

# MOwNiT

March 13, 2024

## 1 Laboratorium 02

### 1.1 Metoda najmniejszych kwadratów

Iga Antonik, Helena Szczepanowska

## 2 Zadanie 1.

Celem zadania jest zastosowanie metody najmniejszych kwadratów do predykcji, czy nowotwór jest złośliwy (ang. malignant) czy łagodny (ang. benign). Nowotwory złośliwe i łagodne mają różne charakterystyki wzrostu. Istotne cechy to m. in. promień i tekstura. Charakterystyki te wyznaczone są poprzez diagnostykę obrazową i biopsję. Do rozwiązania problemu wykorzystamy bibliotekę pandas, typ DataFrame oraz dwa zbiory danych:

- breast-cancer-train.dat
- breast-cancer-validate.dat.

Nazwy kolumn znajdują się w pliku breast-cancer.labels. Pierwsza kolumna to identyfikator pacjenta patient ID. Dla każdego pacjenta wartość w kolumnie Malignant/Benign wskazuje klasę, tj. czy jego nowotwór jest złośliwy czy łagodny. Pozostałe 30 kolumn zawiera cechy, tj. charakterystyki nowotworu.

- (a) Otwórz zbiory breast-cancer-train.dat i breast-cancer-validate.dat używając funkcji `pd.io.parsers.read_csv` z biblioteki pandas.
- (b) Stwórz histogram i wykres wybranej kolumny danych przy pomocy funkcji `hist` oraz `plot`. Pamiętaj o podpisaniu osi i wykresów.
- (c) Stwórz reprezentacje danych zawartych w obu zbiorach dla liniowej i kwadratowej metody najmniejszych kwadratów (łącznie 4 macierze). Dla reprezentacji kwadratowej użyj tylko podzbioru dostępnych danych, tj. danych z kolumn `radius (mean)`, `perimeter (mean)`, `area (mean)`, `symmetry (mean)`.
- (d) Stwórz wektor `b` dla obu zbiorów (tablicę numpy 1D-array o rozmiarze identycznym jak rozmiar kolumny Malignant/Benign odpowiedniego zbioru danych). Elementy wektora `b` to 1 jeśli nowotwór jest złośliwy, -1 w przeciwnym wypadku. Funkcja `np.where` umożliwi zwięźle zakodowanie wektora `b`.
- (e) Znajdź wagi dla liniowej oraz kwadratowej reprezentacji najmniejszych kwadratów przy pomocy macierzy `A` zbudowanych na podstawie zbioru breast-cancer-train.dat. Potrzebny będzie także wektor `b` zbudowany na podstawie zbioru breast-cancer-train.dat.

Uwaga. Problem najmniejszych kwadratów należy rozwiązać stosując równanie normalne (tj. nie używając funkcji `scipy.linalg.lstsq`). Rozwiązując równanie normalne należy użyć funkcji `solve`, unikając obliczania odwrotności macierzy funkcją `scipy.linalg.pinv`.

- (f) Oblicz współczynniki uwarunkowania macierzy, `cond(AT A)`, dla liniowej i kwadratowej metody najmniejszych kwadratów.
- (g) Sprawdź jak dobrze otrzymane wagi przewidują typ nowotworu (łagodny czy złośliwy). W tym celu pomnóż liniową reprezentację zbioru `breast-cancer-validate.dat` oraz wyliczony wektor wag dla reprezentacji liniowej. Następnie powtórz odpowiednie mnożenie dla reprezentacji kwadratowej. Zarówno dla reprezentacji liniowej jak i kwadratowej otrzymamy wektor `p`. Zakładamy, że jeśli  $p[i] > 0$ , to *i*-ta osoba (prawdopodobnie) ma nowotwór złośliwy. Jeśli  $p[i] \leq 0$  to *i*-ta osoba (prawdopodobnie) ma nowotwór łagodny.

Porównaj wektory `p` dla reprezentacji liniowej i kwadratowej z wektorem `b` (użyj reguł  $p[i] > 0$  oraz  $p[i] \leq 0$ ).

Oblicz liczbę fałszywie dodatnich (ang. `false-positives`) oraz fałszywie ujemnych (ang. `false-negatives`) przypadków dla obu reprezentacji. Przypadek fałszywie dodatni zachodzi, kiedy model przewiduje nowotwór złośliwy, gdy w rzeczywistości nowotwór był łagodny. Przypadek fałszywie ujemny zachodzi, kiedy model przewiduje nowotwór łagodny, gdy w rzeczywistości nowotwór był złośliwy.

## 2.1 Rozwiązanie

### 2.1.1 Biblioteki

Korzystam z biblioteki NumPy ze względu na jej zalety w pracy z wielowymiarowymi tablicami danych oraz operacjami numerycznymi. Używam także biblioteki Pandas, która umożliwia efektywną pracę z danymi w postaci tabelarycznej. Do rysowania wykresów wykorzystuję bibliotekę `matplotlib`.

```
[ ]: import pandas as pd
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from numpy.linalg import solve, cond
```

Wczytanie nazw kolumn z pliku

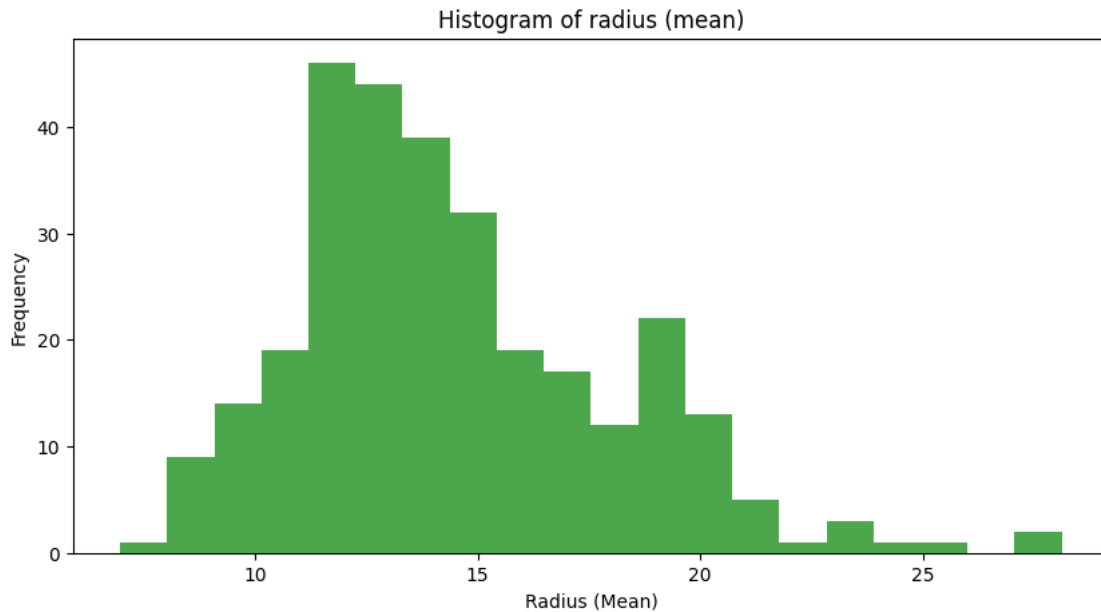
```
[ ]: labels_path = './breast-cancer.labels'
with open(labels_path, 'r') as file:
    column_names = file.read().splitlines()
```

Wczytanie zbiorów danych

```
[ ]: train_data_path = './breast-cancer-train.dat'
validate_data_path = './breast-cancer-validate.dat'
train_data = pd.io.parsers.read_csv(train_data_path, header=None,
    ↪names=column_names)
validate_data = pd.io.parsers.read_csv(validate_data_path, header=None,
    ↪names=column_names)
```

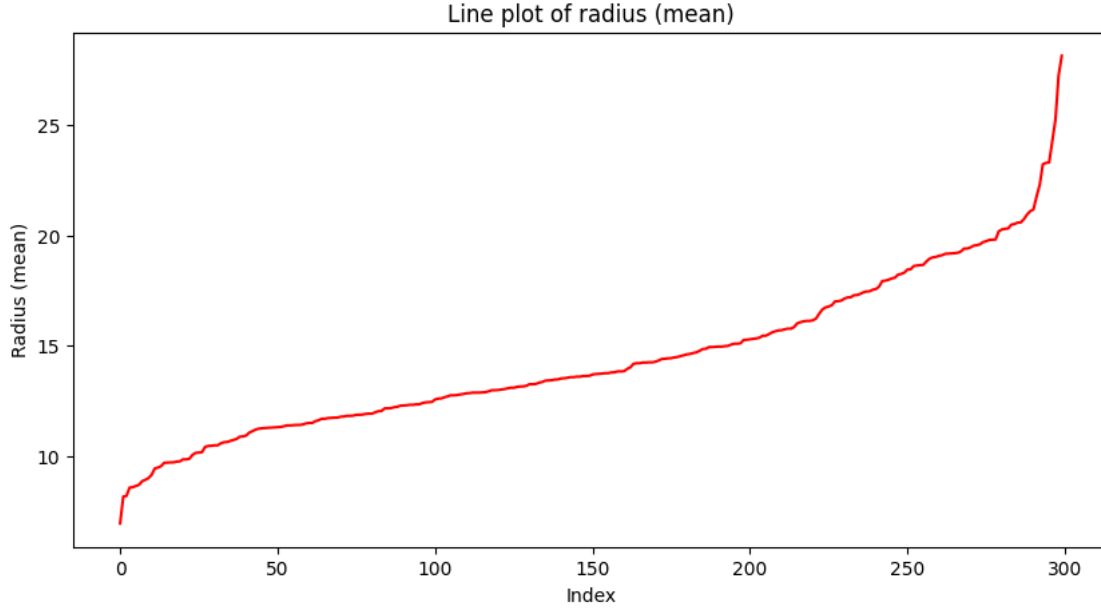
### 2.1.2 Histogram dla kolumny 'radius (mean)'

```
[ ]: plt.figure(figsize=(10, 5))
plt.hist(train_data['radius (mean)'], bins=20, color='green', alpha=0.7)
plt.title('Histogram of radius (mean)')
plt.xlabel('Radius (Mean)')
plt.ylabel('Frequency')
plt.show()
```



### 2.1.3 Wykres liniowy dla kolumny 'radius (mean)'

```
[ ]: plt.figure(figsize=(10, 5))
plt.plot(train_data['radius (mean)'].sort_values().reset_index(drop=True),
         color='red')
plt.title('Line plot of radius (mean)')
plt.xlabel('Index')
plt.ylabel('Radius (mean)')
plt.show()
```



Na wykresach możemy zaobserwować, że zdecydowana większość pacjentów posiada guza, którego średnica jest między 10 a 20. Wykres liniowy został narysowany dla rosnących wartości średnicy aby lepiej można było zaobserwować tendencję wielkości.

#### 2.1.4 Przygotowanie macierzy dla metod liniowej i kwadratowej

Dla metody liniowej macierz wygląda następująco:

$$A_{\text{lin}} = \begin{bmatrix} f_{1,1} & f_{1,2} & f_{1,3} & f_{1,4} \\ f_{2,1} & f_{2,2} & f_{2,3} & f_{2,4} \\ \vdots & \vdots & \vdots & \vdots \\ f_{n,1} & f_{n,2} & f_{n,3} & f_{n,4} \end{bmatrix}$$

A dla kwadratowej:

$$A_{\text{quad}} = \begin{bmatrix} f_{1,1}, f_{1,2}, f_{1,3}, f_{1,4}, f_{1,1}^2, f_{1,2}^2, f_{1,3}^2, f_{1,4}^2, f_{1,1}f_{1,2}, f_{1,1}f_{1,3}, f_{1,1}f_{1,4}, f_{1,2}f_{1,3}, f_{1,2}f_{1,4}, f_{1,3}f_{1,4} \\ \vdots \\ f_{n,0}, f_{n,1}, f_{n,2}, f_{n,3}, f_{n,0}^2, f_{n,1}^2, f_{n,2}^2, f_{n,3}^2, f_{n,1}f_{n,2}, f_{n,1}f_{n,3}, f_{n,1}f_{n,4}, f_{n,2}f_{n,3}, f_{n,2}f_{n,4}, f_{n,3}f_{n,4} \end{bmatrix}$$

```
[ ]: columns_quadratic = ['radius (mean)', 'perimeter (mean)', 'area (mean)', 'symmetry (mean)']
cq = columns_quadratic
```

```

A_train_linear = np.matrix(train_data.iloc[:, 2:])
A_validate_linear = np.matrix(validate_data.iloc[:, 2:])

train_quadratic = train_data[columns_quadratic]
validate_quadratic = validate_data[columns_quadratic]

quadratic_square = np.square(train_quadratic)
quadratic_product = pd.concat([train_quadratic[cq[0]]*train_quadratic[cq[1]],
    ↪train_quadratic[cq[0]]*train_quadratic[cq[2]],
    train_quadratic[cq[0]]*train_quadratic[cq[3]],
    ↪train_quadratic[cq[1]]*train_quadratic[cq[2]],
    train_quadratic[cq[1]]*train_quadratic[cq[3]],
    ↪train_quadratic[cq[2]]*train_quadratic[cq[3]]], axis = 1)

A_train_quadratic = np.concatenate((train_quadratic, quadratic_square,
    ↪quadratic_product), axis = 1)

validate_square = np.square(validate_quadratic)
validate_product = pd.
    ↪concat([validate_quadratic[cq[0]]*validate_quadratic[cq[1]],
    ↪validate_quadratic[cq[0]]*validate_quadratic[cq[2]],
    validate_quadratic[cq[0]]*validate_quadratic[cq[3]],
    ↪validate_quadratic[cq[1]]*validate_quadratic[cq[2]],
    validate_quadratic[cq[1]]*validate_quadratic[cq[3]],
    ↪validate_quadratic[cq[2]]*validate_quadratic[cq[3]]], axis = 1)

A_validate_quadratic = np.concatenate((validate_quadratic, validate_square,
    ↪validate_product), axis = 1)

```

### 2.1.5 Stworzenie wektorów b

```

[ ]: b_train = np.where(train_data['Malignant/Benign'] == 'M', 1, -1)
b_validate = np.where(validate_data['Malignant/Benign'] == 'M', 1, -1)

```

### 2.1.6 Znalezienie wag metodą najmniejszych kwadratów

$$w = (A^T A)^{-1} A^T b$$

```
[ ]: weights_linear = solve(A_train_linear.T @ A_train_linear, A_train_linear.T @
    ↪ b_train[:, np.newaxis]).flat
weights_quadratic = solve(A_train_quadratic.T @ A_train_quadratic,
    ↪ A_train_quadratic.T @ b_train[:, np.newaxis]).flat
```

### 2.1.7 Obliczenie współczynników uwarunkowania macierzy

```
[ ]: cond_linear = cond(A_train_linear.T @ A_train_linear)
cond_quadratic = cond(A_train_quadratic.T @ A_train_quadratic)

print("cond_linear: ", cond_linear, "\n cond_quadratic: ", cond_quadratic)
```

```
cond_linear: 1809248222566.8225
cond_quadratic: 9.056816948763561e+17
```

### 2.1.8 Obliczenie fałszywie dodatnich oraz fałszywie ujemnych przypadków

```
[ ]: p_linear = A_validate_linear @ weights_linear
p_quadratic = A_validate_quadratic @ weights_quadratic

predictions_linear = np.where(p_linear > 0, 1, -1)
predictions_quadratic = np.where(p_quadratic > 0, 1, -1)

fp_linear = np.sum((predictions_linear == 1) & (b_validate == -1))
fn_linear = np.sum((predictions_linear == -1) & (b_validate == 1))
fp_quadratic = np.sum((predictions_quadratic == 1) & (b_validate == -1))
fn_quadratic = np.sum((predictions_quadratic == -1) & (b_validate == 1))

print("Linear \n False Positive:", fp_linear, "\n False Negative:", fn_linear)
print("Quadratic \n False Positive:", fp_quadratic, "\n False Negative:",
    ↪ fn_quadratic)
```

```
Linear
False Positive: 6
False Negative: 2
Quadratic
False Positive: 15
False Negative: 5
```

## 2.2 Wnioski

Jak można zauważyć waga oraz macierz otrzymane przy pomocy liniowej metody najmniejszych kwadratów dały mniej zarówno fałszywie pozytywnych jak i fałszywie negatywnych wyników niż metoda kwadratowa. Może to wynikać z faktu, że do macierzy tworzonej dla metody kwadratowej przekazaliśmy mniej danych.

Współczynnik uwarunkowania macierzy dla liniowej reprezentacji jest również o wiele mniejszy od współczynnika wyliczonego dla reprezentacji kwadratowej. Oznacza to, że w większym stop-

niu błąd reprezentacji numerycznej danych wejściowych wpływa na błąd wyniku w reprezentacji kwadratowej.

Podsumowując, przeprowadzona analiza pokazuje, że ilość przekazanych do modelu danych oraz wybór metody jaką będziemy te dane analizować ma kluczowy wpływ na wyniki jakie otrzymamy. Żadna z użytych metod nie dała idealnych wyników, ale metoda liniowa najmniejszych kwadratów sprawdziła się lepiej.

## **2.3 Bibliografia**

[http://heath.cs.illinois.edu/scicomp/notes/cs450\\_chapt03.pdf](http://heath.cs.illinois.edu/scicomp/notes/cs450_chapt03.pdf)

<https://numpy.org/doc/stable/reference/generated/numpy.linalg.solve.html>

prezentacja Least squares metod Marcin Kuta