

✓ DATOS:

CASOS	duraciones	aún en UCI	cep2
1	$d_1$	SI	$c_1$
2	$d_2$	NO	$c_2$
3	$d_3$	NO	$c_1$
4	$d_4$	NO	$c_2$
$\vdots$	$\vdots$	$\vdots$	$\vdots$
N	$d_N$	SI	$c_1$

SUPONEMOS QUE  $d_i \sim \text{NBD}(\alpha_c, r_c)$  P2R2 CEP2 C

✓ VEROSIMILITUD

$$L_i = \begin{cases} g(d_i | \alpha_c, r_c) & \text{si salió de UCI} \\ \Pr(d_i > d^{\text{NOW}}) & \text{si aún en UCI} \end{cases}$$

$g()$  densidad de NBD y  $d^{\text{NOW}}$  estádr h2str2 zhor2 (15 de Mayo)

$$\Rightarrow LL = \sum_i \sum_c \delta_{ic} \cdot \log(L_i | \{\alpha_c, r_c\})$$

└ 1 si caso i es cep2 c.

Nos interesa ver si las cep2 vienen de la misma distribución. Lo que se puede hacer usando test de rtvos de verosimilitud.

SUPONGAMOS TENEMOS DOS CEP2 A Y B. Entonces hay que correr un modelo restringido, en que  $\alpha_A = \alpha_B$  y  $r_A = r_B$ .  $\rightarrow$  2 restricciones

$$LR = 2(LL_{\text{full}} - LL_{\text{restringido}}) \sim \chi^2_{(2)}$$

CASO ESPECIAL:

si NBD parametriz2 dz tl que  $d = \text{mean}$ , podemos testear diferencias de medias imponiendo una única restricción  $\alpha_A = \alpha_B$  □