Trabalho 2: Programação Paralela para

Processador Many-core (GPU) Usando CUDA

- Cálculo da distância de edição entre 2 sequências:
 - Sequências de DNA: cadeias de bases nitrogenadas (A, C, G e T)
 - Entradas: Sequências S e R, n = |S| e m = |R|, $n \le m$
 - Saída: Distância de edição entre S e R (nº mínimo de operações de edição necessárias para transformar S em R)
 - Operações de edição permitidas:
 - Inserção de um símbolo na sequência
 - Remoção de um símbolo da sequência
 - Substituição de um símbolo da sequência por outro

• Exemplo:

- Entradas: S = ACTG e R = AGCAGT
- Saída: Distância de edição entre S e R=3
- Operações de edição: Inserção de G após $S_1=A$ Substituição de $S_3=T$ por A Inserção de T após $S_4=G$

Algoritmo para Cálculo da Distância de Edição

- Usa técnica de programação dinâmica
- Entradas: Sequências S e R, n=|S| e m=|R|, $n\leq m$
- Calcula matriz D: de tamanho $(n+1) \times (m+1)$
 - D[i,j] = distância de edição entre prefixo $S_{1..i}$ e prefixo $R_{1..j}$
- Saída: Distância de edição entre S e R = D[n, m]
- Inicialização da matriz D:

$$D[i,0]=i, \quad \mathsf{para} \ 0 \le i \le n$$
 $D[0,j]=j, \quad \mathsf{para} \ 1 \le j \le m$

		R					
		0	1	2		\overline{j}	 \overline{m}
	0	0	1	2		j	 m
$S \ \langle$	(1	1					
	2	2					
	:	:					
	i	i					
	:	:					
	n	n					

- Ideia da inicialização:
 - Para transformar $S_{1..i}$ em uma sequência vazia: faz i remoções
 - Para transformar uma sequência vazia em $R_{1...j}$: faz j inserções

Algoritmo para Cálculo da Distância de Edição

• Cálculo de D[i,j]: para $1 \le i \le n$ e $1 \le j \le m$

$$D[i,j] = \min \begin{cases} D[i,j-1]+1 & \text{(inserção de } R_j \text{ na posição } i+1 \text{ de } S) \\ D[i-1,j]+1 & \text{(remoção de } S_i) \\ D[i-1,j-1]+t(S_i,R_j) & \text{(substituição ou correspondência)} \end{cases}$$

$$t(S_i, R_j) = \begin{cases} 1 & \text{para} \quad S_i \neq R_j \quad \text{(substituição de } S_i \text{ por } R_j \text{)} \\ 0 & \text{para} \quad S_i = R_j \quad \text{(correspondência entre } S_i \in R_j \text{)} \end{cases}$$

		R						
		0	1		j-1	j		\overline{m}
	0	0	1		j-1	j	•••	m
$S \left\{ \right.$	1	1						
	:	:						
	i-1	i-1						
	i	i						
	:	:						
	n	n						

Algoritmo Sequencial para Cálculo da Distância de Edição

Input: Sequências S e R, com n=|S| e m=|R|, $n\leq m$

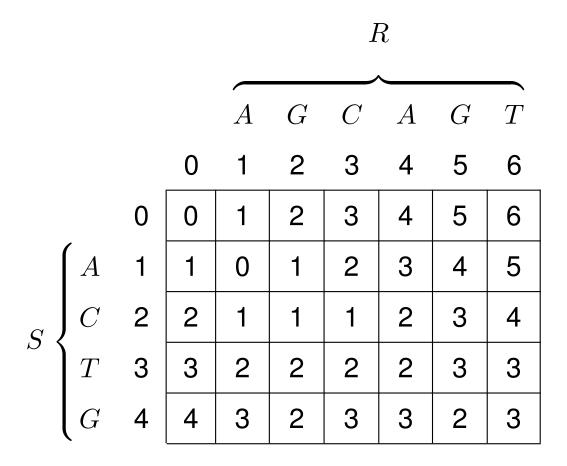
Output: Distância de edição entre S e R

begin

```
for i := 0 to n do
D[i,0] := i
for j := 1 to m do
D[0,j] := j
for i := 1 to n do
 \quad \text{for } j := 1 \text{ to } m \text{ do }
  return D[n,m]
```

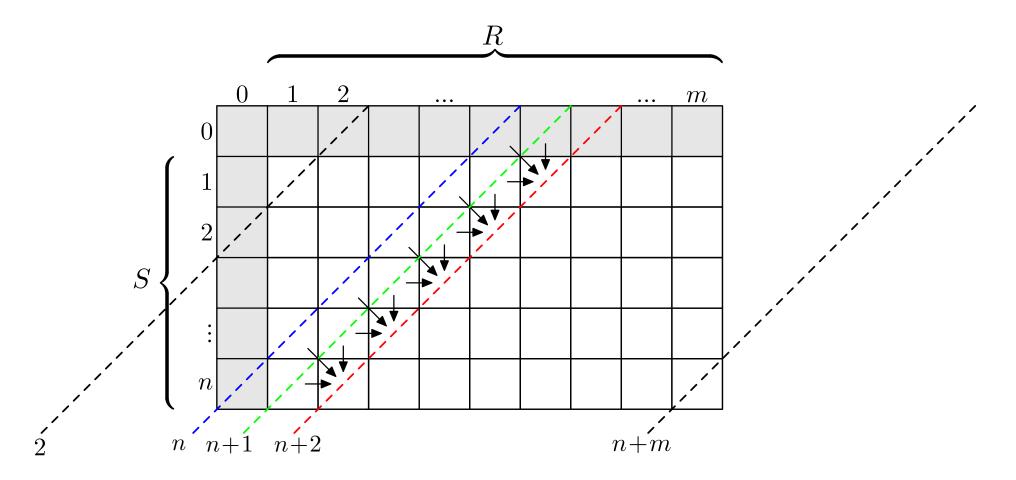
Exemplo

- Entradas: S = ACTG, R = AGCAGT, n = 4, m = 6
- Saída: Distância de edição entre S e R = D[4, 6] = 3
- **Matriz** *D*:



Ideia da Paralelização do Cálculo da Matriz ${\cal D}$

- Células de uma mesma anti-diagonal: Podem ser calculadas em paralelo
- Sucessivas anti-diagonais: Devem ser calculadas sequencialmente
- Supor que: $n \le m$



Algoritmo Sequencial para Cálculo da Distância de Edição

• Percurso por anti-diagonal: supondo que $n \leq m$

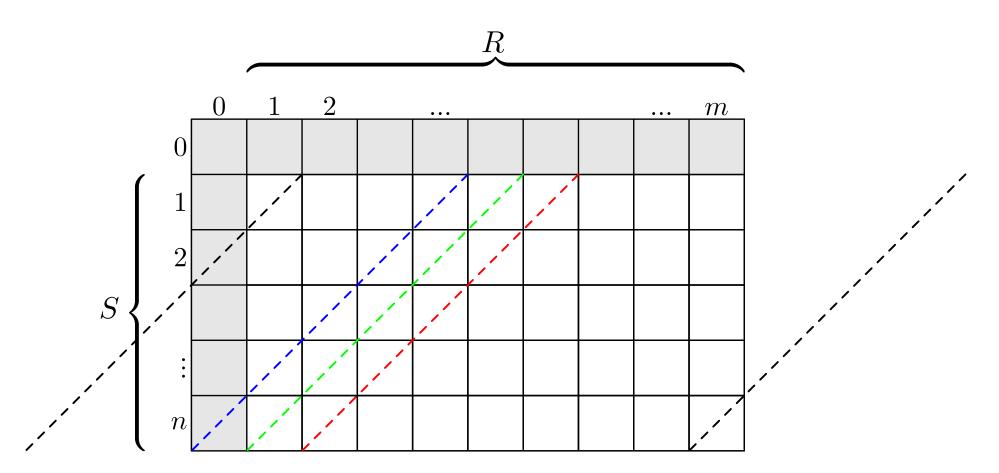
```
nADiaq = n + m - 1; / Número de anti-diagonais
tamMaxADiag = n; // Tamanho máximo (número máximo de células) da anti-diagonal
// Para cada anti-diagonal (anti-diagonais numeradas de 2 a nADiag + 1)
for (aD = 2; aD \leq nADiag + 1; aD++)
   // Para cada célula da anti-diagonal aD
   for (k = 0; k < tamMaxADiag; k++)
       i = n - k; // Calcula índices i e j da célula (linha e coluna)
       j = aD - i;
       if (j > 0 \&\& j \le m) // Se é uma célula válida
           t = (s[i] != r[j] ? 1 : 0);
           a = d[i][j-1] + 1;
           b = d[i-1][j] + 1;
           c = d[i-1][j-1] + t;
           // Calcula d[i][j] = min(a, b, c)
           d[i][j] = ...
```

Sugestões para o Desenvolvimento do Programa Paralelo (1)

- Inicialmente: Entender programa sequencial
 - Percurso por linhas
 - Percurso por anti-diagonais
- Desenvolver solução inicial: após entender programa sequencial
 - Supor que: $n \le m$ e $n \le maxThreadsBloco$
 - Desenvolver programa CUDA com um único bloco de threads
 - Sincronização entre threads do bloco: __syncthreads()
 - Usar apenas memória global da GPU
 - Transferências entre host e GPU:
 - **Entradas**: Host ⇒ GPU
 - Vetores das sequências S e R
 - Matriz D: precisa ser transferida inteira ?
 - Saída: GPU ⇒ Host
 - Apenas D[n,m]
 - Manipulação de matriz: Linearizada como vetor
 - Ver ex17.cu (soma de matrizes em CUDA)

Ideia da Solução CUDA Inicial

- Supor que: $n \le m$ e $n \le m$ axThreadsBloco
- Um único bloco de threads
- Sincronização entre threads do bloco: __syncthreads()

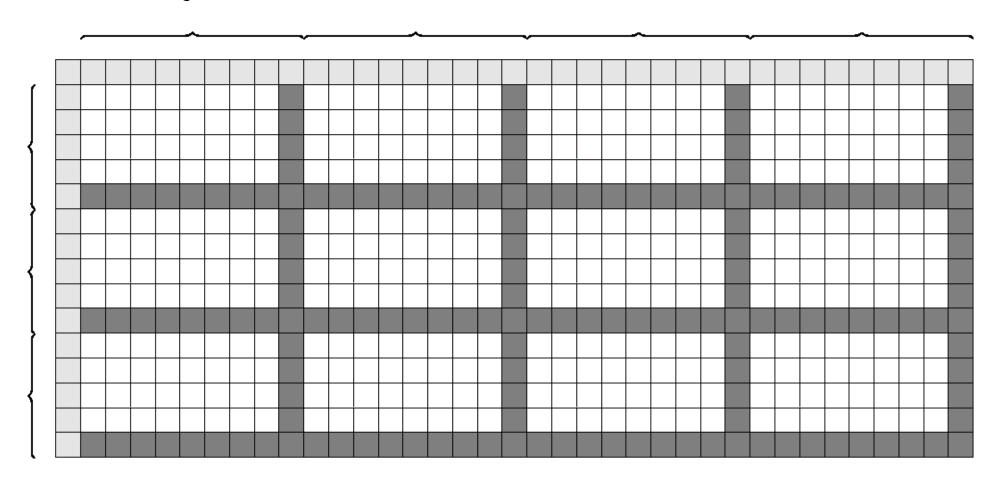


Sugestões para o Desenvolvimento do Programa Paralelo (2)

- Desenvolver solução completa: após solução inicial estar correta
 - Supor que: $n \le m$
 - Permitir sequências maiores
 - Generalizar programa CUDA para ter vários blocos de threads
 - Sincronização entre blocos: realizada encerrando execução do kernel
 - Ter várias invocações do kernel
 - Usar apenas memória global da GPU
 - Transferências entre host e GPU: Igual solução inicial
 - Entre uma invocação do kernel e outra invocação:
 - Não é nexessária nenhuma transferência
 - Manipulação de matriz: Igual solução inicial

Ideia da Solução CUDA Completa

- Supor que: $n \le m$
- Vários blocos de threads
- Sincronização entre blocos: encerrando execução do kernel
- Várias invocações do kernel



Programa a ser Desenvolvido

- Programa deve ser em C ou C++
- Programa sequencial fornecido:
 - Cálculo de D com percurso por linhas
 - Cálculo de D com percurso por anti-diagonais
- Desenvolver programa paralelo, usando CUDA:
 - ullet Explorar paralelismo no cálculo da matriz D
- Interface de execução do programa:
 - Por linha de comando com argumento:

```
dist_seq entrada.txt
dist_par entrada.txt
```

- Submissão: um único arquivo .zip com programas fonte paralelo
 - Programa deve ter no cabeçalho:
 - Nome dos alunos do grupo (máximo 2 alunos)

Entradas e Saídas do Programa

- Entrada: Em um único arquivo texto
 - \bullet n m
 - Sequência S
 - Sequência R
- Saída: Na tela
 - Distância de edição
 - Tempo de execução (em ms)
- Arquivos de entrada fornecidos:
 - Entradas 1 a 4: Muito pequenas ⇒
 Apenas para teste e depuração
 - Entrada 3: Duas sequências iguais

Arquivo	n	m	Distância
entrada1.txt	4	6	3
entrada2.txt	20	30	14
entrada3.txt	32	32	0
entrada4.txt	250	500	280
entrada5.txt	500	1000	578
entrada6.txt	512	1024	597
entrada7.txt	8000	10000	4953
entrada8.txt	16384	16384	8468
entrada9.txt	30000	35000	17313