HUMBOLDT-UNIVERSITÄT ZU BERLIN



Molekulare Mikrobiologie

Versuchsdurchführende Huyen Anh Nguyen (572309)

> Versuchsort Haus 14, Kursraum Gruppe 4

Versuchsleiter Prof. Dr. Marc Erhardt

Versuchsbetreuer Dr. Caroline Kühne Heidi Landmesser

Abgabe 31. Januar 2025

Contents

1	Note from the Author						
2	Insertion mutagenesis using the transposable element T-Pop 2.1 Einleitung	3 3 4 4					
3	The Luria-Delbrück fluctuation test 3.1 Einleitung	5 5 5 5					
4	Phenotypic analysis of type-III protein secretion 4.1 Analysis of protein secretion via the fT3SS in Salmonella mutants using SDS-PAGE and western blot 4.1.1 Einleitung 4.1.2 Methode 4.1.3 Ergebnis 4.1.4 Diskussion 4.2 Luciferase assay to measure gene expression 4.2.1 Einleitung 4.2.2 Methode 4.3 Motility assay to analyze the swimmng behavor of Salmonella mutants 4.3.1 Einleitung 4.3.2 Methode 4.3.3 Ergebnis 4.3.4 Diskussion	6 6 6 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8					
5	Dissecting the regulatory mechanism of an unknown flagellar regulator 5.1 Einleitung	9 9 9 9					
6	Anhang	10					

Note from the Author

Ich erkläre ausdrücklich, dass ich die Anmerkungen zur Anfertigung des Protokolls gelesen und befolgt habe, dass es sich bei der von mir eingereichte Arbeit um eine von mir erstmalig, selbstständig ohne fremde Hilfe verfasste Arbeit handelt und dass ich sämtliche verwendete zulässige Literatur (Fachpublikationen/-bücher), die unverändert oder abgewandelt wiedergeben werde, insbesondere Quellen für Texte, Grafiken, Tabellen und Bilder als solche kenntlich gemacht habe.

Mir ist bewusst, dass Verstöße gegen diese Grundsätze als Täuschung betrachtet und entsprechend der Prüfungsordnung und/oder der Fächerübergreifenden Satzung zur REglung von Zulassung, Studium und Prüfung der Humboldt-Universität zu Berlin geahndet werden.

Insertion mutagenesis using the transposable element T-Pop

2.1 Einleitung

2.2 Methode

In Table 2.1 wurden die in dem Versuch verwendete Biologisches Material aufgeführt.

Table 2.1: Verwendete biologische Material für die Insertion von Mutagene mittels eines T-Pop Transposon.

Biologisches Material	Stamm	Phänotyp
P22 Phagen Lysat	TH3468	$\mbox{F'128 (pro-lac)}$ zzf-3834::Tn10dTc[del-20 del-25] (T-POP3) / proAB4
Recipienten Salmonellazellen	EM8052	MvP103 sseC::aphT (Km R) fljB23028::MudJ-Cm (Km in MudJ replaced by FCF)/ pNK2880 (Ap R)

Tag 1: 13.11.2024

Es wurde wie im Skript¹ drei verschiedene Probe-Lösungen auf den LB-Agarplatten ausplattiert: Recipientenzellen mit dem Phagenlysat (drei Replikate), Recipientenzellen mit PBS-Puffer (Phosphatpuffer)und Phagenlysat mit PBS-Puffer.

Die Platten wurden über Nacht bei 37°C inkubiert

Taq 2: 14.11.2024

Die drei Platten mit den Recipientenzellen und Phagenlysat wurde wie im Skript¹ auf MacConkeylactose Platten mit Tetracyclin(abgekürzt: Mac-Lac-Tc) und MacConkey-lactose Platten ohne Tetracyclin(abgekürzt: Mac-Lac) mittels Replikationsstempel repliziert. und über Nacht bei 37°C inkubiert.

Tag 3: 15.11.2024

Kolonien der jeweiligen Platten wurden ermittelt und den Phänotyp bestimmt.

2.3 Ergebnis

Table 2.2: Mittelwert von der Table 6.1. Der Transposon T-POP wurde mit dem Phagenstamm TH3468 in die Salmonella-Recipientenstamm EM8052 in den Genom eingefügt. Hier wurde der Mittelwert der Anzahl der Gene ermittelt, die durch die Insertion betroffen sind.

#TcR	Lac ⁻	lac ⁻ (beide Platten)	Tc-depLac	Tc-dep.Lac ⁺	Ratio: $\frac{Lac^-}{\#TcR}$	Genes affected
130	2	1.5	0.5	0	2/130	72

2.4 Diskussion

The Luria-Delbrück fluctuation test

3.1 Einleitung

3.2 Methode

Table 3.1: Verwendete biologische Material für die den Luira-Delbrück Fluktationstest. Die Stämme wurden in E25-Medium (E Salz Minimal Medium mit 0.0025~% Glukose) kultiviert bevor es im Versuch in E1000 kultiviert wurde.

Biologisches Material	Stamm	Phänotyp
Salmonella Wildtyp	EM7653	$MvP103$ sseC::aphT (Km^R) wildtype
Salmonella Mutant	EM8021	MvP103 sseC::aphT (Km R)

3.3 Ergebnis

3.4 Diskussion

Phenotypic analysis of type-III protein secretion

4.1 Analysis of protein secretion via the fT3SS in Salmonella mutants using SDS-PAGE and western blot

4.1.1 Einleitung

4.1.2 Methode

Table 4.1: Salmonella-Stämme die für den Versuch der Analyse der Sekretionsprotei mittels SDS-PAGE und Western Blot verwendet wurde.

Biologisches Material	Stamm	Phänotyp
Salmonella Wildtyp	EM8016	MvP103 sseC::aphT (Km R) Δ hin5717::FRT (fliC-ON)
Salmonella Mutant	EM8035	MvP103 sseC::aphT (Km R)

4.1.3 Ergebnis

4.1.4 Diskussion

4.2 Luciferase assay to measure gene expression

4.2.1 Einleitung

4.2.2 Methode

Table 4.2: Salmonella-Stämme die für den Luciferase Assay verwendet wurde.

Biologisches Material	Stamm	Phänotyp
Salmonella Wildtyp 1	EM8009	pRG38 (P_{flhD} -luxCDABE; Tc^R)
Salmonella Wildtyp 2	EM8008	pRG52 (P_{flhB} -luxCDABE; Tc^R)
Salmonella Wildtyp 3	EM8007	pRG19 (P_{motA} -luxCDABE; Tc^R)
Salmonella Mutant 1	EM8044	$\Delta {\rm flgE} 22964 :: {\rm FCF} \ / \ {\rm pRG} 38 \ ({\rm P}_{flhD} \text{-luxCDABE}; \ {\rm Tc}^R)$
Salmonella Mutant 2	EM8045	$\Delta {\rm flgE} 22964 :: {\rm FCF} \ / \ {\rm pRG} 52 \ ({\rm P}_{flhB} \text{-luxCDABE}; \ {\rm Tc}^R)$
Salmonella Mutant 3	EM8043	$\Delta {\rm flgE22964::FCF}$ / pRG19 (P $_{flhB}$ -luxCDABE; ${\rm Tc}^R)$

4.3.1 Einleitung

4.3.2 Methode

Table 4.3: Salmonella-Stämme die für den Luciferase Assay verwendet wurde.

Biologisches Material	Stamm	Phänotyp
Salmonella Wildtyp	EM8016	MvP103 sseC::aphT (Km ^{R}) Δ hin5717::FRT (fliC-ON)
Salmonella Mutant 1	EM8033	$\begin{array}{ll} \text{MvP103 sseC::aphT } (\text{Km}^R) \\ \Delta \text{hin5717::FRT} & (\text{fliC-ON}) \\ \Delta \text{fliT5758::FCF} \end{array}$
Salmonella Mutant 2	EM8034	$\begin{array}{ll} \text{MvP103 sseC::aphT } (\text{Km}^R) \\ \Delta \text{hin5717::FRT} & (\text{fliC-ON}) \\ \Delta \text{fliS5728::FRT} \end{array}$
Salmonella Mutant 3	EM8035	$\begin{array}{ll} \text{MvP103 sseC::aphT } (\text{Km}^R) \\ \Delta \text{hin5717::FRT} & (\text{fliC-ON}) \\ \Delta \text{fliP6659::tetRA} \end{array}$
Salmonella Mutant 4	EM8036	$\begin{array}{ll} \text{MvP103 sseC::aphT } (\text{Km}^R) \\ \Delta \text{hin5717::FRT } (\text{fliC-ON}) \\ \Delta \text{fliC7715::tetRA} \end{array}$

4.3.3 Ergebnis

4.3.4 Diskussion

Dissecting the regulatory mechanism of an unknown flagellar regulator

- 5.1 Einleitung
- 5.2 Methode
- 5.3 Ergebnis
- 5.4 Diskussion

Anhang

Table 6.1: Der Transposon T-POP wurde in die Recipientenzellen des Stammes EM8052 (Table 2.1) über Nacht mit einem Phagenlysat TH3468 (Table 2.1) transduziert. Anzahl der Kolonien von Gruppe 1-8, die auf MacConkey-lactose Platten mit Tetracyclin und MacConkey-lactose Platten ohne Tetracyclin gewachsen sind, wurden bestimmt und die Anzahl der betroffene Gene ermittelt.

Gr.	#TcR	Lac ⁻	lac ⁻ (beide Platten)	Tc-depLac	Tc-dep.Lac ⁺	Ratio: $\frac{Lac^-}{\#TcR}$	Genes affected
1	246	5	3	2	0	5/246	81
2	77	1	0	0	1	1/77	52
3	115	1	1	0	0	1/115	35
4	93	2	1	1	0	2/93	86
5	33	1	1	0	0	1/33	121
6	95	0	0	0	0	NA	NA
7	106	1	1	0	0	1/106	38
8	274	6	5	1	0	6/274	88

Bibliography

 $^{1}\,\mathrm{Dr.}$ Caroline Kühne. Skript modul mb
22 - praktikum molekulare mikrobiologie, 2024.