

1 Datensets

1.1 MetaPhyler

	Sequenzen	Basenpaare
Original	73086	300
Rechercheergebnis	40039	644,51

Link: <http://metaphyler.cbc.umd.edu/#download>
MetaPhylerSRVO.115.tar.gz(30MB)
Markers.fna wurde als Dataset verwendet.

1.2 PhymmBL

	Sequenzen	Basenpaare
Original	80215	243
Rechercheergebnis	73252	204,46

Link: www.cbc.umd.edu/software/phymm/exp_datasets/
Besteht aus mehreren Textdateien aufgeteilt in 100bp, 200bp, 400bp, 800bp und 1000bp.

1.3 RAIPhy

	Sequenzen	Basenpaare
Original	477000	238
Rechercheergebnis	477000	233,33

Link: <http://bioinfo.unl.edu/raiphy.php>
Genutzt Simple Test(36,6MB).
Besteht aus drei Fastadateien aufgeteilt in 100bp, 200bp und 400bp.

1.4 CARMA

	Sequenzen	Basenpaare
Original	25000	265
Rechercheergebnis	25000	265

Link: http://www.cebitec.uni-bielefeld.de/webcarma.cebitec.uni-bielefeld.de/download/simulated_metagenome_454_265bp.fna

1.5 PhyloPythia

	Sequenzen	Basenpaare
Original	124941	961
Rechercheergebnis	114457	969,09

Link: http://fames.jgi-psf.org/Retrieve_data.html
SimMC Dataset sequence file runtergeladen.
Besteht aus 113 Fastadateien.

1.6 FACS

	Sequenzen	Basenpaare
Original	1000000	269
Rechercheergebnis		

Nicht gefunden.

Email an Autoren geschrieben, warten auf Antwort.