[R] R 사용자 정의 함수(FUNCTION)와 데이터 전처리를 위한 기본적인 함수

노트북: [TIL-MY]

만든 날짜: 2020-07-25 오후 5:59

URL: https://continuous-development.tistory.com/38

나무늘보의 개발 블로그

홈 태그

#함수

- FUNCTION?

분류 전체보기 🔟

Python

Database

ASP.NET

Algorithm

Deep learning

function이란, 영어 뜻 그대로 **사용자 정의 함수**를 정의하는 함수를 말한다. 사용자가 원하는 형식의 함 수를 만들어 반복적으로 사용 할 수 있다.

기본 형태는 다음과 같다.

```
Func(함수 이름) <- function(매개변수){}
```

#함수정의

newSumFunc 라는 함수를 사용자가 정의해 준다. 매개변수를 x와 y를 받고 이 매개변수 를 더해서 result에 저장을 한 후 반환해주는 함수 형태이다.

```
> #함수 정의
> newSumFunc ← function(x,y){
+ result ← x+y
+ return (result)
+ }
>
> resultSum ← newSumFunc(5,4)
> resultSum
[1] 9
> |
```

#가변함수

AWS

ETC..

R 🔟

공지사항

글 보실 때 주의사 항

: **최근글** : 인 기글

[R] R 사...



2020.07.25

[R] R 로 ...



2020.07.24

[R] R 에...



2020.07.24

[R] R 에 ...



2020.07.23

[R] R 에 ...



2020.07.23

최근댓글

태그

R 배열, 행렬,

R IF, substr,

Oracle SQL, SQL,

아래와 같은경우 function(...) 으로 할경우 변수를 원하는 만큼 넣을 수 있다.

```
158 #가변함수 - 매개변수의 개수가 가변적인 함수
159 ▼ varFunc ← function(...){
        args ← list(...) #몇개가 들어올지 몰라서 리스트로 받는다.
  160
  161
         result ← 0
        for(idx in args){
           result ← result + idx
         return (result)
  167
  168 varFunc(1)
      varFunc(1,2)
varFunc(1,2,3,4)
  169
  170
 171:1 (Top Level) $
Console Terminal X
> varFunc(1)
[1] 1
> varFunc(1,2)
[1] 3
[1] 10
```

#파생변수 - 기존의 변수들에서 새로 운 변수를 추가해 만들어준다.

만들고 싶은 컬럼명에 값을 넣어준다.

stock\$diff <- 라는 컬럼명을 만들고 값을 넣어준다.

사용법, do.call, sample 함수, array 함수, 인스턴스, R 정규표현식 사 용법, cbind, rownames, 설정, rbind함수, arrange 함수, R제어문, Oracle, cbind함수, matrix함수, 날짜함수, R 정규표현식, DDL, R FOR, AWS, 테이블 생성, unlist함수, colnames, rbind

전체 방문자

114

Today: 10 Yesterday: 3

예제

#while(논리값) {} - 논리값이 True가 될때 까지 계속 반복한다.

```
while(){
```

```
while(조건식){
원하는 로직
}
```

```
> idx ← 1
> while(idx ≤ 10){
+ print(idx)
+ idx=idx+1
+ }
[1] 1
[1] 2
[1] 3
[1] 4
[1] 5
[1] 6
[1] 7
[1] 8
[1] 9
[1] 10
> |
```

```
> #1~100의 사이에 5의 배수만 출력하고 싶다면?
> idx ←1
> while( idx ≤ 100){
+ if(idx %% 5 ==0){
+ print(idx)
+ }
+ idx ← idx + 1
+ }

[1] 5
[1] 10
[1] 15
[1] 20
[1] 25
[1] 30
[1] 35
[1] 40
[1] 45
[1] 50
[1] 55
[1] 60
[1] 55
[1] 60
[1] 55
[1] 70
[1] 75
[1] 80
[1] 85
[1] 90
[1] 95
[1] 100
```

#next 해당 명령을 만나면 이 위치에서 더 진행되지 않고 반복문으로 보낸다.

#break 문을 만나면 해당 루프를 빠져나온다.

```
> #mext(continus) , break
> #호수만 출력
> idx ← 0
> while(idx ≤ 10){
+ idx ← idx + 1
+ if(idx%2≠0){
+ print(idx)
+ }
+ }

[1] 1
[1] 3
[1] 5
[1] 7
[1] 9
[1] 10
> #작수만 출력
> idx ← 0
> while(idx ≤ 10){
+ idx ← idx + 1
+ if(idx%2≠0){
+ next
+ }
+ print(idx)
+ }

[1] 2
[1] 4
[1] 6
[1] 8
[1] 10
> #break
> idx ← 0
> while(idx ≤ 10){
+ idx ← idx + 1
+ if(idx%2≠0){
+ next
+ }
+ print(idx)
+ }

| 10 | 2 |
| 11 | 4 |
| 12 |
| 13 | 4 |
| 14 |
| 15 | 6 |
| 16 | 7 |
| 17 | 7 |
| 18 |
| 19 | 9 |
| 10 | 9 |
| 10 | 9 |
| 10 | 9 |
| 10 | 10 |
| 10 | 10 |
| 10 | 10 |
| 11 | 10 |
| 11 | 10 |
| 11 | 10 |
| 11 | 10 |
| 12 |
| 13 |
| 14 |
| 15 |
| 16 |
| 17 |
| 18 |
| 19 |
| 19 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 11 |
| 11 |
| 12 |
| 13 |
| 14 |
| 15 |
| 16 |
| 17 |
| 17 |
| 18 |
| 19 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 11 |
| 11 |
| 12 |
| 13 |
| 14 |
| 15 |
| 16 |
| 17 |
| 17 |
| 18 |
| 19 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 11 |
| 11 |
| 12 |
| 13 |
| 14 |
| 15 |
| 16 |
| 16 |
| 17 |
| 18 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10 |
| 10
```

#NA 처리(na.rm=T , na.omit , na,pass, na.fail)

```
> # NA 처리
> NA & T
[1] NA
> 
> # 문제를 해결하기 위해서
> sum(c(1,2,3,NA))
[1] NA
> sum(c(1,2,3,NA), na.rm=T)
[1] 6
> mean(c(1,2,3,NA), na.rm=T)
[1] 2
> 
> # package::caret
> # na.omit(), na.pass(), na.fail()
> 
> na.omit(c(1,2,3,NA)) #결촉치를 제거하고 반환한다.
[1] 1 2 3
attr(,"na.action")
[1] 4
attr(,"class")
[1] **omit"
> na.pass(c(1,2,3,NA)) #모든걸 출력한다.
[1] 1 2 3 NA
> na.fail(c(1,2,3,NA)) #결촉치가 있으면 NA를 반환한다.
Error in na.fail.default(c(1,2,3,NA)) : 객체안에 결촉값들이 있습니다
> |
```

#merge(value1,value2) -데이터의 순서가 다르더라도 키를 기준으로 bind 해준다.

##doBy pacakage

#summary(value) - 요약해서 나타내 는 함수

```
> # doBy pacakge - 특정 값에 따라 테이터를 처리하는 유용한 함수들
> # summaryBy(), orderBy(), splitBy()
>
> summary(iris)
Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Min. :0.100 setosa :50
1st Qu.:5.100 lst Qu.:2.800 Min. :1.600 lst Qu.:0.300 versicolor:50
Median :5.800 Median :3.000 Median :4.350 Median :1.300 virginica :50
Mean :5.843 Mean :3.057 Mean :3.758 Mean :1.199
3rd Qu.:6.400 3rd Qu.:3.300 Max. :7.900 Max. :7.900 Max. :4.400 Max. :6.900 Max. :2.500
>
> # 자료의 문포 quantile()
> quantile(iris$Sepal.Length)
0% 25% 50% 75% 100%
4.3 5.1 5.8 6.4 7.9
> quantile(iris$Sepal.Length), seq(0,1,by=0.1))
0% 10% 20% 30% 40% 50% 60% 70% 80% 90% 100%
4.30 4.80 5.00 5.27 5.60 5.80 6.10 6.30 6.52 6.90 7.90
```

#summaryBy() - 평균값을 볼수 있다.

```
> # summaryBy() - 평균값을 볼수 있다.
> #원하는 컬럼의 값을 특경 조건에 따라 요약하는 목적
> ?summaryBy
> summaryBy(Sepal-Length ~ Species, iris) # Species 기준으로 Sepal-Length의 평균을 구해준다
Species Sepal-Length.mean
1 setosa 5.006
2 versicolor 5.936
3 virginica 6.588
```

#orderby() - 원하는 기준에 따라 정 렬할 수 있다.

```
# orderBy() - 원하는 기준에 따라 정렬할 수 있다.
  # 정렬
> orderBy(~Species , iris)
    Sepal-Length Sepal-Width Petal-Length Petal-Width
                                                        Species
                    3.5 1.4
            5.1
                                                         setosa
                                                 0.2
2
3
4
5
6
7
8
9
             4.9
                         3.0
                                      1.4
                                                 0.2
                                                         setosa
            4.7
                        3.2
                                     1.3
                                                 0.2
                                                         setosa
                                     1.5
            4.6
                         3.1
                                                 0.2
                                                         setosa
             5.0
                         3.6
                                      1.4
                                                 0.2
                                                         setosa
                         3.9
             5.4
                                      1.7
                                                 0.4
                                                         setosa
             4.6
                         3.4
                                                 0.3
                                                         setosa
                                      1.4
             5.0
                         3.4
                                      1.5
                                                 0.2
                                                         setosa
             4.4
                         2.9
                                                         setosa
             4.9
                         3.1
                                      1.5
                                                  0.1
                                                         setosa
```

#order() - 주어진 값을 정렬했을때의 색인 순서대로 반환

#sample(value,개수,[replace =T]) -샘플에 따라서 추출하는 함수 (replace 옵션에 따라 복원 비복원이 나뉜다.)

```
> #sample()
> #복원추출 - 값을 추출 했을때 다시 복원하고 추출하는 방식
> #비복원추출 - 값을 추출했을때 복원하지않고 추출 된 상태에서 추출하는 방식
> ?sample
>
> sample(1:10, 5) #비복원 추출
[1] 3 5 4 9 6
> sample(1:10, 5,replace=T) #복원 추출
[1] 7 6 9 9 3
```

#sampleBy(기준, 추출할 샘플의 비율, 데이터) - 데이터를 그룹으로 묶은 후 각 그룹에서 샘플을 추출하는 함수

```
261 #sampleBy(기준, 추출할 샘플의 비율, 데이터) - 데이터를 그룹으로 묶은 후 각 그룹에서 샘플을 추출하는 함수
263 *sampleBy( > Species , frac =0.2 , data = iris)
264 train ← sampleBy( ~Species , frac =0.8 , data = iris)
265 test ← sampleBy( ~Species , frac =0.8 , data = iris)
268 test ← sampleBy( ~Species , frac =0.8 , data = iris)
```

#split(data,분류기준) - 데이터를 특 정조건에 맞춰서 나눈다.

```
split(data , 분류기준 )- 데이터를 특정 조건에 맞춰서 나눈다.
  # 반환값 list
# lapply, sapply
> #iris를 Species 기준으로 나눠라
> split(iris, iris$Species)
$setosa
   Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
                          3.5
                                        1.4
             4.9
                          3.0
                                        1.4
                                                     0.2
                                                          setosa
2
3
4
5
6
7
8
9
             4.7
                          3.2
                                                     0.2
                                                          setosa
             4.6
                          3.1
                                        1.5
                                                     0.2
                                                           setosa
             5.0
                          3.6
                                                     0.2 setosa
             5.4
                          3.9
                                        1.7
                                                     0.4
                                                          setosa
             4.6
                          3.4
                                        1.4
                                                     0.3 setosa
             5-0
                          3.4
                                         1.5
                                                     0.2 setosa
0.2 setosa
                          2.9
```

#filter(data , 조건) : 조건에 따라 행을 추출

```
> # filter(data , 조건) : 조건에 따라 행을 추출
> ?dolpyr::filter()
> # glig 데이터를 추출
> filter(tbl.df(fiflights), Month = 1 & DayofMonth = 1)
# A tibble: 557 × 21

Year Month DayofMonth DayofMeek DepTime ArTime UniqueCarrier FlightNum TailNum ActualElapsedTi~ AirTime

**Canto dinto dinto, dinto dinto dinto, dinto dinto dinto dinto dinto, dinto din
```

#arrange(data,정렬할 변수명) -정렬 함수 (기본 오름차순)

```
> #내일자순 경쟁
> arrange( hflights ,desc(Month) )
Year Month DayofMonth DayofMon
```

#select(data,조건) - 열에 대한 추출

```
351

352 #select() - 열에 대한 추출

353 #mutate() - 열 추가

354 #select(), [3:4], '-' 지정한 열 제외

355 select(hflights, Year, Month, Dayof Month)

356 select(hflights, Year: Dayof Month)

hflights

358 #Year부터 DayOf Week 를 제외한 열을 추출

359 select(hflights, -c(Year: DayOf Week))

360 select(hflights, -(Year: DayOf Week))
```

#mutate() - 열 추가

```
363  # ArrDelay → peopletay → gain | flights | flights
```

transform() - 열 추가

```
370
371 #transform() - 열 추가 / 파생변수를 사용하지 못한다.
372
373 transform(flightDF,
374 gain = ArrDelay - DepDelay,
375 gain_per_hour = gain / (AirTime/60))
376
377
```

summarise() - 기초 통계량(mean, sd(표준편차), var, median(중위값)) 을 구할 수 있다.

#예제

#chain()- 다른 구문을 연결해준다 (%>%)

adply() - a(배열)을 받아 d(데이터 프레임)으로 반환하는 함수

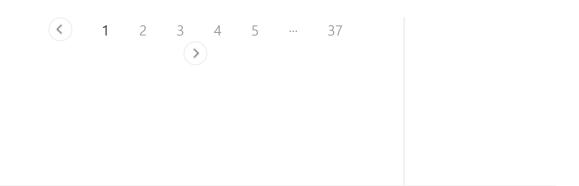
```
### 456 # adoly() - 이 세가지를 한번에 쓰는 함수
### 457 # 데이터 본말(split)
### 458 # apoly|
### 469 # combine
### 463 # Sepal.Length 가 5.0 이상이고 Species가 setosa인지 이부를 확인한 다음 그 결과를 세로운 결립 V1에 기록한다면?
### 465 Sepal.Length 가 5.0 이상이고 Species가 setosa인지 이부를 확인한 다음 그 결과를 세로운 결립 V1에 기록한다면?
### 465 Sepal.Length 가 5.0 이상이고 Species가 setosa인지 이부를 확인한 다음 그 결과를 세로운 결립 V1에 기록한다면?
### 465 Sepal.Length 가 5.0 이상이고 Species가 setosa인지 이부를 확인한 다음 그 결과를 세로운 결립 V1에 기록한다면?
### 465 Sepal.Length 가 5.0 이상이고 Species가 setosa인지 이부를 확인한 다음 그 결과를 세로운 결립 V1에 기록한다면?
### 466 Sepal.Length 가 5.0 이상이고 Species가 journal ### 455 Sepal.Length 가 5.0 & row/Species = "setosa" ) )
### 467 ### 468 ### 468 ### 468 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 ### 569 #
```

(1)

태그



댓글 0



TEL. 02.1234.5678 / 경기 성남시 분당구 판교역로 © Kakao Corp.

