Extract ID 0.77 0.77 0.86 0.86 0.86 0.86 0.86 0.88 0.89 0.89 0.89 0.89 0.80 0.80 0.80			<sub>k</sub> &	nac	ped Reads	Unic	The Seage	<b>∠</b> eik	ble Reads	e Reads	e Bases	atget Reliati	he Leade	ne thases						
Site 0.23 0.23 0.18 0.18 0.19 0.19 0.19 0.19 0.19 0.19 0.19 0.19	Extract ID	· ·																		0.85
Total DNA Concentration (ng/ul) 0.04 0.04 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02	Site	0.23	0.23						,											0.3
Endogenous DNA (qPCR - pg/ul) 0.02 0.02 0.06 0.06 0.06 0.06 0.06 0.06	Subspecies	0.04	0.04	0.09	0.09	0.09	0.09	0.09	0.09	0.09	0.09	0.09	0.09	0.15	0.08	0.09	0.09	0.1	0.08	0.1
% Endogenous DNA 0 0 0.14 0.14 0.14 0.14 0.13 0.13 0.13 0.13 0.13 0.14 0 0.15 0.16 0.11 0.11 0.12 (  Average Fragment Size 0 0 0.03 0.03 0.03 0.03 0.03 0.02 0.02	Total DNA Concentration (ng/ul)	0.04	0.04	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.03	0.04
Average Fragment Size 0 0 0 0.03 0.03 0.03 0.03 0.03 0.02 0.02																				0.07
Sequencing Batch 0.18 0.18 0.34 0.34 0.33 0.33 0.32 0.31 0.32 0.31 0.31 0.33 0.09 0.35 0.34 0.31 0.28 0.27 (  Pool 0.03 0.03 0.07 0.17 0.16 0.16 0.15 0.15 0.15 0.15 0.15 0.16 0.01 0.19 0.18 0.11 0.12 0.14 (  Output  Description:			-																	0.08
Pool 0.03 0.03 0.17 0.17 0.16 0.16 0.15 0.15 0.15 0.15 0.15 0.16 0.01 0.19 0.18 0.11 0.12 0.14 (																				0.19
Capture Pool 0.29 0.29 0.45 0.45 0.45 0.45 0.42 0.41 0.42 0.41 0.41 0.45 0.22 0.48 0.45 0.37 0.34 0.35 0																				
	Capture Pool	0.29	0.29	0.45	0.45	0.45	0.45	0.42	0.41	0.42	0.41	0.41	0.45	0.22	0.48	0.45	0.37	0.34	0.35	0.27
Starting DNA (ug) 0.15 0.15 0.08 0.08 0.07 0.07 0.06 0.06 0.06 0.06 0.06 0.07 0.06 0.09 0.06 0.06 0.06 0.06 0.06	Starting DNA (ug)	0.15	0.15	0.08	0.08	0.07	0.07	0.06	0.06	0.06	0.06	0.06	0.07	0.06	0.09	0.06	0.06	0.06	0.06	0.04

8.0

).4

).2

0

-0.2

-0.4

-0.6

-0.8