实验二频繁模式挖掘

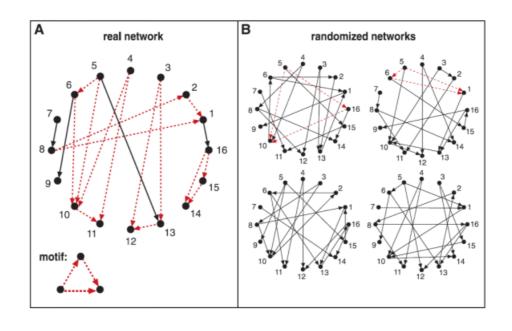
学号: 19049100002 姓名:张泽群 任课老师: 马小科

1. 实验内容

本实验基于现有的频繁子图搜索算法,在确保频繁子图频率精度的条件下提高搜索效率,高效地枚举网络中的所有3阶子图。对网络分析的结果表明,许多网络本质上具有共同的全局性质,如小世界性质和无标度性质。而网络模体则是非常重要的一种网络局部性质。短短几年对网络模体的分析已经取得了大量的研究成果。网络模体是基本的信息处理模块,它们互相配合完成信息处理的工作。然而,模体发现却是一个非常复杂的问题,其中有许多难题需要更深入地研究。

本实验利用蚜虫-巴克纳氏共生体(Buchnera aphidicola)的新陈代谢网络数据集,这是一种研究较为广泛的有向网络。这个新陈代谢网络中的节点代表了生化分子,如蛋白质、脂类、糖、核酸等。网络中的边代表了物质间相互作用的关系,如某一物质经过生化反应生成其他物质。

本实验将数据集转化为邻接矩阵,计算真实网络中13种三元组模体各自出现的个数,然后依据真实网络生成随机网络,并生成100个随机网络,统计这100个随即网络的motif均值,标准差,大于等于和小于等于真实数据集motif的个数,给出Motif数目统计表格,最后实现结果的可视化。



2. 分析及设计

2.1 导入网络数据

我们利用有向图邻接矩阵A来存储网络, 0表示无关联, 1表示有关联。由于数据集中的节点序号是用字符+编码表示, 如'C00016', 实际上节点个数只有270个, 因此我们在导入数据的过程中将节点序号转化为1-270的数字

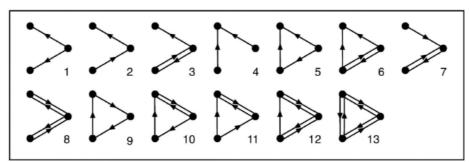
2.2 计算13种三元组模体各自出现的个数

模体 (Motif) 是指序列中局部的保守区域,或者是一组序列中共有的一小段序列模式。 更多的时候是指有可能具有分子功能、结构性质或家族成员相关的任何序列模式。在蛋白质、 DNA、RNA序列中都存在

这里我们根据13种网络的特点,对于三元组motif来说,一共存在3个点和最多6条边,因此在判断三元组motif时,只要根据6条边和13种三元组motif的对应关系即可完成判断,并统计其数量。例如第一个motif的关系为

```
(p2->p1) ==1 \&\& (p2->p3) ==1 \&\& (p1->p2) ==0 \&\& (p1->p3) ==0 \&\& (p3->p1) ==0 \&\& (p3->p2) ==0
```

这里我利用3个循环找出所有满足判断条件的点,最后删除重复的点,即可计算获得三元组模体各自出现的个数。



13 possible 3-nodes subgraphs

2.3 产生与真实网络具有相同规模的随机网络

这里我依照所给的步骤生成与真实网络具有相同规模的随机网络。在重复随机交换链接对时,我把新生成的链接对重新放入边集中,从而得到随机化较好的网络。

Step1. 从真实网络开始,重复随机交换连接对。即: **X1→Y1**, **X2→Y2**替换成 **X1→Y2**, **X2→Y1**。

注: 如果 $X1 \rightarrow Y2$ 或 $X2 \rightarrow Y1$ 已经存在,则不进行交换操作(需要重新随机选择连接对)。

Step2. 重复上述过程,直到得到较好的随机化网络。这里我重复指定次数为100次。



为保证与真实网络具有相同规模, 我编写函数计算随机网络和真实网络各个节点的度, 从而完成验证。

2.4 数据的统计

然后就是简单的数据统计,对每一个随机网络,计算13种三元组模体各自出现的个数,对100个随机网络,计算13种三元组模体各自出现个数的均值、标准差,计算大于等于小于等于真实集的个数。

最后结合这些计算出来的数据,生成一个motif识别结果统计表。

2.5 可视化聚类结果

利用matlab导出所需的聚类结果数据,使用Cytoscape绘制真实网络图和随即网络图。

3.详细实现

实验使用的编程语言为matlab,编程环境为MATLAB R2021b。

3.1 数据预处理

由于matlab的load函数无法导入字符串,我们在txt中利用'替换'功能将所有'C'删除。

3.2 导入网络数据并进行数据处理

```
%% 1.导入蚜虫-巴克纳氏共生体的新陈代谢网络并进行数据处理
load('buc_net_s.txt');

pts_set = unique(buc_net_s); % 获得网络节点集合
pts_number = length(pts_set); % 获得网络节点个数, 为270个

% 重新设置节点的序号: 1-270
for i=1:pts_number
    buc_net_s(buc_net_s==pts_set(i))=i;
end
```

3.3 产生随机网络和计算13种三元组模体各自出现的个数

函数主体部分:

```
%% 3.产生与真实网络具有相同规模的随机网络100个
%% 4. 对每一个随机网络,计算13种三元组模体各自出现的个数

《 存放100个随机网络13种motif数量的数组

[num1_set,num2_set,num3_set,num4_set,num5_set,num6_set,num7_set,num8_set,num9_set,num10_set,num11_set,num12_set,num13_set]=deal(zeros(100,1));

for i=1:100

A_random = random_network(A,buc_net_s,100); % 通过random_network函数生成随机网络,可以指定重复次数

[num1_set(i),num2_set(i),num3_set(i),num4_set(i),num5_set(i),num6_set(i),num7_set(i),num8_set(i),num9_set(i),num10_set(i),num11_set(i),num12_set(i),num13_set(i)]=find_motif13(A_random);
end
```

生成随机网络主体部分:

```
for i=1:repeat num % 可重复指定次数
   rand edge1 = floor(randi(edge number)); % 随机生成两条边的序号
   rand edge2 = floor(randi(edge number));
                                          % 两条边对应的起点和终点
   X1 = edge set(rand edge1,1);
   X2 = edge set(rand edge2,1);
   Y1 = edge set(rand edge1,2);
   Y2 = edge set(rand edge2,2);
   if A random(X1,Y2)==0 && A random(X2,Y1)==0 && X1~=Y2 && X2~=Y1 % 若
起点和终点不相同且新生成的边不存在
       A random(X1, Y2) = 1;
       A random (X2,Y1)=1;
       A random (X1, Y1) = 0;
       A random (X2, Y2) = 0;
       edge_set(rand_edge1,:)=[X1,Y2;]; % 将新边放在边集中
       edge set(rand edge2,:) = [X2,Y1;];
   end
end
```

计算13种模体主体部分:这里删去重复部分是我发现规律后的改进版本,原始版本详见'test motif13.m'

```
for i=1:pts_number % 点 1
for j=1:pts_number % 点 2
for k=1:pts_number % 点 3

if i~=k && i~=j && j~=k % 三点均不相等
```

```
% 6条边状态的13种判断条件
                 if A(j,i) == 1 && A(j,k) == 1 && A(i,j) == 0 && A(k,i) == 0 &&
A(i,k) == 0 & A(k,j) == 0
                     num1=num1+1;
                 elseif A(j,i) == 1 &  A(j,k) == 1 &  A(i,j) == 1 &  A(k,i) == 1
&& A(i,k) == 1 && A(k,j) == 1
                     num13=num13+1;
                 end
            end
        end
    end
end
num1 = num1/2; % 删去重复部分
num4 = num4/2;
num5 = num5/1;
num6 = num6/2;
num8 = num8/2;
num9 = num9/3;
num11 = num11/2;
num13 = num13/6;
```

3.4 数据计算和统计

注:这里计算大于等于小于等于真实集的个数的函数cmp_motif_num比较简单,就不多赘述。

```
%% 5. 对100个随机网络, 计算13种三元组模体各自出现个数的均值、标准差, 计算大于等于小于
等于真实集的个数
% 计算 13种三元组模体各自出现个数的均值
average 3motif =
[sum(num1 set)/100;sum(num2 set)/100;sum(num3 set)/100;sum(num4 set)/100
; sum (num5 set)/100; sum (num6 set)/100; sum (num7 set)/100; sum (num8 set)/100
;sum(num9 set)/100;sum(num10 set)/100;sum(num11 set)/100;sum(num12 set)/
100; sum (num13 set) /100; ];
% 计算 13种三元组模体各自出现个数的标准差
std 3motif =
[std(num1 set);std(num2 set);std(num3 set);std(num4 set);std(num5 set);s
td(num6 set); std(num7 set); std(num8 set); std(num9 set); std(num10 set); st
d(num11 set);std(num12 set);std(num13 set);];
% 计算 13种三元组模体各自出现大于等于真实集的个数
large 3motif =
cmp motif num(ture motif num, num1 set, num2 set, num3 set, num4 set, num5 se
t, num6_set, num7_set, num8_set, num9_set, num10_set, num11_set, num12_set, num1
3 set, 0);
```

% 计算 13种三元组模体各自出现小于等于真实集的个数 small_3motif = cmp_motif_num(ture_motif_num,num1_set,num2_set,num3_set,num4_set,num5_se t,num6_set,num7_set,num8_set,num9_set,num10_set,num11_set,num12_set,num1 3_set,1);

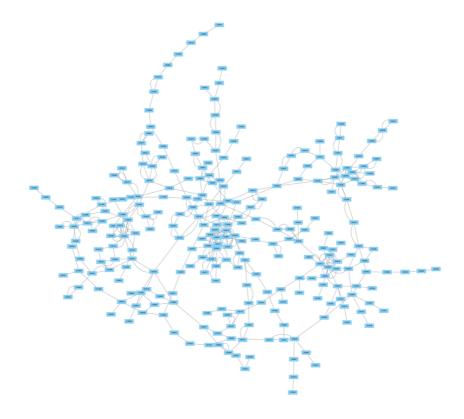
3.5 数据导出

4. 实验结果

1.Motif识别结果统计表

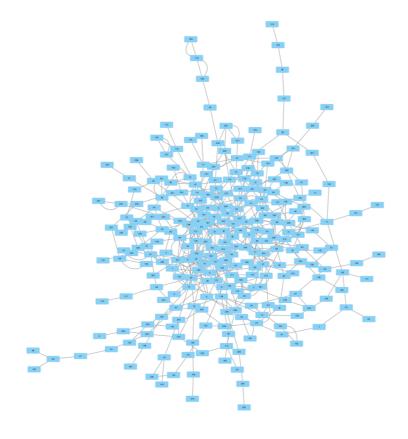
A	В	C	D	E
Motif (真实)	Motif 均值(随机)	Motif 标准差(随机)	≥Motif(真实)的个数	≤Motif (真实) 的个数
69	193. 52	16. 32960997	100	0
143	509. 3	36. 73148541	100	0
114	137. 34	10. 76490745	99	2
64	173. 91	14. 07849209	100	0
1	3. 72	2. 005447128	98	0
0	1. 16	0. 992089927	100	29
86	124. 43	10. 00833491	100	0
154	29. 06	8. 296062106	0	100
0	1.66	1. 273030267	100	22
0	2. 59	1. 682320427	100	8
1	1.68	1. 254325848	85	51
5	3. 32	1. 656819394	26	92
10	0. 71	0. 795124029	0	100

2.真实网络图



3.随机网络图

该网络图为100次交换后的随即网络图,在'实验结果图'文件夹中还有200次的。



总结:完成设计方案内容,通过调试,整体完成度较高。但存在的问题是并不知道实验结果的正确性。

5. 心得体会

本次实验的研究学习,我了解到了一种较为简单的频繁模式挖掘算法,对课本上的知识也有了亲身实践,理解更为深入。

对于本次实验也存在一些问题,第一是频繁子图搜索的过程较为笨拙,为枚举网络中的所有3阶子图,只能用于数据较少的情况,第二是我无法判断得出随机网络和motif识别结果统计表的正确性,这是比较苦恼的部分。

6. 源程序与文件附录

源程序:

- 1. task2.m (主函数)
- 2. find motif13.m (用于计算13种模体的函数, 简化版本)
- 3. **test_motif13.m** (用于计算13种模体的函数,原始版本)。
- 4. random_network.m (用于产生随机网络的函数)
- 5. **cmp_motif_num.m** (用于计算13种三元组模体各自出现大于等于或小于等于真实集的个数)
- 6. or_number.m (用于计算相似度S, 计算两个节点邻居节点的并集)
- 7. getDegree.m (用于计算网络各节点的度,验证网络规模是否相同,主函数中未用到)

其余文件:

- 1. buc net s.txt (实验数据)
- 2. draw_data_edge_100.xls (交换次数为100次的, Cytoscape画图数据)
- 3. draw_data_edge_200.xls (交换次数为200次的, Cytoscape画图数据)
- 4. motifResult.xls (Motif数目统计表格)
- 5. data.mat (导入该数据可以获得上述实验效果)
- 6. 剩余实验结果截图和cys文件均在'实验结果图'文件夹中