生成模型读书笔记八

2021年1月11日 21:53

GAN II----WGAN与WGAN-GP

既然基于原始GAN的各种loss function形式都有各种各样的问题,那他们的根本问题到底出在哪里,到底有没有一个比较好的GAN模型可以避免这些问题呢?

我们来回忆一下前文提到的三种loss都在优化什么,第一种,优化JS距离,第二种,优化一个矛盾的KL,JS距离,第三种最大似然,而本文在讲到最大似然的时候就证明了最大似然也是等价于最小化KL,所以说,三种形式始终逃不出KL距离/JS距离,那么是不是因为这个距离不合理呢?于是有人去研究了一下这个问题,并且指出它确实不合理。下面简单解释一下(复杂的数学公式我也不懂。。)

JS距离的定义是

$$JS(p||q) = \frac{1}{2}KL(p||\frac{p+q}{2}) + \frac{1}{2}KL(q||\frac{p+q}{2}).$$

$$= \frac{1}{2}E_p\left(logp - log\frac{p+q}{2}\right) \frac{1}{2}E_q\left(logq - log\frac{p+q}{2}\right)$$

设想一下,刚开始训练时,生成分布就相当于是一个随机初始化的分布,它与真实分布很有可能相差很远,这就意味着他们重叠的部分几乎可以忽略不计。那么假设从p分布里采样一个x,因为p和q分布之间的重叠部分可以忽略,所以q(x)≈0,第一个期望里的第一项就等于log2,第二项就等于0,相对地,如果是从q分布里采样一个x,那么第二个期望里的第一项就会等于0,第二项等于log2。也就是说,只要两者重叠部分很少,可忽略,那么损失函数的值就会一直是一个常数,模型根本不知道要往哪里走,即使两个分布变得更近了(但是重叠部分还是很少),也没有有效的指示。

在WGAN提出之前,针对这个问题,有一个简单的解决方案,就是给真实样本和生成样本加噪声,强行地扩大分布的范围,使得两个分布之间存在重叠部分。但是这个解决办法还是没法提供一个可以衡量训练进程的指标。

既然之前的距离度量都不好用,那要不干脆搞个网络让它自己学一个吧,想想看能不能把判别器D改改,让它学学怎么衡量两个分布的距离?终于轮到WGAN出场了。WGAN提出用Wasserstein距离代替JS距离,可以更好地指示训练进程,稳定训练。

i. 什么是Wasserstein距离

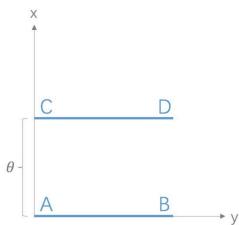
wasserstein距离又叫做earth-mover距离(EM距离), 定义如下:

$$\mathsf{W}(P_{data},P_g) = \inf_{\gamma \sim \Pi(P_{data},P_g)} \mathbb{E}_{(x,y) \sim \gamma} \{ |-y \} |$$

 $\Pi(P_{data},P_g)$ 是联合分布的集合,这个集合里的联合分布是真实分布和生成分布之间所有可能的组合,也就是说这个集合里的每一个分布的边缘分布都是 P_{data} 和 P_g 。我们从所有可能的组合中采样一个联合分布 γ 出来,计算 γ 分布中所有(x,y)点对的距离的期望,这个期望的下界就wasserstein距离。一句话说就是两个分布中点对距离期望的最小值。来看一个例子,假设我们有两个在二维空间中的分布p和q,如下图所示,p是AB线段上的均匀分布,q是CD线段上的均匀分布,两个线段之间的距离是 θ 。p和q点对距离期望的最小值显然就是 θ (因为均匀分布,每个点对的概率都一样)。这就像是要把分布p推到q的位置,因此又称为推土机距离。

假如用JS或者KL来计算p和q分布的距离,因为p(x) q(x)中的x取值都不重叠,所以无论是JS还是KL都是一个突变的距离,随着θ变小,KL会从无穷突变到0,JS从log2突变到0,而EM距离则是平滑的,就等于θ。因此。它可以更好地量度两个不重叠分布之间的距离,反应分布之间的远近。

EM距离什么时候会最小?当两个分布中所有样本都重合的时候,EM距离就最小。比如这个例子就是个最简单的情况,均匀分布,所以只要 θ =0,所有样本都会重合,EM距离=0



ii. WGAN的损失函数

Wasserstein距离的计算是没法直接求解的,所以我们用一个等价的式子

$$W(P_{\text{data}}, P_g) = \frac{1}{\kappa} SUP_{\text{filk} K} E_{x \sim p_{data}} [f(x)] - E_{x \sim p_g} [f(x)]$$

上式中的 $\|\cdot\|$ K来自Lipschitz连续。Lipschitz连续要求存在一个 $K \ge 0$,使得对于任意两点 x_1, x_2 函数f(x)都满足

$$|f(x_1) - f(x_2)| \le K|x_1 - x_2|$$

简而言之就是对函数f(x)梯度的绝对值的限制,不能超过某个值K。对于所有满足条件的 f(x), f(x)在两个分布上的期望值的差的上界就是Wasserstein距离。

在实现中怎么表示"所有满足Lipschitz限制的f(x)"呢?不知道怎么做的时候,我们就用神经网络去模拟它。用带参数w的神经网络 $f_w(x)$ 来表示f(x),因为神经网络强大的拟合能力,虽然不能保证表示所有满足条件的f(x),但也是一个很好的近似了。"所有f(x)"解决了,那么Lipschitz限制又怎么实现呢?WGAN用了一个简单粗暴的办法,就是直接做weight clipping,限制网络的所有参数 θ^d 不超过某个值[-c,c],这样f(x)对于x的梯度。 $\frac{\partial f(x)}{\partial x}$ 就不会超过某个K(虽然我们不知道这个K是什么,但是只要限制了C,就肯定存在一个不是 ∞ 的K)。最后式子中的求上界SUP就用max来实现。

判别器被用来拟合上述距离,也对应我们前面说的干脆用一个网络来学距离。于是我们就得到了判别器D的损失函数

$$\mathsf{J}(\mathsf{D}) = \max_{\theta^d} E_{x \sim p_{data}}[D(x)] - E_{x \sim p_g}[D(x)]$$

在训练好了D之后,理论上来讲它现在就是能够准确指示当前 P_g 与 P_{data} 距离的一个函数了,然后我们再去优化G。G希望生成分布 P_g 与真实分布 P_{data} 尽量接近,也即上述距离尽量小,所以他的目标函数是D的反,式子的第一项与G无关,因此最终G的目标函数写成

$$\mathsf{J}(\mathsf{G}) = min_{\theta^g} - E_{x \sim p_g}[D(x)]$$

原始的GAN里,D是一个二分类器,现在的D是两个分布距离的量度,所以在WGAN中又把它叫做critic网络而不是discriminator。在原始的GAN中,因为要做二分类,所以

D的最后一层用sigmoid,在WGAN中,D是要拟合Wasserstein距离,相当于一个回归问题而不是分类问题,需要把最后一层sigmoid拿掉。

iii. 实现

原始GAN的代码只要改几个地方就能够实现WGAN:

去掉最后一层sigmoid层;

生成器和判别器的loss计算去掉log;

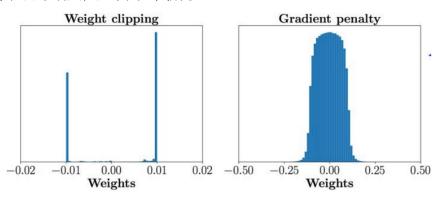
每次更新判别器的参数后需要做weight clipping;

不推荐使用基于动量的算法,因为判别器的loss不稳定,可以用SGD或者 RMSProp

iv. WGAN-GP

1) Weight clipping的问题

上文说到对于实现Lipschitz限制使用了简单粗暴的weight-clipping,这个方法有很明显的问题,因为判别器是要学习距离的,那么对于不同输入,不同分布的样本,得到的输出必须有较大的不同,这时候网络的weight肯定不能太小,而同时weight clipping又限制了网络的weight又不能太大,就会导致大量的weight都取clipping区间的两个端点。比如clip在[-0.01,0.01]区间,经过实验,会发现网络weights的分布真的就是集中在两个端点,如下面左图所示



这样子网络跟二值输出都没有太大区别了,它本来该有的拟合能力大大浪费了。 所以WGAN作者后来又提出了一个更好的实现Lipschitz限制的办法,称为 gradient penalty,应用这个方法的模型就叫做WGAN-GP。上方右图就是应用了 GP方法之后的weights分布,明显合理很多。

除了weights的分布极端以外,weight clipping还存在容易导致梯度消失或者爆炸的问题。因为设想对一个多层网络做backpropagation(自己复习一下BP),计算过程相当于中间每一层的weight/weight矩阵相乘,如果这个weight clipping的阈值设置得比较小,经过多次相乘后,就会是一个很小的数,容易出现梯度消失,假如设得比较大,经过多次相乘之后,就会是一个很大的数,容易出现梯度爆炸。这个阈值的选取就非常困难,实际应用中,这个从消失到爆炸的区域可能很小,调参就非常困难了。

2) Gradient penalty

那有没有比较合理的办法呢?首先来回忆一下Lipschitz限制,是说函数f(x)任意两点间的梯度的绝对值不超过某个数K。那么我们干脆直接把它写到loss里面好了。f(x)梯度的绝对值不超过K,设计成一个loss就可以写成下式,对于不超过K的,loss=0,对于超过K的,超过部分就算入loss:

max(y, 0)在神经网络实现中就是用ReLU)

上式中的爬指p norm, 一般会用L1 norm或者L2 norm.

结合前面说的,为了尽量把真假样本分开,判别器希望学习到的距离大一些,所以一般会落在K附近,比K大一点小一点影响不大,所以又可以写成一个好看一点的loss来表示希望离K越近越好(用上面的式子还是下面的式子结果影响不大)

$$\nabla ||_{\mathcal{K}}(D(\mathbf{x}))||-K|^2$$

将这个loss加到上一节的D的loss里面去,就有

$$J(D) = \max_{\theta^d} E_{x \sim p_{data}}[D(x)] - E_{x \sim p_a}[D(x)] - \lambda E_{x \sim X} \overline{\mathbb{I}}_k(D(x)) - K]^2$$

或者min的形式,比较常用

$$J(D) = \min_{\theta^d} E_{x \sim p_g}[D(x)] - E_{x \sim p_{data}}[D(x)] + \lambda E_{x \sim X} ||\mathbf{h}||_K (D(x))|| - K||^2$$

到这一步, GP算是完成了一半。

来看看上式的实现,前面两项和之前的一样,没什么特别的。新加的第三项,问题来了,因为Lipschitz限制是要求f(x)任意两点x的梯度,所以这一项需要对全体X进行采样,这怎么可能做得到嘛。f(x)是用来算真实分布和生成分布之间的距离的,所以把真实分布和生成分布之外的部分截掉,也丝毫不会影响结果。所以这里的实现就可以改成只对生成分布,真实分布,和夹在两个分布中间的区域(生成分布会向真实分布靠近,经过中间区域)采样就可以了,其他区域是否满足限制我们不关心。因此,具体实现如下:

先采样一对真假样本,以及从均匀分布[0,1]中采样一个值

$$x_1 \sim p_{data}$$
, $x_2 \sim p_a$, $\varepsilon \sim U(0,1)$

利用 ϵ 在x1和x2的连线上随机插值,得到一个在两个分布中间区域的采样

$$\hat{\mathbf{x}} = \varepsilon x_1 + (1 - \varepsilon) x_2$$

将这样采样得到的样本分布记为 $p_{\hat{x}}$,就可以得到最终的loss function,在论文中K取1

$$J(D) = \min_{\theta^d} E_{x \sim p_g}[D(x)] - E_{x \sim p_{data}}[D(x)] + \lambda E_{x \sim p_{\hat{x}}} M_{k}(D(x)) - K]^2$$

论文实验证明, GP可以改善上述问题, 提高训练速度, 加快收敛。

v. 一个比较简单有趣的从零到WGAN-GP的推导

https://kexue.fm/archives/4439_有兴趣可以看看,比较简单,没有上述严格的推导和分析。文章直接没有提Wasserstein距离,而是从判别器需要学习一个距离衡量的角度出发,推导出WGAN-GP,感觉可以用同样的思路来理解loss sensitive GAN