```
In [ ]: import numpy as np
          import pandas as pd
          import matplotlib.pyplot as plt
          from sklearn.datasets import load_breast_cancer
          import seaborn as sns
          import io
          import base64
          import torch
          import torch.nn as nn
          import torch.nn.functional as F
          import torchvision
          from torchvision import datasets
          import torchvision.transforms as transforms
          \textbf{from} \  \, \textbf{torch.utils.data} \  \, \textbf{import} \  \, \textbf{random\_split}, \  \, \textbf{DataLoader}
          import tqdm
          import time
```

Instruções gerais: Sua submissão deve conter:

- 1. Um "ipynb" com seu código e as soluções dos problemas
- 2. Uma versão pdf do ipynb

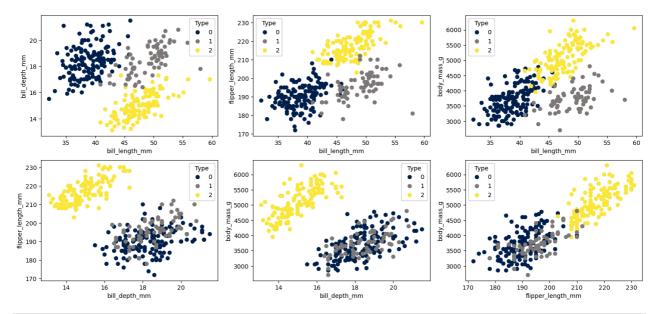
Caso você opte por resolver as questões de "papel e caneta" em um editor de LATEX externo, o inclua no final da versão pdf do 'ipynb'---submetendo um <u>único pdf</u>.

Trabalho de casa 07: Redução de dimensionalidade

- **1.** Considere o conjunto de dados disponível em penguins.csv, organizado em 5 colunas, sendo 4 colunas de atributos e a última a classe do padrão. Os dados referem-se a medições anatômicas de pinguins da Antártida, classificados nas espécies Adelie, Chinstrap e Gentoo. Maiores detalhes sobre os dados podem ser conferidos em https://allisonhorst.github.io/palmerpenguins/.
- a) Apresente a projeção em 2 dimensões dos padrões acima obtida pelo método PCA (análise dos componentes principais).
- b) Ainda considerando o item anterior, calcule e mostre a variância explicada obtida quando a dimensão projetada é modificada (1,2,3 ou 4).

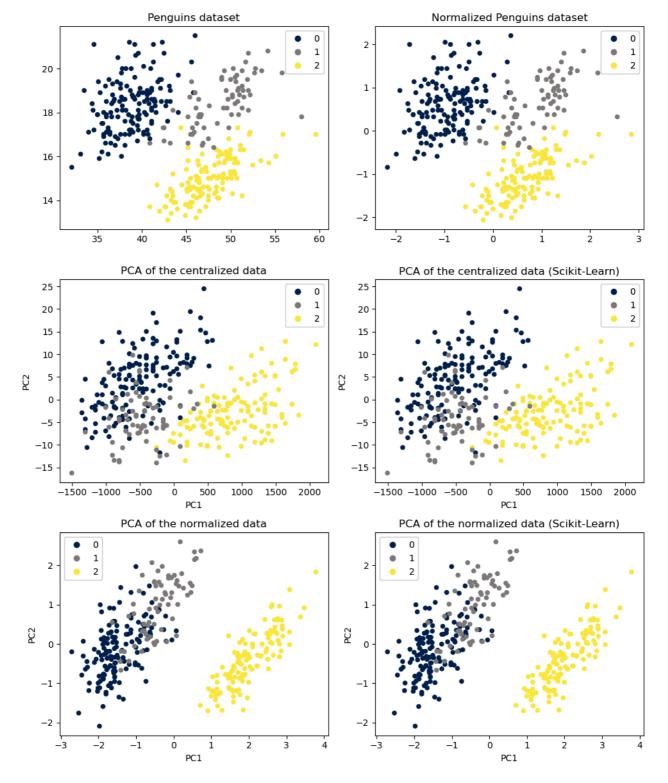
Normalize os dados antes de executar PCA. Implemente sua própria versão de PCA, mas verifique a corretude comparando contra alguma implementação popular (e.g., da biblioteca scikitlearn).

```
In [ ]: # Importando o dataset
        data = torch.from_numpy(pd.read_csv("./penguins.csv", header=None).to_numpy())
        # Separando os dados em features e labels
        X, y = data[:, :-1], data[:, -1].long()
        centralized_data = X - X.mean(0, keepdim=True)
        normalized_data = centralized_data / X.std(0, keepdim=True)
In []: columns = np.array(["bill_length_mm", "bill_depth_mm", "flipper_length_mm", "body_mass_g"])
         # Plotting the data for each pair of features
        fig, ax = plt.subplots(2, 3, figsize=(18, 8))
        ax = ax.flatten()
         k = 0
         for i in range(4):
            for j in range(i + 1, 4):
                scatter = ax[k].scatter(X[:, i], X[:, j], c=y, cmap="cividis")
                ax[k].set_xlabel(columns[i])
                ax[k].set_ylabel(columns[j])
                legend = ax[k].legend(*scatter.legend_elements(), title="Type")
                ax[k].add_artist(legend)
```



```
In [ ]: # Análise dos Componentes Principais
         def PCA_(X: torch.Tensor, n_components: int):
             # Fazendo a decomposição SVD da matriz de dados
             U, D, Vt = torch.linalg.svd(X, full_matrices=False)
             # SVD Flip
             max_abs = torch.abs(U).argmax(0)
             j = torch.arange(U.size()[1]).to(X.device)
             # Acessa as linhas de índice correspondente aos encontrados anteriormente e obtém os sinais
             signs = torch.sign(U[max_abs, j])
             Vt *= signs.view(-1, 1)
                                        # Multiplica por um vetor coluna de sinais
             \# Selecionando os n_components autovetores correspondentes aos maiores autovalores
             top_eigenvectors = Vt[:n_components]
             # Projetando os dados nos n_components autovetores
             projected_data = torch.mm(X, top_eigenvectors.T)
             # Calculando a variância explicada
             explained_variance = get_explained_variance(top_eigenvectors)
             return explained_variance, projected_data
         def get_explained_variance(top_eigenvectors: torch.Tensor):
    SS = top_eigenvectors**2 # SS is the sum of squares
             explained_variance = SS / SS.sum()
             return explained_variance
         def plot_data(ax, X: torch.Tensor, y: torch.Tensor, labels: torch.Tensor, title: str, xlabel: str = None, ylabel: str = None)
             legend = ax.legend(*scatter.legend_elements())
             ax.set title(title)
             ax.add_artist(legend)
             if xlabel:
                 ax.set_xlabel(xlabel)
             if ylabel:
                 ax.set_ylabel(ylabel)
```

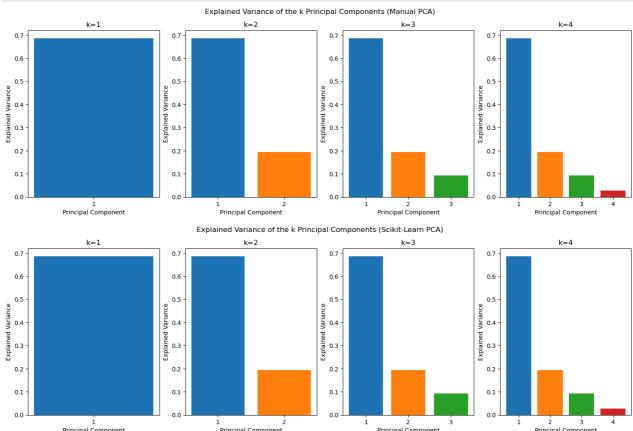
```
In [ ]: from sklearn.decomposition import PCA as PCA_sklearn
                     fig, axes = plt.subplots(nrows=3, ncols=2, figsize=(10, 12))
                     plot\_data(axes[0,\ 0],\ X[:,\ 0],\ X[:,\ 1],\ y,\ "Penguins\ dataset")\ \textit{\# Visualizing the original data}
                     plot_data(axes[0, 1], normalized_data[:, 0], normalized_data[:, 1], y, "Normalized Penguins dataset")# Visualizing the normalized
                     # Visualizing the data projected in 2D (centralized data)
                     variance, projected_data = PCA_(centralized_data, 2)
                     plot_data(axes[1, 0], projected_data[:, 0], projected_data[:, 1], y, "PCA of the centralized data", "PC1", "PC2")
                      # Plot the data projected by scikit-learn's PCA
                     sklearn_pca = PCA_sklearn(n_components=2)
                     projected data1 = sklearn pca.fit transform(centralized data)
                     plot_data(axes[1, 1], projected_data1[:, 0], projected_data1[:, 1], y, "PCA of the centralized data (Scikit-Learn)", "PC1", "F
                     # Visualizing the data projected in 2D
                     variance, projected_data2 = PCA_(normalized_data, 2)
                     plot_data(axes[2, 0], projected_data2[:, 0], projected_data2[:, 1], y, "PCA of the normalized data", "PC1", "PC2")
                      # Plot the data projected by scikit-learn's PCA
                     sklearn_pca = PCA_sklearn(n_components=2)
                     projected_data3 = sklearn_pca.fit_transform(normalized_data)
                     plot_data(axes[2, 1], projected_data3[:, 0], projected_data3[:, 1], y, "PCA of the normalized data (Scikit-Learn)", "PC1", "PC1", "PC1", "PC2", "PC2", "PC3", "PC4", "PC4", "PC5", "PC5"
                     plt.tight_layout()
                     plt.show()
```



Acima temos a projeção dos dados em 2 dimensões obtida pelo método PCA, pela minha implementação lado a lado com a implementação do Scikit-Learn. Na segunda linha, temos X centralizado (apenas subtraído pela média), e na terceira linha, temos X normalizado (centralizado e dividido pelo desvio padrão). A seguir vamos calcular a variância explicada para cada uma dessas projeções.

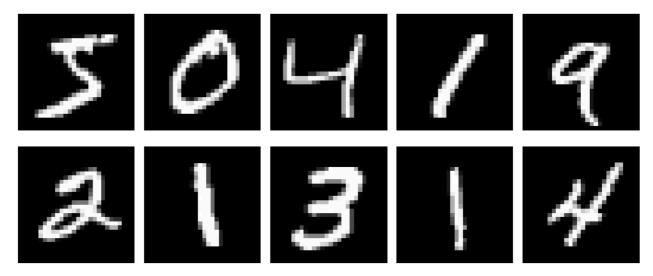
```
In [ ]: colors = ["#1f77b4", "#ff7f0e", "#2ca02c", "#d62728", "#9467bd", "#8c564b", "#e377c2", "#7f7f7f", "#bcbd22", "#17becf"]
         # Plotting the explained variance
        def plot_variance(ax, explained_variance: torch.Tensor | np.ndarray, title: str):
             x_ticks = list(range(1, len(explained_variance)+1))
             explained_variance = (explained_variance.numpy() if isinstance(explained_variance, torch.Tensor) else explained_variance)
            ax.bar(x=x_ticks, height=explained_variance, tick_label=x_ticks, color=colors)
            ax.set_title(title)
             ax.set_xlabel("Principal Component")
             ax.set_ylabel("Explained Variance")
         # Explained Variance - PCA implementation with NORMALIZED data
         fig, axes = plt.subplots(nrows=1, ncols=4, figsize=(18, 5))
         fig.suptitle("Explained Variance of the k Principal Components (Manual PCA)")
         for k in range(1, 5):
            variance, _ = PCA_(normalized_data, k)
            plot_variance(axes[k-1], variance, f"k={k}")
         # Explained Variance - Scikit-learn's PCA with NORMALIZED data
```

```
fig, axes = plt.subplots(nrows=1, ncols=4, figsize=(18, 5))
fig.suptitle("Explained Variance of the k Principal Components (Scikit-Learn PCA)")
for k in range(1, 5):
    sklearn_pca = PCA_sklearn(n_components=k)
    projected_data = sklearn_pca.fit_transform(normalized_data.numpy())
    explained_variance = sklearn_pca.explained_variance_ratio_
    plot_variance(axes[k-1], explained_variance, f"k={k}")
```



2. Implemente um autoencoder determinísitco para o banco de dados MNIST, que já usamos em exercícios anteriores. Você pode escolher utilizar tanto CNN como MLP no encoder/decoder. No entanto, o encoder deve mapear as imagens no \mathbb{R}^2 , para podermos visualizar as representações latentes no plano. Use o conjunto de validação para fazer early stopping. Você também pode monitorar o erro na validação para anelar a taxa de aprendizado (usando um scheduler). Finalmente, mostre a projeção das imagens de teste no espaço latente e comente qualitativamente os embeddings obtidos.

```
train=True.
            download=True.
            transform=transforms.ToTensor(),
        test_dataset = datasets.MNIST(
            root="./data",
            train=False.
            download=True,
            transform=transforms.ToTensor(),
        device = torch.device("cuda" if torch.cuda.is_available() else "cpu")
        # ignore warnings
        import warnings
        warnings.filterwarnings('ignore')
In [ ]: train_loader = DataLoader(train_val_dataset, batch_size=128, shuffle=True)
        test_loader = DataLoader(test_dataset, batch_size=128, shuffle=False)
        val_dataset, train_dataset = random_split(train_val_dataset, [0.8, 0.2])
        val_loader = DataLoader(val_dataset, batch_size=128, shuffle=False)
In [ ]: fig, ax = plt.subplots(2,5, figsize=(10,5))
        for i in range(10):
            ax[i//5,i%5].imshow(train_val_dataset.data[i], cmap="gray")
            ax[i//5,i%5].axis('off')
        fig.suptitle("Samples from train data")
        fig.tight_layout()
```



Vamos criar 3 classes, uma para o encoder, uma para o decoder e uma para o autoencoder. O encoder deve mapear as imagens no \mathbb{R}^2 , e o decoder deve mapear as imagens de volta para o espaço original. Depois, vamos mostrar a projeção das imagens de teste no espaço latente e comentar qualitativamente os embeddings obtidos.

```
In [ ]: class Encoder(nn.Module):
             def __init__(self, input_dim: int, hidden_dim: int, z_dim: int):
                  super(Encoder, self).__init__()
                  self.fc1 = nn.Linear(input_dim, hidden_dim)
                  self.fc2 = nn.Linear(hidden_dim, hidden_dim//2)
                  self.fc3 = nn.Linear(hidden_dim//2, z_dim)
             def forward(self, x):
                 x = F.relu(self.fc1(x))
                  x = F.relu(self.fc2(x))
                  x = self.fc3(x)
                  return x
         class Decoder(nn.Module):
             \label{lem:def_init} \begin{subarray}{ll} def & \_init\_(self, output\_dim: int, hidden\_dim: int, z\_dim: int): \\ \end{subarray}
                  super(Decoder, self).__init__()
                  self.fc1 = nn.Linear(2, hidden_dim//2)
                  self.fc2 = nn.Linear(hidden_dim//2, hidden_dim)
                  self.fc3 = nn.Linear(hidden_dim, output_dim)
             def forward(self, x):
                 x = F.relu(self.fc1(x))
                  x = F.relu(self.fc2(x))
                  x = torch.sigmoid(self.fc3(x))
                  return x
         class AutoEncoder(nn.Module):
             def __init__(self):
                  super(AutoEncoder, self).__init__()
                  self.encoder = Encoder(input_dim=784, hidden_dim=128, z_dim=2)
                  self.decoder = Decoder(output_dim=784, hidden_dim=128, z_dim=2)
             def forward(self, x):
                 x = self.encoder(x)
x = self.decoder(x)
                  return x
In [ ]: # Definindo o modelo, otimizador e parâmetros de treinamento
         model = AutoEncoder().to(device)
         optimizer = torch.optim.Adam(model.parameters(), lr=1e-3)
         criterion = nn.BCELoss(reduction="sum")
         n_{epochs} = 20
         min_val_loss = float("inf")
In [ ]: iterable = tqdm.trange(n_epochs, desc="Época", leave=False)
         # Treinamento
         for epoch in iterable:
             model.train()
             train loss = 0
             for batch_features, _ in train_loader:
   batch_features = batch_features.view(-1, 784).to(device)
                  optimizer.zero_grad()
                  outputs = model(batch_features)
                  loss = criterion(outputs, batch_features)
                  loss.backward()
                  optimizer.step()
                  train_loss += loss.item()
```

```
model.eval()
             val loss = 0
             with torch.no_grad():
                 \textbf{for} \ \ \texttt{batch\_features,} \ \_ \ \ \textbf{in} \ \ \texttt{val\_loader:}
                     batch_features = batch_features.view(-1, 784).to(device)
                     outputs = model(batch_features)
                     loss = criterion(outputs, batch_features)
                     val_loss += loss.item()
             train_loss /= len(train_loader.dataset)
             val_loss /= len(val_loader.dataset)
             iterable.set_postfix(train_loss=train_loss, val_loss=val_loss)
             if val_loss < min_val_loss:</pre>
                 min_val_loss = val_loss
                 torch.save(model.state_dict(), "./model.pth")
In [ ]: # Carregando o modelo treinado
        model.load_state_dict(torch.load("./model.pth"))
Out[ ]: <All keys matched successfully>
In [ ]: print(f"Final train loss: {train_loss:.4f}")
        print(f"Final validation loss: {val_loss:.4f}")
        print(f"Average train loss: {train_loss / len(train_loader):.4f}")
        print(f"Average validation loss: {val_loss / len(val_loader):.4f}")
        Final train loss: 138.2287
        Final validation loss: 137.7249
        Average train loss: 0.2947
        Average validation loss: 0.3673
        Agora vamos mostrar algumas imagens reconstruídas pelo autoencoder.
In [ ]: with torch.no_grad():
             model.load_state_dict(torch.load("./model.pth"))
             model.eval()
             # escolhe 10 amostras no conjunto de teste
             idx = np.random.choice(len(test_dataset), 10)
             test_samples = torch.stack([test_dataset[i][0] for i in idx])
             test_samples = test_samples.view(-1, 784).to(device)
             reconstructed_samples = model(test_samples)
             reconstructed_samples = reconstructed_samples.view(-1, 1, 28, 28).cpu()
             # plotar as imagens originais e reconstruídas
             fig, axes = plt.subplots(nrows=2, ncols=10, figsize=(20, 4))
             for images, row, title in zip([test_samples, reconstructed_samples], axes, ["Original", "Reconstruída"]):
                 for img, ax in zip(images, row):
                     ax.imshow(img.view(28, 28).numpy(), cmap="gray")
                     ax.axis("off"
                     ax.set title(title)
             plt.tight_layout()
             plt.show()
```

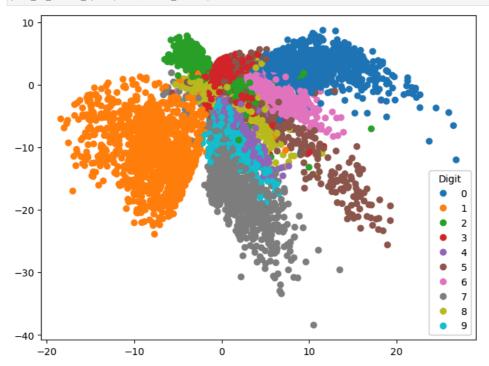
Agora só nos resta projetar as imagens de teste no espaço latente. Para isso, vamos criar uma função que recebe um autoencoder e um conjunto de imagens e retorna as projeções dessas imagens.

```
In []: def plot_2d_latent_space(model, loader):
    model.eval()
    with torch.no_grad():
        latent_vectors = []
        labels = []
        for batch_features, batch_labels in loader:
            batch_features = batch_features.view(-1, 784).to(device)
            x = model.encoder(batch_features)
            latent_vectors.append(x)
            labels.append(batch_labels.cpu())

        latent_vectors = torch.cat(latent_vectors, dim=0).cpu()
        labels = torch.cat(labels, dim=0).numpy()

fig, ax = plt.subplots(figsize=(8, 6))
        scatter = ax.scatter(latent_vectors[:, 0], latent_vectors[:, 1], c=labels, cmap="tab10")
```

In []: plot_2d_latent_space(model, test_loader)



Podemos ver que as imagens com mesmo label estão bem agrupadas, então a projeção das imagens de teste no espaço latente parece ter sido feita de forma correta.