



respecter les entrées et les sorties

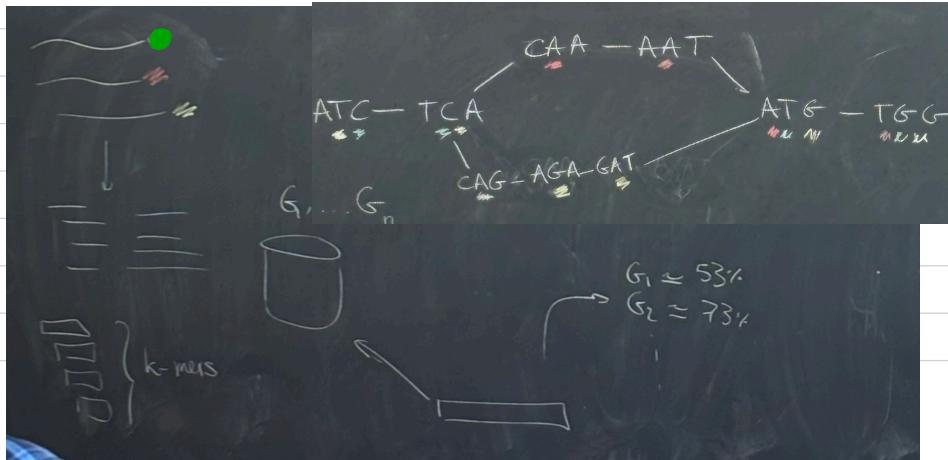
car ils ont un correcteur automatique  
qui évalue la sortie

Grande partie de notation de la qualité du  
rapport  $\theta$  du code

↳ commentaire  
↳ nom des variables

↳ un code propre en gros.

Quels attributs ? entrée  
sortie



En entrée on nous donne un fichier d'entrée qui représente un génome binaire

↳ on le découpe now même en kmer

chaque ligne représente un génome.

par contre on sait pas à l'avance

le nb de gènes qu'il nous donner

↳ du coup notre doigt être prêt à accueillir n-kmer.

↳ génération d'une boucle

Sur la photo du dessus chaque kmer sera associé à une couleur,

À par rapport à la version naïve la couleur sera mise à chaque fois.

Dans un premier temps on développera un premier petit code qui permettra de résoudre une requête de 90 n par de bas

↳ dans le but de détecter des erreurs lors de la génération du graph

Les qu'on peut résoudre facilement à la main.

Build = construire le graphe de de Bruijn coloré

Query = interroger le graphe par une ou plusieurs séquences avec un  $k \geq 17$ .