分类号：Q3 单位代码：10343

学 号： XXXXXXX



硕 士 学 位 论 文

**论文题目: XXXXXXXXXXXXXXXXXXX**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **研究生姓名** | ： | 张 三 |
| **学科专业** | ： | 生物学 |
| **类型** | ： | 学术型 |
| **指导教师** | ： | 王 二 研究员 |

**二O二二 年 五 月**

论文题目: **XXXXXXXXXXXXXXXXXXXX**

答辩委员会主席： 李 四 教授

答辩委员会成员： 王 五 研究员

赵 六 研究员

论文答辩日期： 2022 年 5 月 27 日

目录

[中英文缩略词表 1](#_Toc105767079)

[摘要 2](#_Toc105767080)

[Abstract 3](#_Toc105767081)

[**引言** 4](#_Toc105767082)

[1.1 研究背景 4](#_Toc105767083)

[1.2 研究内容和意义 4](#_Toc105767084)

[**材料和方法** 5](#_Toc105767085)

[2.1 实验材料 5](#_Toc105767086)

[2.2 实验方法 5](#_Toc105767087)

[**实验结果** 6](#_Toc105767088)

[4.1 分析概括 6](#_Toc105767089)

[4.2 序列分析 6](#_Toc105767090)

[4.3 小结 6](#_Toc105767091)

[**分析与讨论** 7](#_Toc105767092)

[4.1 RNA-seq分析 7](#_Toc105767093)

[4.2 未来与展望 7](#_Toc105767094)

[**参考文献** 8](#_Toc105767095)

[**附录** 9](#_Toc105767096)

[**致谢** 10](#_Toc105767097)

[**综述** 11](#_Toc105767098)

# 中英文缩略词表

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| 英文简写 | 英文全称 | 中文全称 |
| ATAC-seq | Assay for transposase-accessible chromatin using sequencing | 染色质开放性测序 |
|  |  |  |
|  |  |  |
| ChIP-seq | Chromatin Immunoprecipitation sequencing | 染色质免疫共沉淀技术测序 |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
| WGBS | Whole Genome Bisulfite Sequencing | 全基因组亚硫酸氢盐测序 |

论**文题目（3号黑体字）**

# 摘要

**背景**

研究背景

论文题目用3号黑体字；内容用小4号宋体；总的字数在1500个左右。

论文格式：封面→答辩成员→目录→中文摘要（关键词）→英文摘要（关键词）→引言（前言）→材料与方法→结果→分析与讨论→（小结）→参考文献→（附录）→致谢→综述及参考文献→独创性声明（导师和本人亲笔签名）

**目的**

研究目的

**方法**

研究方法

**结果**

研究结果

**结论：**

研究结论

**关键词：**多组学；发育

**XXXXXXXXX**

# **Abstract**

**Background**

Study background

（论文题目用西文标准3号字体，题目中的实词的第一字母必须大写，虚词一律用小写；内容与中文摘要一致，并用西文标准小4号字体。）

**Objective**

Objective

**Methods**

**Results**

Results

**Conclusion**

Conclusion

**Keywords:** multi-omics

# **引言**

## 研究背景

“引言（前言）、材料与方法、结果、分析与讨论、致谢、综述”等字一律用黑体4号字，内容用小4号宋体，字符间距为标准；行距为20磅。

论文中所用图表均必须清晰，文中引用参考文献号用方括号，括号内用半角阿拉伯数字，为右上标。

## 研究内容和意义

# **材料和方法**

## 实验材料

## 实验方法

# **实验结果**

## 分析概括

概括

## 序列分析

序列

## 小结

我们进行进一步的研究与XXX有关。

# **分析与讨论**

过去研究人员对于生物学问题的研究主要集中在基因层面，XXXX为未来的实验验证提供了一定程度的启示。

## RNA-seq分析

对于普通转录组分析而言，XXX使研究人员对小鼠神经管发育有了更清晰、更动态的认识。

## 4.2 未来与展望

然而，在本研究中，有一些研究结论仍需要未来的工作来更进一步地验证，研究提供更多的见解。

# **参考文献**

[1] LU D C, NIU T, ALAYNICK W A. Molecular and cellular development of spinal cord locomotor circuitry[J/OL]. Frontiers in Molecular Neuroscience, 2015, 8(June): 1-18.

(

参考文献格式：

1、中文：作者姓名（三人以下全部列出，三人以上的列出前三名作者姓名

并加“等”字）.（空一格）论文题目.（空一格）杂志名称（空一格）年份，卷号（期号）：页码(起页—止页)

2、英文：作者姓名（三人以下全部列出，三人以上的列出前三名作者姓名并加“et al”字）.（空一格）论文题目.（空一格）杂志名称（空一格）年份，卷号（期号）：页码(起页—止页)

3、论著：主编，书名，出版社，年份，页码(起页—止页)

)

# **附录**

个人学习经历：

2015.09—2019.07 XXXX 专业：生物技术 本科

2019.09—2022.07 XXXX 专业：生物学 硕士研究生

论文发表情况：

1. **\*XXX**, …. title. *journal*. year (**Co-first author, IF: xxxx**)

(包括在校期间发表的文章（名称、发表期刊、时间）和科研工作的调查表或实验设计方案等。)

# **致谢**

时光荏苒，转眼间研究生三年即将过去。本人在此非常感谢XXXX

最后，衷心地感谢各位专家可以在百忙之中抽出时间对本论文进行审阅、评议并提出宝贵意见。

# **综述**

XXXXXX

**摘要**

成熟是一个漫长的过程，这将有助于我们进一步分析XXX发育的机制。

**关键词：**发育；组学

**1.引言**

XXXX

**2.常见分析的流程和意义**

**2.1 XXX**

**2.2 XXX**

**3.发育概述**

**3.1发育的过程**

**3.2功能**

**4.结论**

本文为未来的实验验证提供了一定程度的指引。

参考文献

[1] BARNES A P, POLLEUX F. Establishment of axon-dendrite polarity in developing neurons[J/OL]. Annual Review of Neuroscience, 2009, 32: 347-381. https://doi.org/10.1146/annurev.neuro.31.060407.125536.

**学位论文独创性声明**

**本人所呈交的学位论文是我在导师的指导下进行的研究工作及取得的研究成果。据我所知，除文中已经注明引用的内容外，本论文不包含其他个人已经发表或撰写过的研究成果。对本文的研究做出重要贡献的个人和集体，均已在文中作了明确说明并表示谢意。**

**作者签名： 日期：**

**关于学位论文使用授权声明**

**本人完全了解温州医科大学有关保留、使用学位论文的规定，学校有权保留学位论文并向国家主管部门或其指定机构送交论文的电子版和纸质版。有权将学位论文用于非赢利目的的少量复制并允许论文进入学校图书馆被查阅。有权将学位论文的内容编入有关数据库进行检索。有权将学位论文的标题和摘要汇编出版。保密的学位论文在解密后适用本规定。**

**日期： 日期：**

**学位论文作者签名： 导师签名：**