Metodi del calcolo scientifico

Compressione di immagini con DCT

Volpato Mattia 866316 * Stefano Andreotti 851596 †

Appello di Giugno 2024

^{*}m.volpato 4@campus.unimib.it

 $^{^{\}dagger}$ s.andreotti7@campus.unimib.it

Contents

1	Prima parte - DCT2 benchmark				
		Obiettivo			
	1.2	Libreria			
	1.3	Implementazioni			
	1.4	Benchmark			
		1.4.1 Matrici e modalità di utilizzo			
		1.4.2 Risultati			
2	Sec	onda parte - Compressione di immagini			
		Obiettivo			
		Formato JPUG			
	2.3	Architettura di sistema			
	2.4	Esperimenti			

1 Prima parte - DCT2 benchmark

1.1 Obiettivo

In questa prima parte dell'elaborato si richiede di fornire una propria implementazione dell'algoritmo *DCT2* (Discrete Cosine Transform 2-dimensional) in ambiente open source e di confrontare le performance ottenute (in termini di tempo di esecuzione) con un'implementazione fornita da una libreria dell'ambiente open source.

A tal fine si è scelto di utilizzare il linguaggio di programmazione **python** e le librerie *scipy*, dedicata al calcolo scientifico, e numpy, descritte nel dettaglio nel paragrafo 1.2.

Successivamente, al fine di determinare l'impatto di implementazioni più o meno efficienti sui **tempi** di esecuzione, sono state fornite tre diverse implementazioni personali dell'algoritmo *DCT2*, trattate nel paragrafo 1.3.

Come indicato nelle specifiche, per semplicità verranno trattate solo matrici quadrate.

1.2 Libreria

La libreria **scipy** mette a disposizione il modulo **fftpack**, contenente una serie di funzioni che permettono di calcolare diverse varianti della *Discrete Cosine Transform*.

In particolare, nella stesura di questo elaborato è stata utilizzata unicamente la funzione dctn, che permette di specificare uno o più assi lungo i quali eseguire la DCT. Per ottenere lo scaling indicato nel progetto sono stati usati i parametri:

```
fft.dctn(x, axes=(0, 1), type=2, norm='ortho')
```

Implementando la versione fast dell'algoritmo, ci si aspetta di ottenere una complessità temporale dell'ordine $O(n^2 \log(n))$.

1.3 Implementazioni

Come già indicato, al fine di analizzare le differenze di perfomance derivanti dall'utilizzo di implementazioni che variano per efficienza, sono state fornite \mathbf{tre} diverse versioni della DCT 'fatta in casa':

• det_naive: implementazione diretta della definizione di DCT in python, utilizzando due cicli for innestati

```
def dct_naive(x:np.array) -> np.array:
       N = len(x)
       sqrt_N, sqrt_2 = np.sqrt(N), np.sqrt(2)
       dct_x = np.zeros(N, dtype=np.float64)
       coeff = np.pi / (2 * N)
       for k in range(N):
           a_k = 0.0
           coeff_k = coeff * k
           for i, x_i in enumerate(x):
               a_k += np.cos(coeff_k * (2 * i + 1)) * x_i
11
           dct_x[k] = a_k / sqrt_N * sqrt_2
12
13
       dct_x[0] /= sqrt_2
14
15
       return dct_x
16
```

• *dct_outer*: sfrutta al massimo le **operazioni tra matrici** ottimizzate messe a disposizione da *numpy*, pre-computando tutti i coefficienti

$$\cos(\pi k \frac{2i+1}{2N}), 0 \le k, i \le N-1$$

attraverso il **prodotto esterno** \otimes (riga 8)

$$\begin{bmatrix} a_1 \\ a_2 \\ \vdots \\ a_n \end{bmatrix} \otimes \begin{bmatrix} b_1 \\ b_2 \\ \vdots \\ b_m \end{bmatrix} = \underline{v_1} \otimes \underline{v_2} = \underline{v_1} \cdot \underline{v_2}^T = \begin{bmatrix} a_1 \\ a_2 \\ \vdots \\ a_n \end{bmatrix} \cdot \begin{bmatrix} b_1 & b_2 & \dots & b_m \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} a_1 \cdot b_1 & a_1 \cdot b_2 & \dots & a_1 \cdot b_m \\ a_2 \cdot b_1 & a_2 \cdot b_2 & \dots & a_2 \cdot b_m \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ a_n \cdot b_1 & a_n \cdot b_2 & \dots & a_n \cdot b_m \end{bmatrix}$$
(1)

e successivamente calcolando gli a_k tramite il **prodotto vettore-matrice** (riga 10)

```
def dct_outer(x:np.array) -> np.array:
    N = len(x)
    k = np.arange(N)
    n = np.arange(N)

const_coeff = np.pi / (2 * N)
    var_coeff = np.outer(k, 2 * n + 1)
    transform_matrix = np.cos(const_coeff * var_coeff)

result = transform_matrix @ x

result[0] *= np.sqrt(1 / N)
    result[1:] *= np.sqrt(2 / N)

return result
```

Questo approccio porta al dover salvare una matrice addizionale di dimensione $(N \times N)$, portando la complessità spaziale a $\theta(N^2)$.

• $dct_{-}cpp$: implementazione diretta della definizione della DCT in C++, che rispetto a **python** permette una gestione più efficiente delle **strutture dati** e presenta dei **cicli** molto **più performanti**. Codice disponibile in questa repository.

Per tutte e tre le versioni, la funzione DCT2 è stata ottenuta applicando la DCT prima per righe e poi per colonne come segue:

```
def dct2(x:np.array, dct_functor:callable) -> np.array:
    dct2_temp = np.apply_along_axis(dct_functor, axis=0, arr=x)
    dct2_x = np.apply_along_axis(dct_functor, axis=1, arr=dct2_temp)
    return dct2_x
```

Ottenendo:

• $dct2_naive$:

```
dct2_naive = lambda x : dct2(x, dct_naive)
```

 \bullet $dct2_outer$:

```
dct2_outer = lambda x : dct2(x, dct_outer)
```

- \bullet $dct2_cpp$
- dct2_lib, l'implementazione della libreria:

```
dct2_lib = lambda x : fft.dctn(x, axes=(0, 1), type=2, norm='ortho')
```

Per tutte e tre le implementazioni custom ci si aspetta una complessità temporale $T(n) = \theta(n^3)$. Tutto il codice è disponibile in questa repository.

1.4 Benchmark

1.4.1 Matrici e modalità di utilizzo

Il **benchmark** è stato eseguito utilizzando matrici $N \times N$ di dimensione crescente, con il fine di individuare un andamento asintotico regolare nei **tempi di esecuzione**.

Partendo da una dimensione minima di 25×25 , si sono ripetutamente raddoppiate le singole dimensioni (e quindi quadruplicate le dimensioni totali delle matrici), fermandosi quando le diverse implementazioni iniziavano a richidere troppo tempo.

Tutte le matrici sono state inizializzate casualmente con valori interi compresi tra 0 e 255, in maniera da simulare uno dei principali scenari applicativi della DCT2; inoltre, al fine di ridurre la varianza dei risultati, tutte le esecuzioni sono state ripetutute tre volte e se ne è considerato il **valore medio**.

1.4.2 Risultati

A seguire vengono riportati i risultati ottenuti, prima in forma tabellare e poi come grafico (in scala logaritmica); i **tempi** riportati *in rosso* nella tabella (e *tratteggiati* nel grafico) sono solo stimati, utilizzando un **modello di regressione polinomiale** (per un polinomio di grado 3).

Times (s)						
N	dct_naive	dct_outer	dct_cpp	dct_lib		
25	0.0499	0.0023	0.0003	0.0001		
50	0.2557	0.0065	0.0037	0.0001		
100	2.0294	0.0416	0.0267	0.0002		
200	14.174	0.1899	0.1820	0.0010		
400	98.035	1.8742	1.4267	0.0020		
800	705.54	14.671	11.636	0.0070		
1600	$5.3 \cdot 10^{3}$	113.59	95.239	0.0350		
3200	$4.1 \cdot 10^{4}$	887.62	772.96	0.1936		
6400	$3.2 \cdot 10^{5}$	$7.0 \cdot 10^{3}$	$6.2 \cdot 10^{3}$	1.1590		
12800	$2.5\cdot 10^6$	$5.6\cdot 10^4$	$5.0 \cdot 10^4$	5.1695		

Table 1: Risultato del benchmark (i tempi in rosso sono solo stimati)



Figure 1: Risultato del benchmark su scala logaritmica (i tempi tratteggiati sono solo stimati)

Dal grafico 1 si nota come i risultati della sperimentazione confermino l'attesa teorica di una complessità

temporale $T(n) = \theta(n^3)$ per le implementazioni *custom*, mentre l'implementazione *fast* della libreria mostra una capacità di scalare decisamente superiore, sebbene non sia immediato riconoscere l'andamento asintotico.

Confrontando invece solo le tre versioni *custom*, risulta evidente che, a parità di complessità computazionale, le implementazioni *dct_outer* e *dct_cpp* siano nettamente superiori a *dct_naive*, al punto da riuscire a trattare matrici 16 volte più grandi con tempi dagli stessi ordini di grandezza.

Inoltre, si evince come sia possibile ottenere ottime prestazioni da un linguaggio di programmazione interpretato, orientato alla portabilità e alla semplicità di utilizzo come **python**: nonostante i limiti dovuti alla sua struttura, è possibile raggiungere prestazioni molto vicine a quelle del $\mathbf{C}/\mathbf{C}++$, a patto di fare ampio utilizzo di librerie specializzate ed efficienti (e sviluppate in linguaggi performanti) come numpy (sviluppata in \mathbf{C}).

2 Seconda parte - Compressione di immagini

2.1 Obiettivo

In questa seconda parte la richiesta è lo sviluppo di un piccolo sistema software che implementi una versione semplificata della compressione con perdità di qualità JPEG, facendo utilizzo della versione fast della DCT2.

Anche in questo caso si è scelto di utilizzare il linguaggio **python** insieme ad un'architettura **MVC** (**Model-View-Controller**), descritta nel dettaglio nella sezione 2.3.

Inoltre, al fine di avvicinarsi il più possibile al vero formato **JPEG**, si è scelto di trattare sia immagini in **toni di grigi** che a colori (**RGB**) e di creare un proprio (banale) formato di serializzazione (sezione 2.2); Infine, sono stati effettuati alcuni esperimenti su immagini in formato **bmp** di varie dimensioni (sezione 2.4).

Tutto il codice è disponibile in questa repository.

2.2 Formato JPUG

Come già detto, si è deciso di definire un formato personalizzato che andasse a simulare il formato **JPEG**, chiamato (in maniera fantasiosa) **JPUG**. Il formato salva banalmente in formato binario e in maniera sequenziale le tre componenti necessarie a ricostruire l'immagine compressa:

- \bullet il coefficiente F, rappresentante la dimensione dei blocchi in cui è suddivisa l'immagine;
- il coefficiente d, rappresentante la prima antidiagonale delle entrate da tagliare;
- il valore delle **entrate** (nella base dei coseni) da mantenere, che vengono linearizzate per righe in un **vettore monodimensionale**, come nel seguente esempio (per F = 5 e d = 4):

Il numero n di entrate della matrice da mantenere (dimensione del vettore linearizzato) sarà dato da:

• Per $0 \le d \le F$:

$$n = \sum_{i=0}^{d-1} i + 1 = \sum_{i=1}^{d} i = \frac{d(d+1)}{2}$$
 (2)

• Per $F < d \le 2F - 1$:

$$n = \frac{F(F+1)}{2} + \sum_{k=1}^{d-F} F - k \tag{3}$$

dove

$$\begin{split} \sum_{k=1}^{d-F} F - k &= \sum_{k=1}^{d-F} F - \sum_{k=1}^{d-F} k = \\ &= F(d-F) - \frac{(d-F)(d-F+1)}{2} = \\ &= Fd - F^2 - \frac{1}{2}d^2 + \frac{1}{2}Fd - \frac{1}{2}d + \frac{1}{2}Fd - \frac{1}{2}F^2 + \frac{1}{2}F = \\ &= -\frac{3}{2}F^2 + \frac{1}{2}F + 2Fd - \frac{1}{2}d^2 - \frac{1}{2}d \end{split}$$

e di conseguenza

$$n = \frac{1}{2}F^2 + \frac{1}{2}F - \frac{3}{2}F^2 + \frac{1}{2}F + 2Fd - \frac{1}{2}d^2 - \frac{1}{2}d =$$
$$= 2Fd - \frac{1}{2}d^2 - F^2 - \frac{1}{2}d + F$$

Riassumendo:

$$n(F,d) = \begin{cases} \frac{d(d+1)}{2} & \text{se } 0 \le d \le F\\ 2Fd - \frac{1}{2}d^2 - F^2 - \frac{1}{2}d + F & \text{se } F < d \le 2F - 1 \end{cases}$$
(4)

La percentuale di entrate salvate (o tasso di compressione) δ sarà invece dato da:

$$\delta(F,d) = \frac{F^2 - n}{F^2} = 1 - \frac{n}{F^2} \tag{5}$$

che vale

• $0 \le d \le F$: $\delta(F, d) = 1 - \frac{d(d+1)}{2F^2} \tag{6}$

• $F < d \le 2F - 1$:

$$\delta(F,d) = 1 - \frac{4Fd - d^2 - 2F^2 - d + 2F}{2F^2} = 2 - \frac{4Fd - d^2 - d + 2F}{2F^2}$$
 (7)

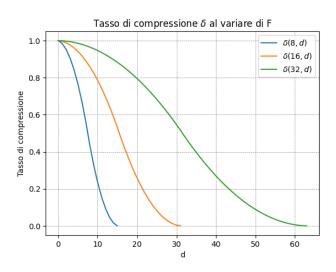


Figure 2: Tasso di compressione δ per diversi valori di F

Si noti che sia n sia δ fanno riferimento al numero di elementi dei blocchi ma **non direttamente** alla quantità di spazio effettivo (in byte): infatti, data l'assenza di utilizzo di una **matrice di quantizzazione**, questo formato 'naive' salva gli elementi dei vettori compressi come **numeri a virgola mobile**, che quindi occupano **2**, **4** o **8** bytes (a seconda della precisione richiesta), a differenza dei singoli byte delle immagini originali. Questo comporta che, per valori di d non abbastanza piccoli, l'effetto sia quello di **aumentare la dimensione dell'immagine** anzichè diminuirla (nonostante ci sia comunque perdita di qualità).

Nel caso di immagini \mathbf{RGB} , vengono compresse e salvate tutte e tre le matrici \mathbf{R} , \mathbf{G} e \mathbf{B} in maniera indipendente.

2.3 Architettura di sistema

2.4 Esperimenti

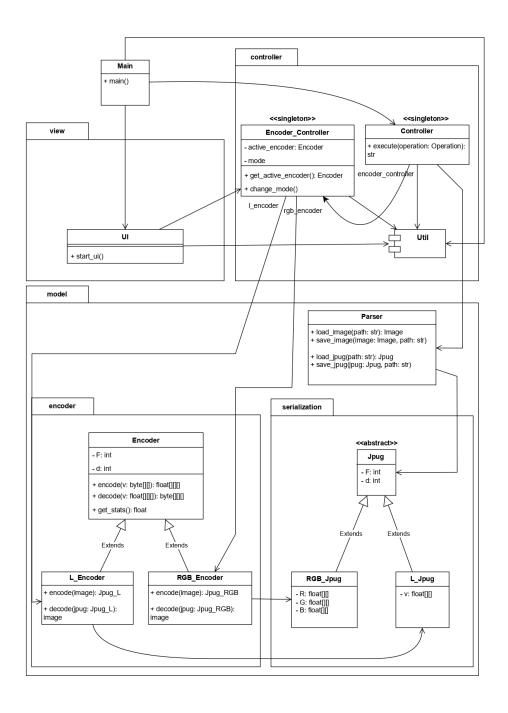


Figure 3: Diagramma delle classi