	Mad Descentage Mad Reads Processage Unique Reads Processage Reliable Reads Processage On Sarget Reads Resident Restoration Confliction Con											A CS DRA A CS DRA A CS DRAIN	(S) O						
	Mapp	ed Reads	Unique Inique	Selce Seson	ntage Reliat	Selce Je Sespe	ntage h	iget Reni	ogt Rev.	htage Perce	Cover	age Ori	inent ro	ie eder	Y County	ge Sens Caphi	re Sens	re Seur	Senis
Extract ID Site	0.77	0.85	0.89	0.31	0.89	0.35	0.91	0.91	0.38	0.26	0.91	0.38	0.79	0.31	0.87	0.85	0.85	0.83	
Subspecies	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.1	0.02	0.06	0.08	0.08	0.07	
Total DNA Concentration (ng/ul)	0	0.01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.01	0.03	0.01	0.02	
Endogenous DNA (qPCR – pg/ul)	0.02	0.01	0.03	0	0.03	0	0.03	0.03	0	0	0.03	0	0	0	0.05	0.07	0.04	0.05	
% Endogenous DNA	0.1	0	0.16	0	0.16	0	0.15	0.15	0	0	0.15	0	0.02	0	0.17	0.13	0.14	0.12	
Average Fragment Size	0	0	0.01	0.01	0.01	0.01	0	0	0.01	0.01	0	0.01	0.03	0.01	0.04	0.04	0.03	0.02	
Sequencing Batch	0.14	0.08	0.08	0.57	0.08	0.53	0.08	0.07	0.51	0.67	0.07	0.51	0.08	0.57	0.06	0.09	0.09	0.04	
Pool	0.16	0.03	0.18	0.05	0.18	0.05	0.16	0.16	0.05	0.03	0.16	0.05	0.06	0.07	0.17	0.14	0.14	0.15	
Capture Pool	0.37	0.12	0.27	0.75	0.27	0.7	0.24	0.23	0.67	0.77	0.23	0.67	0.25	0.77	0.23	0.21	0.22	0.2	
Starting DNA (ug)	0.13	0.01	0.05	0.56	0.05	0.52	0.06	0.05	0.51	0.52	0.05	0.51	0.01	0.56	0.04	0.07	0.07	0.02	
Production Reads	0.56	0.02	0.36	0.21	0.36	0.2	0.33	0.34	0.18	0.12	0.34	0.18	0.01	0.25	0.23	0.19	0.18	0.18	