**Algorithme de traduction**

1. **Transcription et traduction**
   * La Transcription commence par code un d’initiation ATG et se termine par un des codons « stop ».
   * Entre les deux on a une succession de triplets.
   * A chaque triplet on associe un acide aminé, on obtient ainsi une succession d’acide aminé.
2. **Un algorithme de traduction**
   * Pour chaque triplet de la séquence en entrée, on va le rechercher dans le tableau qui implémente le code génétique et retrouver l’acide aminé correspondant.
   * Ajouter la lettre associée à l’acide aminé à l’extrémité de la séquence protéique.
   * On obtient donc une chaîne de caractère écrite dans un alphabet de 20 caractères avec le # indiquant la fin de la chaîne.

Puis explication technique spécifique sur la manière de terminer l’algorithme exploitable que plus tard dans le projet.