## main

## June 13, 2023

```
[]: """Atividade 6: Autômatos Celulares."""
     import glob
     import os
     import matplotlib as mpl
     import matplotlib.pyplot as plt
     import numpy as np
     from PIL import Image
[]: IMG_PATH = "6-autômatos-celulares/img"
     FRAMES_PATH = f"{IMG_PATH}/frames"
[ ]: SAUDÁVEL = O
     INFECTADO = 1
     RECUPERADO = 2
     REPETIÇÕES = 10
[]: def simula_infectados(
         tamanho: int,
         passos: int,
         infectados_incial: int,
         prob_curar: float,
         prob_infectar: float,
     ):
         """Roda uma simulação com tamanho, passos e num_infectados."""
         vizinhos = [(0, 1), (1, 0), (-1, 0), (0, -1)]
         pessoas_original = np.zeros((tamanho, tamanho), dtype=np.int8)
         infectados = np.random.choice(tamanho * tamanho, infectados_incial, u
      →replace=False)
         pessoas_original.ravel()[infectados] = 1
         num_infectados = np.zeros((REPETIÇÕES, passos))
         num_recuperados = np.zeros((REPETIÇÕES, passos))
         num_saudáveis = np.zeros((REPETIÇÕES, passos))
```

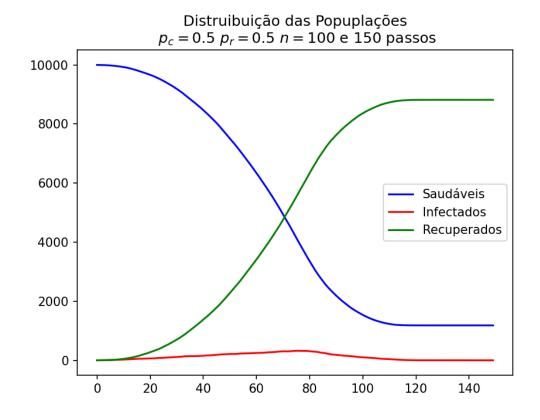
```
cmap = mpl.colors.ListedColormap(["blue", "red", "green"])
  files = glob.glob(f"{FRAMES_PATH}/*")
  for f in files:
      os.remove(f)
  frames = \Pi
  for y in range(REPETIÇÕES):
      frames.clear()
      pessoas = pessoas_original.copy()
      for z in range(passos):
          novas_pessoas = pessoas.copy()
          plt.imshow(pessoas, cmap=cmap, vmin=SAUDÁVEL, vmax=RECUPERADO)
          plt.autoscale(False)
          plt.colorbar()
          plt.savefig(f"{FRAMES_PATH}/{z+1}.png")
          plt.clf()
           img = Image.open(f"{FRAMES_PATH}/{z+1}.png")
           frames.append(img)
          num_saudáveis[y][z] = np.count_nonzero(novas_pessoas == SAUDÁVEL)
           num_recuperados[y][z] = np.count_nonzero(novas_pessoas ==_
→RECUPERADO)
          num_infectados[y][z] = np.count_nonzero(novas_pessoas == INFECTADO)
           for i in range(tamanho):
               for j in range(tamanho):
                   if pessoas[i][j] == INFECTADO and np.random.rand() <__
→prob_curar:
                       novas_pessoas[i][j] = RECUPERADO
                   if pessoas[i][j] == SAUDÁVEL:
                       for k in vizinhos:
                           if (
                               pessoas[(i + k[0]) \% tamanho][(j + k[1]) \%_{\square}]
→tamanhol
                               == INFECTADO
                               and np.random.rand() < prob_infectar</pre>
                           ):
                               novas_pessoas[i][j] = 1
           pessoas = novas_pessoas
  num_infectados_avg = np.mean(num_infectados, axis=0)
  num_recuperados_avg = np.mean(num_recuperados, axis=0)
  num_saudáveis_avg = np.mean(num_saudáveis, axis=0)
  # Evita plot vazio no final
  plt.close()
  plt.title(
      f"Distruibuição das Popuplações\n $p_c = {prob_infectar}$ $p_r = __

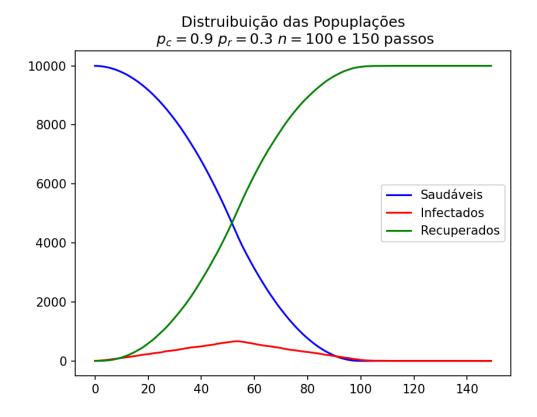
¬{prob_curar}$ $n = {tamanho}$ e {passos} passos"
```

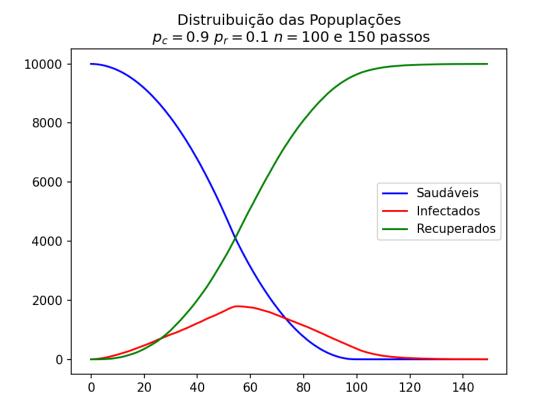
```
plt.plot(num_saudáveis_avg, color="b", label="Saudáveis")
plt.plot(num_infectados_avg, color="r", label="Infectados")
plt.plot(num_recuperados_avg, color="g", label="Recuperados")
plt.legend()
plt.savefig(f"{IMG_PATH}/pop-c{prob_curar}-i{prob_infectar}.png")
plt.show()
return frames
```

```
[1]: # (Curar, Infectar)
    probabilidades = [(0.5, 0.5), (0.3, 0.9), (0.1, 0.9)]

for p in probabilidades:
    frames = simula_infectados(100, 150, 1, p[0], p[1])
    frames[0].save(
        f"{IMG_PATH}/animation-c{p[0]}-i{p[1]}.gif",
        format="GIF",
        append_images=frames[1:],
        save_all=True,
        duration=50,
        loop=0,
        )
```







## 1 Análise

Condição inicial: apenas um individuo (aleatório) infectado.

Conjuntos para as probabilidades:  $(p_c, p_r) = [(0.5, 0.5), (0.9, 0.3), (0.9, 0.1)]$ . A escolha desses parâmetros teve como base os seguintes critério: na prática, o módulo das probabilidades define a velocidade da simulação, enquanto o comportamento como um todo depende da proporção entre contaminar e recuperar.

Os experimentos foram repetidos 10 vezes, para aumentar a confiabilidade.

- Na proporção 1:1, muitos indivíduos conseguem escapar da contaminação (como esperado). Além disso, o pico de contaminação é muito baixo.
- Na proporção 3:1, o pico acontece um pouco mais cedo e é maior. Mais indivíduos são contamidos.
- Na proporção 9:1, o pico acontece no mesmo instante da proporção 3:1, mas é mais intenso.

Em todos os casos há convergência.

[]: