Demo主要是两个pathway：sce00010和sce04111，其它是他俩链接的pathway。

需要：安装python的lxml包：sudo apt-get install python-lxml

运行：python convert.py –f filename(pathway\_name)

结果：./filename\_gene.json

./filename\_relation.json

例子：Python convert.py –f sce04111

生成：

./sce04111\_gene.json

./sce04111\_relation.json

生成文件数据结构：

filename\_gene.json

**gene**

-name

-type

-x

-y

-gtype

-width

-height

-fgcolor

-bgcolor

**reaction**

-name

-reversible（true/false,）可逆不可逆

-substrates（底物）

-products（产物）

-related-reactions（连接的反应）

Gene\_type

Gene\_ID 每个gene特有的

filename\_relation.json

**relations**

-type

-subtype

**entry1**

-entryID（对应gene\_ID）

-type(gene，group)

-name

-group（type=group时才有）

**entry2**

-entryID

-type

-name

-group