

# DBSCAN: Density-Based Spatial Clustering

MAESTRÍA EN CIENCIAS DE LOS DATOS

CENTRO UNIVERSITARIO DE CIENCIAS ECONÓMICO-ADMINISTRATIVAS

Por: Ilse Arredondo Reyes



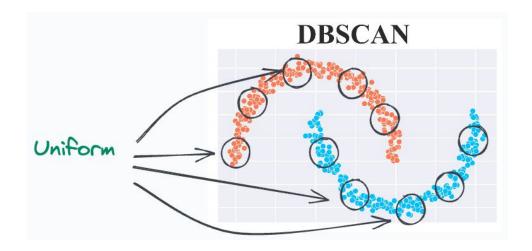
# ¿Qué es el Clustering?

**Objetivo del Clustering:** Agrupar puntos de datos similares sin conocimiento previo de los grupos (Aprendizaje No Supervisado).

¿Por qué Agrupar? Descubrir patrones ocultos, segmentar datos, detección de anomalías, reducción de datos.

**Desafío Común:** Muchos algoritmos (como K-Means) asumen que los clústeres son esféricos y tienen dificultades con formas complejas o ruido.

Entra DBSCAN: Un enfoque basado en densidad diseñado para superar estas limitaciones.





# **DBSCAN**

Agrupamiento Espacial Basado en Densidad de Aplicaciones con Ruido (Density-Based Spatial Clustering of Applications with Noise). **Idea Central:** Define los clusters como regiones continuas de alta densidad de puntos, separadas por regiones de baja densidad.

#### **Características Clave:**

- No requiere especificar el número de clústeres de antemano.
- Puede encontrar clústeres de formas arbitrarias.
- Identifica explícitamente puntos de ruido (outliers).
- Basado en dos parámetros clave: ∈ (eps) y MinPts.



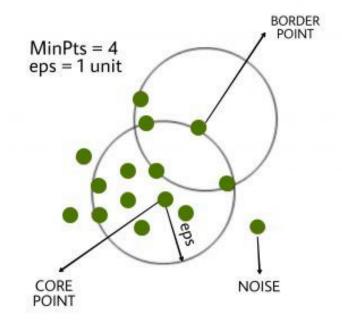
# Conceptos Clave (1/2) - Parámetros

#### Parámetro 1: € (Épsilon / eps)

- Representa un umbral de distancia.
- Define el radio de una "vecindad" alrededor de cada punto de datos..

#### Parámetro 2: MinPts (Puntos Mínimos)

- El número mínimo de puntos de datos requeridos dentro de la vecindad ∈ de un punto para que éste sea considerado "denso".
- Este conteo incluye al propio punto.





# Conceptos Clave (2/2) - Clasificación de Puntos

#### Basado en € y MinPts, los puntos se clasifican en tres tipos:

- Punto Central (Core Point): Un punto que tiene al menos MinPts puntos (incluyéndose a sí mismo) dentro de su vecindad ε. Estos puntos están en el interior de un clúster.
- **Punto Frontera (Border Point):** Un punto que no es un punto central (menos de MinPts vecinos) pero se encuentra dentro de la vecindad € de un punto central. Estos puntos están en el borde de un clúster.
- **Punto Ruido (Noise Point / Outlier):** Un punto que no es ni central ni frontera. No es lo suficientemente dense ni está lo suficientemente cerca de una región densa.



# Conceptos Centrales - Alcanzabilidad (Reachability)

Cómo se forman los clústeres: conectando puntos densos.

**Directamente Alcanzable por Densidad (Directly Density-Reachable):** 

El punto q es directamente alcanzable por densidad desde el punto p si: q está dentro de la vecindad  $\epsilon$  de p. p es un punto central.

**Alcanzable por Densidad (Density-Reachable):** El punto q es alcanzable por densidad desde el punto p si existe una cadena de puntos p1,p2,...,pn donde p1=p, pn=q, y cada pi+1 es directamente alcanzable por densidad desde pi.

**Conectado por Densidad (Density-Connected):** Los puntos p y q están conectados por densidad si existe un punto central o tal que tanto p como q son alcanzables por densidad desde o.

Definición de Clúster: Un clúster DBSCAN es un conjunto maximal de puntos conectados por densidad. Cualquier punto no alcanzable desde un punto central se considera ruido.



### Las Matemáticas Detrás de DBSCAN

Métrica de Distancia: Cómo medimos la "cercanía".

Más común: Distancia Euclidiana en espacio -dimensional:

$$d(p,q) = \sqrt{\sum_{i=1}^d (p_i - q_i)^2}$$

Se pueden usar otras métricas (Manhattan, Coseno, etc.) dependiendo del tipo de datos y el dominio. La elección de la métrica es crucial.

Consulta de Vecindad- (N $\epsilon$ (p)): El conjunto de puntos dentro de la distancia  $\epsilon$  del punto p.



Consulta de Vecindad- (N $\epsilon$ (p)): El conjunto de puntos dentro de la distancia  $\epsilon$  del punto p.

$$N_{\epsilon}(p) = q \in D \mid d(p,q) \leq \epsilon$$

Donde D es el conjunto de datos.

**Condición de Punto Central:** Un punto p es un punto central si el tamaño (cardinalidad) de su vecindad € alcanza o supera MinPts.

Nota: Encontrar eficientemente para todos los puntos es clave para el rendimiento (a menudo utiliza índices espaciales como k-d trees o R-trees).

$$|N_{\epsilon}(p)| \geq MinPts$$



### ALGORITMO - PASO A PASO

- Inicializar todos los puntos como no visitados.
- Iterar sobre cada punto p no visitado en el conjunto de datos D:
  - Marcar p como visitado.
  - b. Encontrar su vecindad  $\epsilon$ : N $\epsilon$ (p).
  - Si  $|N \in (p)| < MinPts$ :
    - i. Marcar p (temporalmente) como RUIDO.
      - 1. Sino (p es un punto central)
    - Crear un nuevo clúster C. Añadir p a C.
    - Inicializar un conjunto semilla S con todos los puntos en  $N \in (p)$  (excluyendo p mismo).
    - Mientras S no esté vacío:
      - 1. Seleccionar y eliminar un punto q de S.
      - Si q fue marcado como RUIDO, cambiar su estado y añadirlo al clúster C.
      - Si q no ha sido visitado:
        - a. Marcar q como visitado.

        - b. Encontrar su vecindad ∈: N∈(q).
          c. Si |N∈(q)|≥MinPts (q también es un punto central)
      - \* Añadir todos los puntos de Ne(q) que no estén visitados o marcados como RUIDO al conjunto semilla S.
        - Si q aún no está asignado a ningún clúster, añadir q al clúster C.
- Fin del Bucle. Todos los puntos están ahora asignados a un clúster o marcados como RUIDO.



# HIPERPARÁMETROS

#### eps (€):

- o **Impacto:** Controla cuán cerca deben estar los puntos para ser considerados vecinos. Afecta el tamaño y número de clústeres.
- Demasiado pequeño: La mayoría de los puntos se vuelven ruido; muchos clústeres pequeños.
- O Demasiado grande: Los clústeres se fusionan; menos clústeres, más grandes.
- Ajuste: A menudo se elige usando un gráfico de distancia-k. Calcular la distancia al k-ésimo vecino más cercano (donde k=MinPts−1) para todos los puntos. Ordenar estas distancias y buscar el punto de "codo" en la gráfica.

#### • MinPts:

- o Impacto: Controla la densidad mínima requerida para formar un núcleo de clúster. Afecta la sensibilidad al ruido.
- Demasiado pequeño: Podrían formarse clústeres dispersos; se identifica menos ruido.
- Demasiado grande: Requiere mayor densidad; clústeres más pequeños podrían omitirse y etiquetarse como ruido.
- Ajuste: A menudo se establece basado en el conocimiento del dominio o la dimensionalidad (D). Heurísticas comunes: MinPts≥D+1 o MinPts=2×D. Valores más grandes hacen los resultados más robustos pero podrían omitir clústeres más pequeños.

#### metric:

La función de distancia utilizada (ej., 'euclidean', 'manhattan'). La elección depende mucho de la naturaleza de las características de los datos.

# Métricas de Rendimiento (Evaluación)

Evaluar el clustering es inherentemente subjetivo sin etiquetas de verdad fundamental (ground truth).

Métricas Internas (Evalúan basado en la estructura del clúster):

**Silhouette Score:** Mide cuán similar es un objeto a su propio clúster en comparación con otros clústeres. Rango de -1 a 1. Más alto es mejor (clústeres bien separados). Considera compacidad y separación.

Davies-Bouldin Index: Ratio de la dispersión intra-clúster a la separación inter-clúster. Más bajo es mejor (clústeres compactos y lejos entre sí).

Calinski-Harabasz Index (Criterio de Ratio de Varianza): Ratio de la suma de la dispersión inter-clúster a la dispersión intra-clúster. Más alto es mejor.

Métricas Externas (Requieren etiquetas verdaderas - para benchmarking/pruebas):

Adjusted Rand Index (ARI): Mide la similitud entre las agrupaciones verdadera y predicha, corregida por azar. Rango de -1 a 1. Más alto es mejor.

**Normalized Mutual Information (NMI):** Mide la dependencia mutua entre las agrupaciones verdadera y predicha, normalizada. Rango de 0 a 1. Más alto es mejor.

Homogeneidad, Completitud, V-measure: Evalúan si los clústeres contienen solo miembros de una única clase (homogeneidad), si todos los miembros de una clase están en el mismo clúster (completitud), y su media armónica (V-measure). Rango [0, 1]. Más alto es mejor.

Nota sobre el Ruido: Algunas métricas pueden necesitar ajuste o interpretación ya que DBSCAN etiqueta explícitamente puntos de ruido (a menudo asignados a la etiqueta de clúster -1), lo cual podría no ser directamente comparable en cálculos de métricas estándar.



### **V**ENTAJAS

No necesita especificar el número de clústeres: Descubre clústeres orgánicamente basado en la densidad.

Encuentra formas arbitrarias: No está limitado a clústeres convexos/esféricos como K-Means.

Robusto al ruido: Identifica y maneja explícitamente outliers.

Conceptualmente intuitivo: Basado en ideas comprensibles de densidad y alcanzabilidad.

**Independiente del orden (en su mayoría):** Los puntos centrales y de ruido siempre se determinan de la misma manera. Los puntos frontera podrían teóricamente asignarse a diferentes clústeres dependiendo del orden de procesamiento, pero esto es raro en la práctica.



### **D**ESVENTAJAS

**Sensibilidad a los Parámetros:** El rendimiento depende mucho de elegir buenos valores de y MinPts, lo cual puede ser no trivial.

**Dificultades con clústeres de densidad variable:** No puede agrupar eficazmente conjuntos de datos donde diferentes regiones tienen densidades muy diferentes usando una única configuración global de  $\epsilon$  y MinPts. (Extensiones como OPTICS o HDBSCAN abordan esto).

"Maldición de la Dimensionalidad": Las medidas de distancia se vuelven menos significativas en espacios de muy alta dimensión, impactando la estimación de densidad.

**Complejidad Computacional:** Puede ser O(n²) en el peor caso sin indexación espacial. Con indexación (como k-d trees), la complejidad promedio es a menudo O(n log (n)), pero la construcción del índice puede ser costosa.



# Aplicaciones en el Mundo Real

#### Análisis de Datos Geográficos:

Identificación de puntos calientes (hotspots) de crimen.

Encontrar clústeres de puntos de interés (ej., restaurantes, tiendas).

Análisis de la distribución espacial de enfermedades o eventos.

#### Detección de Anomalías:

Identificación de transacciones fraudulentas (puntos ruido).

Detección de intrusiones en tráfico de red.

Encontrar productos defectuosos a partir de datos de sensores.

#### Biología y Medicina:

Agrupamiento de datos de expresión génica.

Análisis de poblaciones celulares en citometría de flujo.

#### Procesamiento de Imágenes:

Segmentación de imágenes basada en densidad/color de píxeles.

Sistemas de Recomendación:

Agrupación de usuarios con comportamientos similares (aunque a menudo de alta dimensión).



### Conclusión y Resumen

DBSCAN es un potente algoritmo de clustering no supervisado basado en densidad.

**Fortalezas clave:** Maneja formas arbitrarias, identifica ruido, no requiere pre-especificar el número de clústeres.

Se basa en conceptos intuitivos: vecindad-, MinPts, puntos centrales/frontera/ruido, alcanzabilidad por densidad.

**Desafíos principales:** Ajuste de parámetros (€, MinPts) y clústeres de densidad variable.

Ampliamente utilizado para datos espaciales, detección de anomalías y escenarios donde las formas de los clústeres son complejas.

