	Manged Reads Indicate Reads Price Reads Percentage Unique Reads Percentage Reliable											A CS DRA A CS DRA A CS DRAIN	ූ ලබ ලබ						
	Mapp	ed Peads	itage Thiqu	S Search	Relia	Je Peage	ntage i	opt Re On Tal	Selce Gerte	Perce.	Coner	age Or	capti	re Soe	Captu	ie Serr	Captil Se Serr	Captur Re Seri	Servi
Extract ID	0.77	0.85	0.89	0.31	0.89	0.35	0.91	0.91	0.38	0.26	0.91	0.38	0.79	0.31	0.87	0.85	0.85	0.84	
Site	0.2	0.16	0.21	0.08	0.21	0.09	0.21	0.21	0.08	0.06	0.21	0.08	0.19	0.09	0.15	0.17	0.16	0.16	
Subspecies	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.1	0.02	0.06	0.08	0.08	0.08	
Total DNA Concentration (ng/ul)	0	0.01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.01	0.03	0.01	0.02	
Endogenous DNA (qPCR – pg/ul)	0.02	0.01	0.03	0	0.03	0	0.03	0.03	0	0	0.03	0	0	0	0.05	0.07	0.04	0.05	
% Endogenous DNA	0.1	0	0.16	0	0.16	0	0.15	0.15	0	0	0.15	0	0.02	0	0.17	0.13	0.14	0.12	
Average Fragment Size	0	0	0.01	0.01	0.01	0.01	0	0	0.01	0.01	0	0.01	0.03	0.01	0.04	0.04	0.03	0.02	
Sequencing Batch	0.14	0.08	0.08	0.57	0.08	0.53	0.08	0.07	0.51	0.67	0.07	0.51	0.08	0.57	0.06	0.09	0.09	0.04	
Pool	0.16	0.03	0.18	0.05	0.18	0.05	0.16	0.16	0.05	0.03	0.16	0.05	0.06	0.07	0.17	0.14	0.14	0.15	
Capture Pool	0.37	0.12	0.27	0.75	0.27	0.7	0.24	0.23	0.67	0.77	0.23	0.67	0.25	0.77	0.23	0.21	0.22	0.18	
Starting DNA (ug)	0.13	0.01	0.05	0.56	0.05	0.52	0.06	0.05	0.51	0.52	0.05	0.51	0.01	0.56	0.04	0.07	0.07	0.02	
Production Reads	0.56	0.02	0.36	0.21	0.36	0.2	0.33	0.34	0.18	0.12	0.34	0.18	0.01	0.25	0.23	0.19	0.18	0.19	