Part 2. R 통계분석 (데이터 분석 전문가 양성과정)

07

두 집단의 차이검정

경북대학교 배준현 교수

(joonion@knu.ac.kr)



- 평균검정: *t-test*
 - 평균을 비교할 때 쓸 수 있는 가설검정 방법
 - 단일표본 평균검정: one-sample t-test
 - 표본평균을 가설로 정한 값과 비교
 - 독립표본 평균검정: two-independent-samples t-test
 - 두 집단간의 평균을 비교해서 집단의 차이에 대한 가설검정
 - 대응표본 평균검정: paired-samples t-test
 - 관측값이 서로 쌍을 이루는 경우(예: 사전-사후)에 대한 가설검정





- 단일표본 평균검정: *one sample* t-test
 - 하나의 표본 데이터를 이용하여 모집단의 평균을 검정
 - 표본집단의 평균이 모집단의 평균과 같은가를 검정하고 싶을 때
 - R:t.test(x, mu)
 - x: a numeric vector of data values.
 - mu: a number indicating the *true value of the mean*.





- *H*₀: 호주 대학생 전체의 평균 키는 175cm이다.
- *H*₁: 호주 대학생 전체의 평균 키는 175cm가 아니다.

```
> library(MASS)
> t.test(survey$Height, mu = 175)
       One Sample t-test
data: survey$Height
t = -3.8451, df = 208, p-value = 0.0001602
alternative hypothesis: true mean is not equal to 175
95 percent confidence interval:
 171.0380 173.7237
sample estimates:
mean of x
 172.3809
```



- H_0 : 호주 대학생 전체의 평균 키는 172cm이다.
- *H*₁: 호주 대학생 전체의 평균 키는 172cm가 아니다.
 - > t.test(survey\$Height, mu = 172) One Sample t-test data: survey\$Height t = 0.55913, df = 208, p-value = 0.5767alternative hypothesis: true mean is not equal to 172 95 percent confidence interval: 171.0380 173.7237 sample estimates: mean of x 172.3809



- *H*₀: 호주 대학생 전체의 평균 키는 171cm이다.
- *H*₁: 호주 대학생 전체의 평균 키는 171cm가 아니다.

```
> t.test(survey$Height, mu = 171, conf.level = 0.99)
       One Sample t-test
data: survey$Height
t = 2.0272, df = 208, p-value = 0.04392
alternative hypothesis: true mean is not equal to 171
99 percent confidence interval:
 170.6100 174.1517
sample estimates:
mean of x
 172.3809
```





- H_0 : 호주 대학생 전체의 평균 키는 173cm보다 크지 않다.
- *H*₁: 호주 대학생 전체의 평균 키는 173cm보다 크다.

```
> t.test(survey$Height, mu = 173, alternative = "greater")
       One Sample t-test
data: survey$Height
t = -0.90894, df = 208, p-value = 0.8178
alternative hypothesis: true mean is greater than 173
95 percent confidence interval:
 171,2554
              Tnf
sample estimates:
mean of x
 172.3809
```





- *H*₀: 호주 대학생 전체의 평균 키는 174cm보다 작지 않다.
- *H*₁: 호주 대학생 전체의 평균 키는 174cm보다 작다.

```
> t.test(survey$Height, mu = 174, alternative = "less")
       One Sample t-test
data: survey$Height
t = -2.377, df = 208, p-value = 0.00918
alternative hypothesis: true mean is less than 174
95 percent confidence interval:
     -Inf 173.5063
sample estimates:
mean of x
 172.3809
```





```
> t.height <- t.test(survey$Height, mu = 172)</pre>
> str(t.height)
List of 10
 $ statistic : Named num 0.559
                                             > t.height$statistic
  ... attr(*, "names")= chr "t"
 $ parameter : Named num 208
                                             0.5591299
  ... attr(*, "names")= chr "df"
                                             > t.height$p.value
p.value : num 0.577
                                              [1] 0.5766746
 $ conf.int : num [1:2] 171 174
                                             > t.height$conf.int
  ... attr(*, "conf.level")= num 0.95
                                              [1] 171.0380 173.7237
 $ estimate : Named num 172
                                             attr(,"conf.level")
  ... attr(*, "names")= chr "mean of x"
                                             [1] 0.95
 $ null.value : Named num 172
  ... attr(*, "names")= chr "mean"
 $ stderr : num 0.681
 $ alternative: chr "two.sided"
 $ method : chr "One Sample t-test"
 $ data.name : chr "survey$Height"
 - attr(*, "class")= chr "htest"
```





- 독립표본 평균검정: *two-independent-samples* t-test
 - 두 개의 독립표본 데이터를 이용하여
 - 각각 대응되는 두 개의 모집단평균이 서로 동일한지 검정
 - 두 집단이 서로 차이가 있는지를 검정하는 것과 같은 의미
 - 남녀 간의 영어시험 점수에 차이가 있는가?
 - 흡연자와 비흡연자 간의 폐질환 발생률은 차이가 있는가
 - 고학력자와 저학력자 간의 텔레비전 시청 시간에 차이가 있는가?
 - R:t.test(formula, data, ...)
 - *formula*: a formula of the form lhs ~ rhs.
 - data: a data frame containing the variables in the formula.





- MASS 패키지: cats 데이터셋
 - 고양이의 심장 무게와 몸무게에 대한 데이터(1974년)
 - 변수 3개와 관측값 144개:
 - *Sex*: 고양이의 성별 (F, M)
 - *Bwt*: 고양이의 몸무게 (kg)
 - *Hwt*: 고양이의 심장 무게 (g)





> library(MASS) > ?cats > str(cats) 'data.frame': 144 obs. of 3 variables: \$ Sex: Factor w/ 2 levels "F", "M": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ... \$ Bwt: num 2 2 2 2.1 2.1 2.1 2.1 2.1 2.1 2.1 ... \$ Hwt: num 7 7.4 9.5 7.2 7.3 7.6 8.1 8.2 8.3 8.5 ...



```
> library(stargazer)
> stargazer(cats, type = "text")
Statistic N Mean St. Dev. Min Max
Bwt 144 2.724 0.485 2.000 3.900
Hwt 144 10.631 2.435 6.300 20.500
> with(cats, tapply(Bwt, INDEX=list(Sex), FUN = mean))
2.359574 2.900000
> with(cats, tapply(Hwt, INDEX=list(Sex), FUN = mean))
9.202128 11.322680
```





- H_0 : 고양이의 몸무게는 성별에 따른 차이가 없다.
- H_1 : 고양이의 몸무게는 성별에 따라 차이가 있다.

```
> t.test(formula = Bwt ~ Sex, data = cats)
       Welch Two Sample t-test
```

```
data: Bwt by Sex
t = -8.7095, df = 136.84, p-value = 8.831e-15
alternative hypothesis: true difference in means between group F and group M is
not equal to 0
95 percent confidence interval:
 -0.6631268 -0.4177242
sample estimates:
mean in group F mean in group M
      2.359574 2.900000
```



- H_0 : 고양이의 심장 무게는 성별에 따른 차이가 없다.
- H_1 : 고양이의 심장 무게는 성별에 따라 차이가 있다.

```
> t.test(formula = Hwt ~ Sex, data = cats)
       Welch Two Sample t-test
data: Hwt by Sex
t = -6.5179, df = 140.61, p-value = 1.186e-09
alternative hypothesis: true difference in means between group F and group M is
not equal to 0
95 percent confidence interval:
 -2.763753 -1.477352
sample estimates:
mean in group F mean in group M
      9.202128 11.322680
```

14



- 대응표본 평균검정: paired-samples t-test
 - 독립표본의 가정: 두 개의 표본이 서로 독립인 모집단으로부터 표본추출
 - 두 개의 표본이 서로 독립이 아닌 모집단으로부터 추출
 - 대응표본: 두 표본의 값이 쌍(pair)을 이루고 있는 경우
 - 예) 아침식사가 IQ 테스트 점수에 미치는 영향
 - 독립표본: 무작위로 실험 대상자를 선정하여 두 개의 집단으로 나눔
 - 한 집단은 아침식사를 하고, 다른 집단은 아침식사를 거르고 테스트
 - 대응표본: 무작위로 실험 대상자를 선정: IQ 테스트를 두 차례 실시
 - 한 번은 아침식사를 하고, 다른 한 번은 아침식사를 하지 않고 테스트





- 표준 패키지: *sleep* 데이터셋
 - 약물이 수면 시간에 미치는 영향에 대한 실험 데이터(1959년)
 - 변수 3개와 관측값 20개:
 - *extra*: 수면시간의 증가
 - *group*: 처방된 약물
 - *ID*: 환자의 ID





```
> ?sleep
> str(sleep)
'data.frame': 20 obs. of 3 variables:
$ extra: num 0.7 -1.6 -0.2 -1.2 -0.1 3.4 3.7 0.8 0 2 ...
$ group: Factor w/ 2 levels "1","2": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
 $ ID : Factor w/ 10 levels "1", "2", "3", "4", ...: 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 ...
> sleep
extra group ID
  0.7
2 -1.6 1 2
  -0.2 1 3
  -1.2 1 4
  -0.1 1 5
  3.4 1 6
  3.7 1 7
8
  0.8 1 8
   0.0
10
    2.0
           1 10
..... (이하생략)
```





```
> library(tidyr)
> spread(sleep, key = group, value = extra)
  ID
  1 0.7 1.9
  2 -1.6 0.8
  3 -0.2 1.1
  4 -1.2 0.1
   5 -0.1 -0.1
6
   6 3.4 4.4
   7 3.7 5.5
   8 0.8 1.6
9
   9 0.0 4.6
     2.0 3.4
10 10
```





- H_0 : 약물 복용 전과 복용 후에 환자의 수면시간에는 차이가 없다(약물이 효과가 없다).
- H_1 : 약물 복용 전과 복용 후에 환자의 수면시간에는 차이가 있다(약물이 효과가 있다).
 - > t.test(extra ~ group, data = sleep, paired = TRUE) Paired t-test data: extra by group t = -4.0621, df = 9, p-value = 0.002833alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0 95 percent confidence interval: -2.4598858 -0.7001142 sample estimates: mean of the differences -1.58



>>> 07. 두 집단의 차이검정

- H_0 : 약물 복용 전과 복용 후에 환자의 수면시간에는 차이가 없다(약물이 효과가 없다).
- H_1 : 약물 복용 전과 복용 후에 환자의 수면시간에는 차이가 있다(약물이 효과가 있다).

```
> sleep.wide <- spread(sleep, key = group, value = extra)</pre>
> names(sleep.wide) <- c("ID", "group.1", "group.2")</pre>
> t.test(sleep.wide$group.1, sleep.wide$group.2, paired = T)
       Paired t-test
data: sleep.wide$group.1 and sleep.wide$group.2
t = -4.0621, df = 9, p-value = 0.002833
alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0
95 percent confidence interval:
 -2.4598858 -0.7001142
sample estimates:
mean of the differences
                  -1.58
```

Any Questions?

