# Infraestrutura

Versão do Python e ambiente virtual

humberto@humberto-linux:~/Documentos/PROJ/POS\_INFINET/classificacao-nao-supervisionada\$ source /home/humberto/Doc umentos/PROJ/POS\_INFINET/classificacao-nao-supervisionada/venv/bin/activate
 (venv) humberto@humberto-linux:~/Documentos/PROJ/POS\_INFINET/classificacao-nao-supervisionada\$ python --version Python 3.10.6

```
F requirements.txt
1    matplotlib==3.6.2
2    matplotlib-inline==0.1.6
3    numpy==1.24.1
4    pandas==1.5.2
5    scikit-learn==1.2.0
6    scipy==1.9.3
7    seaborn==0.12.2
8
```

# Libs

### **Plot**

```
In [ ]: import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
import matplotlib.cm as cm
```

### Cluster

```
In [ ]: from sklearn.decomposition import PCA
    from sklearn.preprocessing import Normalizer, LabelEncoder
    from sklearn.cluster import KMeans
    from sklearn.metrics import silhouette_samples, silhouette_score
```

# Data manipulation

```
In [ ]: import pandas as pd
import numpy as np
import os
```

## **Data Request**

Out[ ]: <AxesSubplot: >

```
In [ ]: df = pd.read_csv('data/dataset.csv')
```

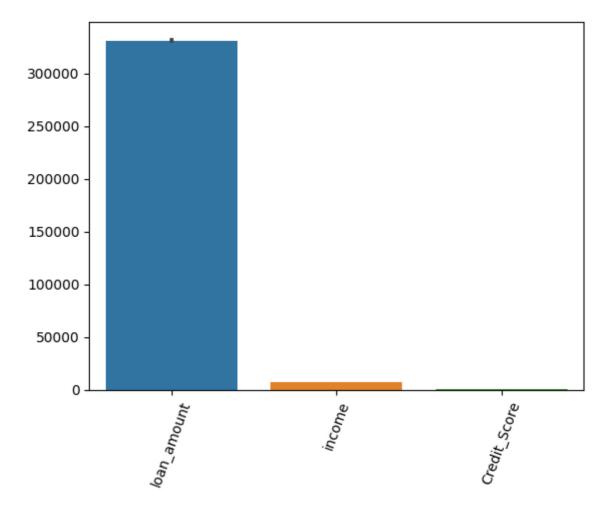
## Escolha da base

- 1- Escolha uma base de dados para realizar o trabalho. Essa base será usada em um problema de clusterização.
  - Dados Bancários de empréstimos
- 2- Escreva a justificativa para a escolha de dados, dando sua motivação e objetivos.

Trabalhar com dados na área de finanças, buscando aumentar meus conhecimentos no ramo, tendo em vista meu campo de atuação em uma empresa do setor financeiro

3- Mostre através de gráficos a faixa dinâmica das variáveis que serão usadas nas tarefas de clusterização.

```
df.describe()
In [ ]:
                 loan_amount
                                    income
                                              Credit_Score
Out[]:
          count 1.486700e+05
                              139520.000000
                                            148670.000000
          mean 3.311177e+05
                                6957.338876
                                               699.789103
            std 1.839093e+05
                                6496.586382
                                               115.875857
           min 1.650000e+04
                                               500.000000
                                   0.000000
           25% 1.965000e+05
                                3720.000000
                                               599.000000
           50% 2.965000e+05
                                5760.000000
                                               699.000000
           75% 4.365000e+05
                                8520.000000
                                               800.00000
                                               900.000000
           max 3.576500e+06 578580.000000
In [ ]:
         plt.xticks(rotation=70)
          sns.barplot(data=df)
```



4- Analise os resultados mostrados. O que deve ser feito com os dados antes da etapa de clusterização?

As variáveis possuem escalas diferentes, necessitando que seje feita a normalização dos dados, bem como a etapa de pre-processamento, a fim de tratar dados nulos, variáveis categóricas, limpeza de dados, análise gráfica, disposição dos valores, entre outros fatores necessários para que seja feita a correta realização da clusterização.

- 5- Realize o pré-processamento adequado dos dados. Descreva os passos necessários.
  - · Leitura dos dados;
  - Análise de variáveis;
  - · Análise gráfica;
  - Tratamento de variáveis categóricas;
  - Tratamento dos dados nulos;
  - Limpeza dos dados;
  - Normalização

# Clusterização

1- Com os resultados em mão, descreva o processo de mensuração do índice de silhueta. Mostre o gráfico e justifique o número de clusters escolhidos.

Foi escolhido o número de cluster igual a 2, devido ao maior valor do índice de silhueta, bem como pelo comportamento da distribuição dos dados.

2 - Compare os dois resultados, aponte as semelhanças e diferenças e interprete.

Kmeans utiliza a técnica do centroid, classificando os pontos de acordo com sua proximidade ao ponto central mais perto. É necessário atribuir o número de cluster manualmente. Dbscan é pautado na ideia de densidade, com uma distância máxima de classificação predefinida. Encontrando assim o número de cluster de forma automática.

3 - Escolha mais duas medidas de validação para comparar com o índice de silhueta e analise os resultados encontrados. Observe, para a escolha, medidas adequadas aos algoritmos.

informação mútua e DBCV. O DBCV não foi possível de implementar, pois ocorreu erros com a biblioteca apresentada no curso, e não foi possível ajustar para os dados utilizados. A métrica informação mútua foi utilizada, porém não obtive resultado significativo, pois os dados não eram rotulados não sendo possível a comparação real, foi utilizado uma comparação entre os rotulos do DBSCAN e KMEANS, resultando em um score baixo, no qual significa que não houve forte associação entre os grupos.

4 - Realizando a análise, responda: A silhueta é um o índice indicado para escolher o número de clusters para o algoritmo de DBScan?

Não, pois no algoritmo do Dbscan o número de cluster é definido automaticamente de acordo com a distância dos pontos.

### Pre-Processamento

```
In []: for col in df.columns:
    print(col)

loan_amount
    income
    Credit_Score
    age

In []: df.describe()
```

```
income
                                         Credit Score
               loan amount
Out[]:
         count 1.486700e+05 139520.000000
                                        148670.000000
         mean 3.311177e+05
                             6957.338876
                                           699.789103
           std 1.839093e+05
                             6496.586382
                                           115.875857
          min 1.650000e+04
                                0.000000
                                           500.000000
          25% 1.965000e+05
                             3720.000000
                                           599.000000
          50% 2.965000e+05
                             5760.000000
                                           699.000000
          75% 4.365000e+05
                                           800.00000
                             8520.000000
          max 3.576500e+06 578580.000000
                                           900.000000
In [ ]:
        df.dtypes
Out[]: loan_amount
                            int64
         income
                          float64
         Credit Score
                            int64
                           object
         age
         dtype: object
In [ ]: | df.nunique()
                           211
Out[]: loan amount
         income
                          1001
         Credit Score
                           401
                             7
         age
         dtype: int64
In [ ]:
        df.isna().sum()
Out[]: loan amount
                             0
         income
                          9150
         Credit Score
                           200
         age
         dtype: int64
In [ ]: df.dropna(inplace=True)
In [ ]: def enconding(df, dumies=False):
             if dumies:
                 return pd.get_dummies(df, columns=['age'])
             lb = LabelEncoder()
             df_encoding = df.copy()
             df_encoding['age'] = lb.fit_transform(df_encoding[['age']])
             return df_encoding
         df encoding = enconding(df)
         /home/humberto/Documentos/PROJ/POS INFINET/classificacao-nao-supervision
         ada/venv/lib/python3.10/site-packages/sklearn/preprocessing/_label.py:11
         6: DataConversionWarning: A column-vector y was passed when a 1d array w
         as expected. Please change the shape of y to (n samples, ), for example
         using ravel().
           y = column_or_1d(y, warn=True)
In [ ]: df encoding
```

Out[ ]:		loan_amoi	unt incon	ne Credit	_Score	age
	0	1165	500 1740	0.0	758	0
	1	2065	500 4980	0.0	552	3
	2	4065	500 9480	0.0	834	1
	3	4565	500 11880	0.0	587	2
	4	6965	500 10440	0.0	602	0
	148665	4365	500 7860	0.0	659	3
	148666	5865	500 7140	0.0	569	0
	148667	4465	500 6900	0.0	702	2
	148668	1965	500 7140	0.0	737	3
	148669	4065	500 7260	0.0	830	2
	139520	rows × 4 c	olumns			
[ ]:		izer = N				
		ormalize malizer				
	_	malizer	- pu.bac	.arraille (C	ia ca_iic	) i ilia
ut[]:		0	1	2		3
c[ ].	0		0.014934		0.0000	
	1			0.002672	0.0000	
	2	0.999726	0.023315	0.002051	0.0000	
	3	0.999661			0.0000	
	4	0.999887	0.014988	0.000864		00
					0.0000	
					0.0000	
		0.999837				
	139515		0.018004	0.001509	0.0000	
	139515 139516	0.999837 0.999925	0.018004 0.012173	0.001509	0.0000	 07 00
	139515 139516 139517	0.999837 0.999925	0.018004 0.012173 0.015452	0.001509 0.000970 0.001572	0.00000	 07 00 04

139520 rows × 4 columns

# Diminuição da dimensionalidade

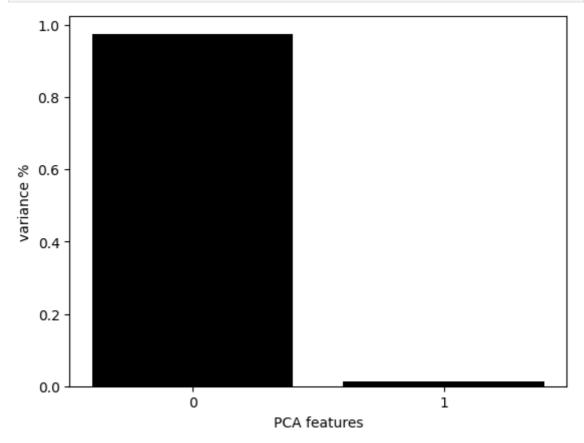
**139519** 0.999838 0.017857 0.002041 0.000005

```
In [ ]: pca = PCA(n_components=2)
    principalComponents = pca.fit_transform(df_normalizer)

features = range(pca.n_components_)
    plt.bar(features, pca.explained_variance_ratio_, color='black')
    plt.xlabel('PCA features')
    plt.ylabel('variance %')
```

```
plt.xticks(features)

PCA_components = pd.DataFrame(principalComponents)
```



### Cluster

```
In [ ]: from sklearn.cluster import DBSCAN
        from DBCV import DBCV
        from sklearn.metrics.cluster import mutual_info_score
        from scipy.spatial.distance import euclidean
        class Clustering:
            def __init__(self, data: pd.DataFrame, range_n_clusters: list = [2]):
                self.X = data
                self.range_n_clusters = range_n_clusters
                self.n clusters = None
                self.centers = None
                self.cluster_labels = None
                self.silhouette_avg = None
                self.sample silhouette values = None
            def start(self, type_method='kmeans'):
                if type method == 'kmeans':
                    for self.n_clusters in self.range_n_clusters:
                        self.handle_kmeans()
                        self.handle silhouettes()
                        self.handle plot()
                else:
                    self.handle_dbscan()
                self.handle silhouettes()
```

```
self.handle plot()
    plt.show()
def handle kmeans(self):
    clusterer = KMeans(n clusters=self.n clusters, n init=10, random
    self.cluster labels = clusterer.fit predict(self.X)
    self.centers = clusterer.cluster centers
def handle dbscan(self):
    clusterer = DBSCAN(eps=0.1, min samples=5)
    self.cluster labels = clusterer.fit predict(self.X)
    serie labels = pd.Series(self.cluster labels)
    index = []
    for label in serie_labels.unique():
        index.append(serie labels[serie labels == label].index.tolist
    self.centers = clusterer.components_[index]
    self.n clusters = serie labels.nunique()
def handle silhouettes(self):
    self.silhouette_avg = silhouette_score(self.X, self.cluster label
    print(
        "For n_clusters =",
        self.n_clusters,
        "The average silhouette_score is :",
        self.silhouette_avg,
    )
    self.sample silhouette values = silhouette samples(self.X, self.d
def score DBCV(self, type method, n cluster):
    self.n_clusters = n_cluster
    if type_method == 'kmeans':
        self.handle_kmeans()
        self.handle dbscan()
    return DBCV(self.X, self.cluster_labels, dist_function=euclidean)
def score_mutual_info(self, n_cluster):
    self.n clusters = n_cluster
    self.handle_kmeans()
    label kmeans = self.cluster labels
    self.handle dbscan()
    label_dbscan = self.cluster_labels
    return mutual_info_score(label_kmeans, label_dbscan)
def handle_plot(self):
    fig, (ax1, ax2) = plt.subplots(1, 2)
    fig.set size inches(18, 7)
    ax1.set_xlim([-0.1, 1])
    ax1.set ylim([0, len(self.X) + (self.n clusters + 1) * 10])
    y lower = 10
    for i in range(self.n clusters):
        ith cluster silhouette values = self.sample silhouette values
        ith cluster silhouette values.sort()
        size cluster i = ith cluster silhouette values.shape[0]
        y_upper = y_lower + size_cluster_i
        color = cm.nipy spectral(float(i) / self.n clusters)
```

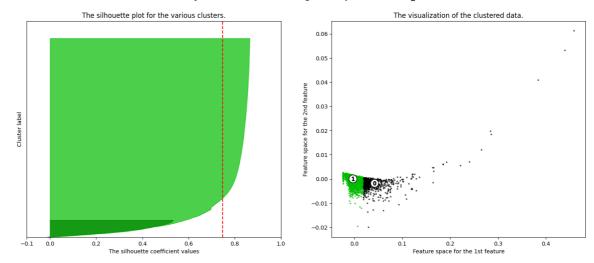
```
ax1.fill betweenx(
        np.arange(y_lower, y_upper),
        ith cluster silhouette values,
        facecolor=color,
        edgecolor=color,
        alpha=0.7,
ax1.set title("The silhouette plot for the various clusters.")
ax1.set xlabel("The silhouette coefficient values")
ax1.set ylabel("Cluster label")
ax1.axvline(x=self.silhouette_avg, color="red", linestyle="--")
ax1.set yticks([])
ax1.set_xticks([-0.1, 0, 0.2, 0.4, 0.6, 0.8, 1])
colors = cm.nipy spectral(self.cluster labels.astype(float) / sel
ax2.scatter(
    # X[:, 0], X[:, 1], marker=".", s=30, lw=0, alpha=0.7, c=colo
    self.X.iloc[:, 0], self.X.iloc[:, 1], marker=".", s=30, lw=0,
ax2.scatter(
    self.centers[:, 0],
    self.centers[:, 1],
    marker="o",
    c="white",
    alpha=1,
    s=200,
    edgecolor="k",
for i, c in enumerate(self.centers):
    ax2.scatter(c[0], c[1], marker="$%d$" % i, alpha=1, s=50, edg
ax2.set title("The visualization of the clustered data.")
ax2.set_xlabel("Feature space for the 1st feature")
ax2.set ylabel("Feature space for the 2nd feature")
plt.suptitle(
    "Silhouette analysis for KMeans clustering on sample data wit
    % self.n clusters,
    fontsize=14,
    fontweight="bold",
)
```

### Silhueta

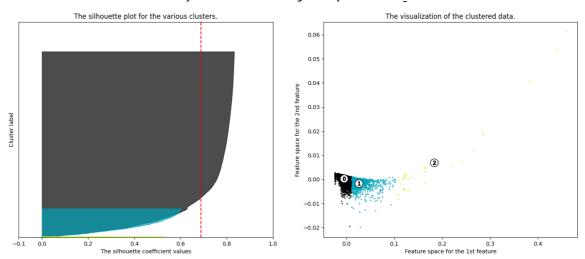
#### **Kmeans**

```
In [ ]: Clustering(PCA_components.sample(10000, random_state=0), [2,3,4,5]).start
For n_clusters = 2 The average silhouette_score is : 0.7484350804553982
For n_clusters = 3 The average silhouette_score is : 0.6893727094026102
For n_clusters = 4 The average silhouette_score is : 0.6106117766095601
For n_clusters = 5 The average silhouette_score is : 0.5532567133649307
For n clusters = 5 The average silhouette score is : 0.5532567133649307
```

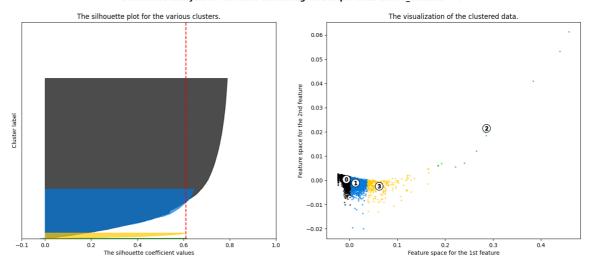
#### Silhouette analysis for KMeans clustering on sample data with $n_c$ lusters = 2



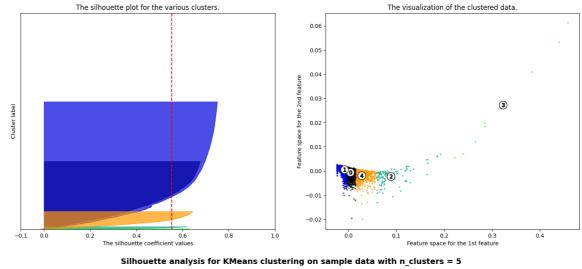
#### Silhouette analysis for KMeans clustering on sample data with $n_c$ lusters = 3

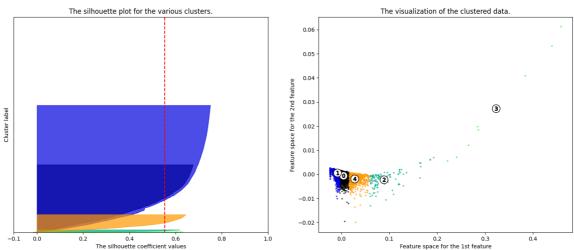


Silhouette analysis for KMeans clustering on sample data with  $n_c$ clusters = 4



#### Silhouette analysis for KMeans clustering on sample data with $n_clusters = 5$



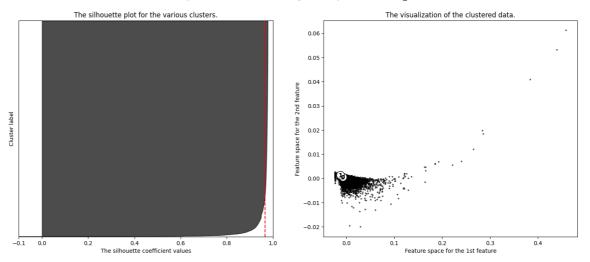


### Dbscan

In [ ]: Clustering(PCA\_components.sample(10000, random\_state=0), [2,3,4,5]).start

For n\_clusters = 2 The average silhouette\_score is : 0.965809951237512

Silhouette analysis for KMeans clustering on sample data with n\_clusters = 2



Informação mútua

```
In [ ]: score_mutual_info = Clustering(PCA_components.sample(10000, random_state=
    print(f'Score informação mútua: {score_mutual_info}')
```

Score informação mútua: 0.0007650768697802022

#### **DBCV**

```
In []: # score_kmeans = Clustering(PCA_components.sample(10000, random_state=0))
# score_dbscan = Clustering(PCA_components.sample(10000, random_state=0))
# print(f'Kmeans score DBCV: {score_kmeans}')
# print(f'Dbscan score DBCV: {score_dbscan}')score_kmeans = Clustering(PC#
# score_dbscan = Clustering(PCA_components.sample(10000, random_state=0))
# print(f'Kmeans score DBCV: {score_kmeans}')
# print(f'Dbscan score DBCV: {score_dbscan}')
print('A classe informada no curso para DBCV está retornando erro para a
```

A classe informada no curso para DBCV está retornando erro para a implem entação utilizada

## Medidas de similaridade

1 - Um determinado problema, apresenta 10 séries temporais distintas. Gostaríamos de agrupá-las em 3 grupos, de acordo com um critério de similaridade, baseado no valor máximo de correlação cruzada entre elas. Descreva em tópicos todos os passos necessários.

#### Passo:

- · Compara as séries em pares
- Mantém uma estática e a outra aplica um offset
- Calcula-se a correlação entre elas ao longo de todo o espaço de tempo adicionando o offset
- Registra o valor de correlção e o offset utilizado
- Identifica o maior valor de correlação e qual o offset foi utilizado
- Ao final da correlação cruzada teremos a maior similaridade para um offset específico
- Esse comparativo é feito entre todas as séries
- · O valor do sinal do offset identifica os sinais como leader-follower
- Separação das séries com maior sincronia
- 2 Para o problema da questão anterior, indique qual algoritmo de clusterização você usaria. Justifique.
  - Dbscan, pois a série temporal tende a comportamento de clusters com forma arbitrária, e não convexa, dificultando a classificação pelo método do Kmeans. Para

esse tipo de dado o dbscan teria melhor desempenho, devido sua característica de classificação por vizinhança.

- 3 Indique um caso de uso para essa solução projetada.
  - Preço de ações
- 4 Sugira outra estratégia para medir a similaridade entre séries temporais. Descreva em tópicos os passos necessários.
  - Outra estratégia seria a utilização do método DTW.

#### Passos:

- · Compara as séries em pares
- Faz a corrensapondencia dos sinais pelas amplitudes
- Montagem da matrix de distância aplicando as regras de custo do algorítimo
- A matriz resultará no cálculo do custo mínimo para os dois sinais terem a maior sincronia
- Pela matrix é possível identificar o leader-follower entre os sinais
- Separação das séries com maior sincronia