问题解决记录

### 4.1. uv 相关

uv 是基于 Rust 的新一代 Python 包管理器，具有可迁移性强、快速、简单的特点。

#### 4.1.1. Pytorch CUDA 版本的配置

### 4.2. Typst 相关

#### 4.2.1. 数学公式自动编号

### 4.3. Python 相关



## 5. 下周计划

### 论文阅读

#### 1. 生成模型

- DDPM 收尾
- Sliced Score Matching: A Scalable Approach to Density and Score Estimation

#### 2. 动力学

- 暂无

#### 3. 其他

- General  $E(2)$  - Equivariant Steerable CNNs

### 项目进度

#### 1. 使用神经网络学习生命游戏的演化动力学

- 收集实验数据, 若有必要, 实现更小的  $p4$ -等变 CNN 模型并测试
- 尝试对模型权重进行解释, 并用模型作为系统的演化模拟器, 统计验证所学到的规则是否正确

#### 2. 微型抗癌机器人在血液中的动力学

- 开始学习 PDE 的数值解方法

### 理论学习

#### 1. 随机过程课程

- 完成 Poisson 过程的学习
- 预习 Markov 过程

#### 2. 随机微分方程

- 完成第四章 随机积分
- 第五章 随机微分方程 开头

## 6. 参考资料