ממ"ן 16

מכניסים את איברי הקבוצה לטבלת גיבוב בגודל m=n עם שרשור ופונקציית גיבוב כלשהי שמקיימת בקירוב את הנחת הגיבוב הפשוט. רצים על הטבלה ולכל איבר x, מחפשים את z-x אז סיימנו, אחרת עוברים לאיבר הבא בטבלה ושוב מחפשים כמו מקודם.

N 1

N 2

1 2

מקדם העומס של הטבלה הוא $\alpha=1$, לכן לפי משפטים 11.1 ו-11.2 בספר, תוחלת זמן מקדם החיפוש בטבלת הגיבוב היא $\Theta(1)$. מספר החיפושים הוא לינארי ב-n ובסה"כ תוחלת זמן הריצה של האלגוריתם היא $\Theta(n)$.

. הפעם גודל הטבלה הוא $\binom{n}{2}=\frac{n^2-n}{2}$ ומכניסים אליה את סכומי וודל הטבלה הוא הפעם אליה ומכניסים אליה ווא נקרא לשגרה הבאה:

```
1: procedure SUMOFFOURS(A, z)
        create empty hash table T of size n^2
        for i \leftarrow 1 to n-1 do
 3:
            for j \leftarrow i + 1 to n do
 4:
                s = A[i] + A[j]
 5:
                if lookup z - s in T \neq nil then
 6:
                    return True
 7:
            \triangleright insert pair of sums into T
 8:
            for k \leftarrow 1 to i-1 do
 9:
                s = A[i] + A[j]
10:
                if lookup s in T = \mathbf{nil} then
11:
                    insert s into T
12:
        return False
```

z אם של את בשורות 4-8 רצה על כל הזוגות שמימין ל-i ומחפשת בטבלה את ההפרש של החסכום של זוג האיברים. בשורות 10-11 אנחנו מכניסים את סכומי זוגות האיברים שנמצאים משמאל ל-i. כלומר כשמחפשים בטבלה בשורה 6 אז האינדקסים i, שונים מכל זוגות האינדקסים שסכומם נמצא בטבלה. לכן אם החיפוש הצליח, מובטח שמצאנו 4 איברים שונים שסכומם z.

תוחלת זמן החיפוש בטבלה היא $\Theta(1)$ שכן מספר האיברים בטבלה הוא (חחלת מון תוחלת זמן תוחלת אכן היא $\Theta(n^2)$ שכן מספר האיברים בטבלה $\alpha=\frac{\Theta(n^2)}{m}=\frac{\Theta(n^2)}{n^2}=\Theta(1)$ חיפושים בטבלה מקדם העומס הוא $\Theta(n^2)$ היא SumOffours היא וחלת זמן הריצה של היצה של

 $.Pr\{A_i\}=rac{1}{m^4}$ אז $.i=1,\ldots,m$ יהי עבור 4 בתא ה-4 באורך 4 בתא הישרת מארוקשעת היא ההסתרבות המרוקשעת היא

$$Pr\{A_1 \cup \ldots \cup A_m\} = Pr\{A_1\} + \cdots + Pr\{A_m\} = m \cdot \frac{1}{m^4} = \frac{1}{m^3}$$

נסתכל על הכנסת k_3 שני תאים בטבלה כבר תפוסים ואנחנו רוצים לדעת מהי ההסתברות שנצטרך לבדוק 3 תאים לפני ש k_3 יוכנס. כדי שזה יקרה, בבדיקה הראשונה אנחנו צריכים לבדוק את אחד משני התאים התפוסים וזה יקרה בהסתברות $\frac{2}{m}$ (תחת ההנחה שהגיבוב הוא אחיד). בבדיקה השניה אנחנו צריכים לבדוק את התא התפוס הנותר וזה כאמור יקרה בהסתברות $\frac{1}{m-1}$.

 $rac{2}{m(m-1)}$ ההסתברות המבוקשת אם כך היא

ממ"ן 16

אם מקדם העומס הוא לפי משפט 11.6 אז לפי משפט או החיפוש עבור חיפוש עבור חיפוש (מער היא: $\alpha=1-\frac{1}{\lg n}$

$$\Theta(\frac{1}{1-\alpha}) = \Theta(\frac{1}{1-(1-\frac{1}{\lg n})}) = \Theta(\lg n)$$

 $\sum_{i=1}^{2^h} \frac{1}{2^h} = 1$ - נסתכל על עץ מלא בגובה h, יש לו 2^h עלים שכל אחד מהם בעומק h. נקבל שר האיברים h נתבונן בעלה מסוים h, אם נסיר את h מהעץ אז נאבד מהסכום h ושאר האיברים ישארו ללא שינוי ולכן הסכום נשאר h בצורה דומה הסכום ישאר קטן שווה מ-1 אם נסיר את שאר העלים, למעט המקרה שבו הסרנו זוג עלים שהם גם אחים. אם הסרנו זוג כזה אז איבדנו מהסכום h בעומק h אבל אז האבא שלהם הוא עכשיו עלה בעומק h בעומק לסכום h סכומר יש להוסיף לסכום h וותר ללא שינוי. בצורה רקורסיבית אפשר לראות שהדבר תקף לכל עלה בעומק h.

הראינו שאם מתחילים מעץ מלא אז הסכום המבוקש הוא 1 וכאשר מסירים עלים בעומקים שונים הסכום נשאר אותו הדבר או שהוא קטן. מאחר וניתן לצאת מעץ מלא ולהגיע לכל עץ נתון ע"י מחיקת צמתים שלא בעץ הנתון, האמור לעיל מוכיח את הנדרש.

הסכום שווה בדיוק ל-1 אם לכל צומת בעץ יש בדיוק 0 או 2 בנים.

נשתמש בטענת העזר הבאה:

5

. שענה: אם לצומת z בעץ חיפוש בינארי שני בנים, אזי לעוקב לו אין בן שמאלי

TREE-Successor הוכחה: נניח ש-y היה בן שמאלי x. אם ל-y אם ל-y היה בן שמאלי בעת אונים את TREE-MINIMUM של תת העץ ששורשו y, שהוא הבן הכי שמאלי בתת עץ זה, כלומר x. זאת בסתירה לכך ש-y הוא העוקב של

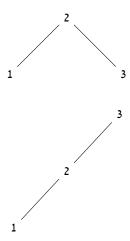
חיסרון של השיטה שמוצגת בספר הוא שהיא מעתיקה את y למקום אחר בעץ. אז כל החצבעות שהיו ל-y כבר לא תקינות.

בסריקה סופית מבקרים בשורש אחרון. לכן בסדרה הנתונה שורש העץ הוא k_n לפי תכונת עץ החיפוש הבינארי, כל האיברים הקטנים מ k_n בסדרה נמצאים בתת העץ השמאלי שלו, וכל האיברים הגדולים ממנו בתת העץ הימני. האיבר האחרון בכל תת סדרה כזאת הוא שורש של תת העץ הרלוונטי, כאשר בצורה דומה למקודם כל האיברים שקטנים ממנו בתת הסדרה הם בתת העץ השמאלי, והשאר בימני. ממשיכים בצורה כזאת עד שלא נשארים עוד איברים בסדרה לעבור עליהם וכך אפשר לבנות את העץ המקורי מתוצאה של סריקה סופית. בסריקה תחילית מבקרים בשורש ראשון, אז האיבר הראשון בסדרה הוא שורש העץ וכמו מקודם כל הקטנים ממנו הם בתת העץ השמאלי והגדולים בימני וממשיכים כמו מקודם רק

שהשורש של כל תת עץ כזה הוא האיבר הראשון בתת סדרה (ולא האחרון).

ממ"ן 16

אי אפשר לשחזר עץ חיפוש בינארי מהסריקה התוכית שלו. לדוגמה שני העצים האלה שונים:



[1,2,3] :הסריקה התוכית שלהם זהה: