

9장 모수적 회귀모형을 이용한 생존분석

2020년 가을학기

전북대학교 통계학과

모수적 비례위험 모형

가속실패모형

모수적 비례위험 모형

Basic Idea

생존시간은 확률분포를 따름

Goal

확률분포의 모수 추정

⇒ 완전한 형태가 주어진 모형

⇒ 시간 분위수 추정

모수적 비례위험 모형

| 모수적 비례위험 모형 | Cox 비례위험모형 |
|--------------------------------------------------------------------------------------------------|----------------------------------------------------------------------------------------------|
| $h(t)$, $S(t)$ 에 대해 완전한 형태가 주어짐 이론적 $S(t)$ 와 더 일치성을 가짐 시간-분위수 추정 가능 생존시간에 대한 분포를 알아야 함 | $S(t)$ 의 형태를 모름 이론적 $S(t)$ 와 일치성을 덜 가짐 분포 가정에 의존하지 않음 위험률(HR) 추정을 위해 기저위험률 필요 없음 |

모수적 비례위험 모형과 Cox 비례위험모형과의 비교

모수적 비례위험 모형

생존시간 $T \sim$ 확률밀도함수 $f(t)$

- 생존함수 $S(t) = P(T > t) = \int_t^\infty f(u)du$
- 위험함수 $h(t) = -\frac{d}{dt} \frac{S(t)}{S(t)}$ 누적위험함수 $H(t) = \int_0^t h(u)du$
- $S(t) = \exp(-H(t))$, $f(t) = h(t)S(t)$

| 분포이름 | 확률밀도함수 $f(t)$ | 위험함수 $h(t)$ | 생존함수 $S(t)$ | 공변량 Z 가 있는 경우 생존함수 |
|--------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------|----------------------------------|----------------------------------------------------|
| 지수분포 $\lambda > 0, t \geq 0$ | $\lambda \exp(-\lambda t)$ | λ | $\exp(-\lambda t)$ | $\exp(-te^{\beta_0 + \beta_1 Z})$ |
| 와이블분포 $\kappa > 0, \lambda > 0$ $t \geq 0$ | $\kappa \lambda^\kappa t^{\kappa-1} \cdot \exp(-\lambda t^\kappa)$ | $\kappa \lambda^\kappa t^{\kappa-1}$ | $\exp(-\lambda^\kappa t^\kappa)$ | $\exp(-t^\kappa [e^{\beta_0 + \beta_1 Z}]^\kappa)$ |
| 로그-로지스틱 분포 $\alpha > 0, \lambda > 0$ | $\frac{\lambda \alpha t^{\alpha-1}}{(1 + \lambda t^\alpha)^2}$ | $\frac{\lambda \alpha t^{\alpha-1}}{(1 + \lambda t^\alpha)}$ | $\frac{1}{1 + \lambda t^\alpha}$ | $\frac{1}{1 + t^\alpha e^{\beta_0 + \beta_1 Z}}$ |

모수회귀에 많이 사용되는 분포

와이블 비례위험 모형

모수 κ, λ 를 갖는 와이블분포 하에서 위험함수

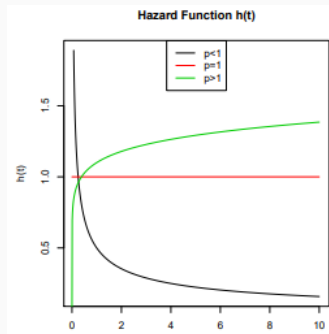
- 공변량이 없는 경우 위험함수 $h(t) = \kappa \lambda^\kappa t^{\kappa-1}$
- 공변량 $\mathbf{Z} = (Z_1, Z_2, \dots, Z_p)'$ 이 주어진 경우 $h(t|\mathbf{Z}) = h_0(t)g(\mathbf{Z}'\beta)$
 - 연결함수 $g(\cdot)$ 의 예 : $g_1(x) = e^x$, $g_2(x) = e^{-x}$

Weibull 분포의 성질 : $\log t$ 와 $\log(-\log S(t))$ 는 직선관계

$\Rightarrow (\log t, \log(-\log \hat{S}(t)))$ 그림으로 와이블모형 타당성 확인 ($\hat{S}(t)$: K-M 추정량)

κ : shape parameter

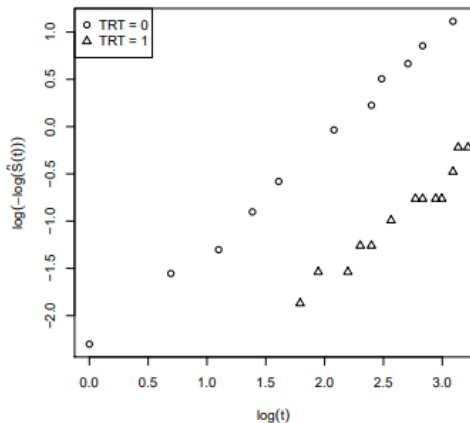
- $\kappa > 1$ 인 위험함수: 증가함수
- $\kappa = 1$ 인 위험함수: 상수함수
- $\kappa < 1$ 인 위험함수: 감소함수



Example: Remission Data

42명의 폐렴 환자의 회복시간 자료: MASS패키지의 `gehan` data

- 6-MP 처리를 받은 21명의 환자
- control 21명의 환자



- 선형성 \Rightarrow 와이블
- 동일한 기울기 \Rightarrow 비례위험

와이블 비례위험 모형

Recall $h(t) = \kappa \lambda^\kappa t^{\kappa-1}$

Weibull PH 모형

eha 패키지의 phreg 함수에서의 λ 모형

- λ 의 모형화

$$\lambda^\kappa = \exp(\beta_0 + \beta_1 \text{treat})$$

- 위험률 (treat=1 vs. treat=0)

$$HR = \frac{\exp[\beta_0 + \beta_1] \kappa t^{\kappa-1}}{\exp[\beta_0] \kappa t^{\kappa-1}} = \exp(\beta_1)$$

PH가정 만족

$$\log h(t|\text{treat}) = (\kappa - 1) \log t + \beta_0 + \beta_1 \text{treat} + \log \kappa$$

$\log t$ 에 대해 절편 $\beta_0 + \beta_1 \text{treat} + \log \kappa$, 기울기 $\kappa - 1$ 인 직선

지수 비례위험 모형

지수분포: $\kappa = 1$ 인 와이블분포

- 공변량 $treat$ 이 주어진 경우 $h(t|treat) = \exp(\beta_0 + \beta_1 treat)$
- eha 패키지의 phreg 함수 이용

```
> phreg(Surv(time,cens) ~ treat, data=gehan2, dist='weibull', shape=1)
Call:
phreg(formula = Surv(time, cens) ~ treat, data = gehan2, dist = "weibull",
      shape = 1)

Covariate      W.mean      Coef Exp(Coef)  se(Coef)      Wald p
treat
  control      0.336      0      1      (reference)
  6-MP      0.664     -1.527    0.217    0.398    0.000

log(scale)      2.159      0.218    0.000

Shape is fixed at 1
```

추정된 위험률 (HR)

$$\hat{HR}(treat=6-MP \text{ vs. } treat=control) = \exp(\hat{\beta}_1) = \exp(-1.527) = 0.22$$

해석 : 6-MP그룹의 위험률이 control그룹의 0.22배 ($p\text{-value} < 0.05$), 즉 treatment가 효과가 있음

가속실패모형

가속실패모형 (Accelerated Failure Time model: AFT 모형)

- 모수적인 접근 방법
- 위험률을 공변량 효과의 함수로 표현되는 비례위험모형 대안
- 생존시간 자체에 대한 공변량의 효과를 다룸

두 집단의 생존함수 $S_1(t)$, $S_2(t)$ 비교

$$S_1(t) = S_2(\gamma t), \quad t \geq 0$$

- $\gamma > 0$: 과속화 인수 (acceleration factor)
- 모집단 1의 노화비율 (aging rate)이 모집단 2의 노화비율보다 γ 배임을 의미

Example

- 개(dog)의 수명은 10~15년
- 일반적으로 개의 1년은 사람의 7년에 해당
- $S_1(t)$: 사람의 생존함수, $S_2(t)$:개의 생존함수:

가속실패모형 (Accelerated Failure Time model: AFT 모형)

AFT 모형

생존시간의 확장 또는 축소를 공변량의 함수로 모형화

Smokers vs. nonsmokers

흡연자와 비흡연자의 생존함수를 각각 $S_S(t)$, $S_{NS}(t)$

AFT 가정

- 생존함수로 표현: $S_{NS}(t) = S_S(\gamma t)$, $t \geq 0$
- 생존시간으로 표현 : $\gamma T_{NS} \stackrel{d}{=} T_S$

여기에서 T_S , T_{NS} 는 흡연자와 비흡연자의 생존시간

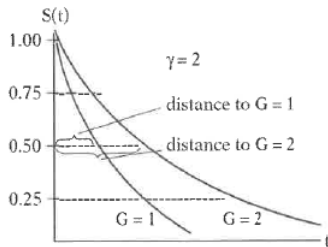
가속실패모형 (Accelerated Failure Time model: AFT 모형)

- μ_i : 모집단 i 의 생존시간의 평균

$$\begin{aligned}\text{모집단 2의 평균 } \mu_2 &= \int_0^{\infty} S_2(t) dt = \gamma \int_0^{\infty} S_2(\gamma u) du, \quad (t = \gamma u) \\ &= \gamma \int_0^{\infty} S_1(u) du = \gamma \mu_1\end{aligned}$$

- ψ_i : 모집단 i 의 θ 분위수(quantile), 즉 $S_i(\psi_i) = \theta$

$$S_2(\psi_2) = \theta = S_1(\psi_1) = S_2(\gamma\psi_1) \Rightarrow \psi_2 = \gamma\psi_1$$



[그림 9.1] 두 모집단에 대한 가속실패시간모형을 만족하는 생존함수

Acceleration factor

$\gamma > 1 \Rightarrow$ exposure benefits survival

$\gamma < 1 \Rightarrow$ exposure harmful to survival

Note Hazard ratio

$HR > 1 \Rightarrow$ exposure harmful to survival

$HR < 1 \Rightarrow$ exposure benefits survival

$\gamma = HR = 1 \Rightarrow$ no effect from exposure

가속실패모형 (Accelerated Failure Time model: AFT 모형)

공변량 X 를 가진 AFT 모형

$$\log(T) = \alpha_0 + \alpha_1 X + \epsilon$$

여기에서 ϵ 는 오차

| T | $\log T$ |
|--------------|---------------|
| Exponential | Extreme value |
| Weibull | Extreme value |
| Log-logistic | Logistic |
| Lognormal | Normal |

T 가 와이블 분포를 따르는 경우 AFT 모형

$$\log(T) = \alpha_0 + \alpha_1 X + \sigma\epsilon$$

여기에서 $\sigma = 1/\kappa$ 에 해당하는 모수

$$T = \exp(\alpha_0 + \alpha_1 X + \sigma\epsilon) = \exp(\alpha_0) \exp(\alpha_1 X) \exp(\sigma\epsilon)$$

- gehan data 사용하여 공변량이 treat인 Weibull AFT 모형 적합
- AFT 모형 가정 : 6-MP그룹과 control 그룹의 시간-분위수 비는 상수 γ

시간-분위수 (time-quantiles)의 표현

$$\begin{aligned} S(t) = \exp(-\lambda^\kappa t^\kappa) &\Leftrightarrow -\log S(t) = (\lambda t)^\kappa \\ &\Leftrightarrow t = \frac{(-\log S(t))^{1/\kappa}}{\lambda} \end{aligned}$$

survival패키지의 survreg함수에서 λ 모형

- λ 의 모형화 : $\lambda = \exp(-\alpha_0 - \alpha_1 \text{treat})$

$$t = (-\log S(t))^{1/\kappa} \exp(\alpha_0 + \alpha_1 \text{treat})$$

- q -분위수 : $S(t_q) = q \Leftrightarrow t_q = (-\log q)^{1/\kappa} \exp(\alpha_0 + \alpha_1 \text{treat})$

$$\gamma = \gamma(\text{treat}=6\text{-MP vs. treat=control}) = \frac{(-\log q)^{1/\kappa} \exp(\alpha_0 + \alpha_1)}{(-\log q)^{1/\kappa} \exp(\alpha_0)} = \exp(\alpha_1)$$

패키지의 survreg() 함수

- dist 옵션 : "weibull", "exponential", "gaussian", "logistic", "lognormal", "loglogistic".

```
> weib.aft <- survreg(Surv(time,cens) ~ treat, data=gehan2, dist='weibull')
> summary(weib.aft)
```

Call:
survreg(formula = Surv(time, cens) ~ treat, data = gehan2, dist = "weibull")

| | Value | Std. Error | z | p |
|-------------|--------|------------|-------|---------|
| (Intercept) | 2.248 | 0.166 | 13.55 | < 2e-16 |
| treat6-MP | 1.267 | 0.311 | 4.08 | 4.5e-05 |
| Log(scale) | -0.312 | 0.147 | -2.12 | 0.034 |

Scale= 0.732

Weibull distribution
Loglik(model)= -106.6 Loglik(intercept only)= -116.4
 Chisq= 19.65 on 1 degrees of freedom, p= 9.3e-06
Number of Newton-Raphson Iterations: 5
n= 42

가속화 인수 γ

$$\gamma = \gamma(\text{treat}=6\text{-MP vs. treat=control}) = \frac{(-\log q)^{1/\kappa} \exp(\alpha_0 + \alpha_1)}{(-\log q)^{1/\kappa} \exp(\alpha_0)} = \exp(\alpha_1)$$

대조 그룹에 대해 처리 그룹을 비교할 때 추정된 가속화 인수 $\hat{\gamma}$

$$\hat{\gamma} = \exp(\hat{\alpha}_1)$$

```
> exp(weib.aft$coefficients[2])  
treat6-MP  
3.551374
```

해석: 처리 그룹의 생존 시간은 대조 그룹에 비하여 인수 3.55로 증가 \Rightarrow 6-MP는 positive 효과가 있다.

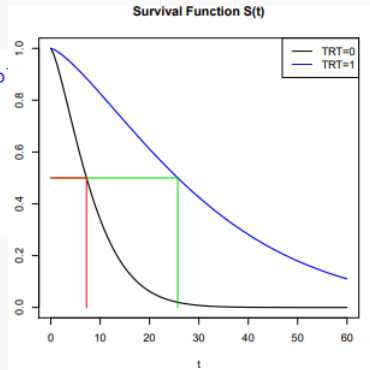
Weibull AFT 모형: 시간-분위수

생존시간의 중앙값, 즉 0.5-분위수

$$S(t) = 0.5 \Rightarrow \hat{t}_{0.5} = (-\log 0.5)^{1/\hat{\kappa}} \exp(\hat{\alpha}_0 + \hat{\alpha}_1 \text{treat})$$

중앙값의 추정

```
> median <- predict(webb.att,  
+                     newdata=list(treat=c("contro  
+                     type='quantile',p=0.5)  
> median  
      1          2  
7.242697 25.721526  
> median[2]/median[1]  
      2  
3.551374
```



Weibull AFT와 PH 계수의 관계

- AFT : $\lambda = \exp(-\alpha_0 - \alpha_1 \text{treat}) \Rightarrow \log \lambda = -\alpha_0 - \alpha_1 \text{treat}$
- PH : $\lambda^\kappa = \exp(\beta_0 + \beta_1 \text{treat}) \Rightarrow \log \lambda = (\beta_0 + \beta_1 \text{treat})/\kappa$

eha 패키지의 `phreg()` 함수

- dist 옵션 : "weibull", "gompertz", "pch", "lognormal", "loglogistic"
exponential은 `dist="weibull", scale=1`

R Output

```
> weib.ph <- phreg(Surv(time,cens) ~ treat, data=gehan2, dist='weibull')
> summary(weib.ph)
Call:
phreg(formula = Surv(time, cens) ~ treat, data = gehan2, dist = "weibull")

Covariate      W.mean      Coef Exp(Coef)  se(Coef)      Wald p
treat
  control      0.336      0      1      (reference)
  6-MP          0.664     -1.731    0.177      0.413      0.000

log(scale)      2.248      0.166      0.000
log(shape)      0.312      0.147      0.034
```

- $\beta_1/\kappa = -\alpha_1 \Rightarrow \beta_1 = -\alpha_1 \kappa$
- survreg 결과에서 $\text{Scale}=1/\kappa \Rightarrow 1.731 = 1.267/0.732$
- AFT 가정 \Leftrightarrow PH 가정

그림을 이용한 모형 적합성에 대한 평가

Kaplan-Meier 생존함수 $\hat{S}(t)$

그림으로 평가

- $(t, -\log \hat{S}(t))$ 그림
직선 \Rightarrow 지수분포
- $(\log t, \log[-\log \hat{S}(t)])$ 그림
직선 \Rightarrow 와이블분포

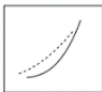
범주형 공변량의 경우 각 공변량
범주에 대해 Kaplan-Meier
생존함수를 그림으로 평가



\Rightarrow Weibull (or Exponential if $p = 1$), PH and AFT assumption hold.



\Rightarrow Not Weibull, PH and not AFT.



\Rightarrow Not Weibull, not PH and not AFT.



\Rightarrow Weibull, not PH and not AFT (p not fixed)

$(\log t, \log(-\log \hat{S}(t)))$ 그림

모형적합도 통계량

- AIC (Akaike Information Criterion) =
 $-2 \times \log(\text{maximum likelihood}) + 2 \times p$
 - p = 적합모형의 모수 개수
 - AIC는 모수가 많을수록 AIC 값이 커지는 벌점(penalty)효과를 가짐
 - AIC를 최소로 하는 모형이 더 나은 모형으로 추천됨
- BIC (Bayesian Information Criterion) =
 $-2 \times \log(\text{maximum likelihood}) + (\log n) \times p$
 - BIC를 최소로 하는 모형이 더 나은 모형으로 추천됨